Información del listado de secuencias:

Versión DTD: V1_3

Nombre del archivo: 747703-SA9-741PC.xml

Nombre del software: WIPO Sequence

Versión del software: 2.3.0

Fecha de producción: 2024-02-27

Información general:

Presente solicitud / Oficina IP: WO

Presente solicitud / número de solicitud: PCT/US24/15223

Presente solicitud / fecha de presentación: 2024-02-09

Presente solicitud / referencia de presentación del solicitante: 747703: SA9-741PC

Primera solicitud de prioridad / Oficina IP: US

Primera solicitud de prioridad / número de solicitud: 63/444,839

Primera solicitud de prioridad / fecha de presentación: 2023-02-10

Nombre del solicitante: AMUNIX PHARMACEUTICALS, INC.

Nombre del solicitante / idioma: inglés

Nombre del inventor: DUBROVSKAYA, VIKTORIYA

Nombre del inventor / idioma: inglés

Título de la invención: COMPOSICIONES DIRIGIDAS AL ANTÍGENO DE MEMBRANA ESPECÍFICO DE PRÓSTATA (PSMA) Y MÉTODOS PARA ELABORAR Y UTILIZAR LAS MISMAS

Cantidad total de secuencias: 9454

Secuencias:

Número de secuencia (ID): 1

Longitud: 14

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..14

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RSSNGAVTSS NYAN 14

Número de secuencia (ID): 2

Longitud: 14

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..14

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RSSNGEVTTS NYAN 14

Número de secuencia (ID): 3

Longitud: 14

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..14

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RSSTGAVTTS NYAN 14

Número de secuencia (ID): 4

Longitud: 7

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..7

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTNKRAP 7

Número de secuencia (ID): 5

Longitud: 7

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..7

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTIKRAP 7

Número de secuencia (ID): 6

Longitud: 9

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..9

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ALWYPNLWV 9

Número de secuencia (ID): 7

Longitud: 9

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..9

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ALWYSNLWV 9

Número de secuencia (ID): 8

Longitud: 10

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..10

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GFTFNTYAMN 10

Número de secuencia (ID): 9

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RIRSKYNNYA TYYADSVKD 19

Número de secuencia (ID): 10

Longitud: 14

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..14

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

HENFGNSYVS WFAH 14

Número de secuencia (ID): 11

Longitud: 14

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..14

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

HGNFGNSYVS WFAY 14

Número de secuencia (ID): 12

Longitud: 10

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..10

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GFTFSTYAMN 10

Número de secuencia (ID): 13

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RIRTKRNNYA TYYADSVKG 19

Número de secuencia (ID): 14

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 15

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 16

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 17

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 18

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 19

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 20

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 21

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 22

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 23

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 24

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 25

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 26

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 27

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 28

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 29

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 30

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 31

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 32

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 33

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 34

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 35

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 36

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 37

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 38

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 39

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 40

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 41

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 42

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 43

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 44

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 45

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 46

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 47

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 48

Longitud: 6

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..6
  > mol_type, proteína
  > organismo, constructo sintético

Residuos:

HHHHHH 6

Número de secuencia (ID): 49

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8
  > mol_type, proteína
  > organismo, constructo sintético

Residuos:

HHHHHHHH 8

Número de secuencia (ID): 50

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 51

Longitud: 22

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..22

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TC 22

Número de secuencia (ID): 52

Longitud: 15

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..15

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

WVQQKPGQAP RGLIG 15

Número de secuencia (ID): 53

Longitud: 32

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..32

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTPARFSGSL LGGKAALTLS GVQPEDEAVY YC 32

Número de secuencia (ID): 54

Longitud: 32

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..32

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTPARFSGSS LGGKAALTLS GVQPEDEAVY YC 32

Número de secuencia (ID): 55

Longitud: 32

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..32

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTPARFSGSL LGGSAALTLS GVQPEDEAVY YC 32

Número de secuencia (ID): 56

Longitud: 32

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..32

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTPARFSGSS LGGSAALTLS GVQPEDEAVY YC 32

Número de secuencia (ID): 57

Longitud: 32

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..32

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTPARFSGSL LGGKAALTLS GVQPEDEAEY YC 32

Número de secuencia (ID): 58

Longitud: 32

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..32

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTPARFSGSS LGGSAALTLS GVQPEDEAEY YC 32

Número de secuencia (ID): 59

Longitud: 10

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..10

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

FGGGTKLTVL 10

Número de secuencia (ID): 60

Longitud: 25

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..25

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAAS 25

Número de secuencia (ID): 61

Longitud: 25

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..25

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLQESGGG IVQPGGSLKL SCAAS 25

Número de secuencia (ID): 62

Longitud: 25

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..25

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLQESGGG LVQPGGSLKL SCAAS 25

Número de secuencia (ID): 63

Longitud: 25

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..25

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG LVQPGGSLKL SCAAS 25

Número de secuencia (ID): 64

Longitud: 14

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..14

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

WVRQAPGKGL EWVA 14

Número de secuencia (ID): 65

Longitud: 32

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..32

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RFTISRDDSK NTVYLQMNNL KTEDTAVYYC VR 32

Número de secuencia (ID): 66

Longitud: 32

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..32

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RFTISRDDSK NTAYLQMNNL KTEDTAVYYC VR 32

Número de secuencia (ID): 67

Longitud: 11

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..11

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

WGQGTLVTVS S 11

Número de secuencia (ID): 68

Longitud: 10

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..10

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SPATSGSTPE 10

Número de secuencia (ID): 69

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPATSE 8

Número de secuencia (ID): 70

Longitud: 9

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..9

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTATE 9

Número de secuencia (ID): 71

Longitud: 7

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..7

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTE 7

Número de secuencia (ID): 72

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PATSGPTE 8

Número de secuencia (ID): 73

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SASPE 5

Número de secuencia (ID): 74

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PATSGSTE 8

Número de secuencia (ID): 75

Longitud: 9

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..9

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTSAE 9

Número de secuencia (ID): 76

Longitud: 7

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..7

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SATSGSE 7

Número de secuencia (ID): 77

Longitud: 9

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..9

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGSTPAE 9

Número de secuencia (ID): 78

Longitud: 11

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..11

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGSGPGTS E 11

Número de secuencia (ID): 79

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTSPSAT PE 12

Número de secuencia (ID): 80

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 81

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SESATPESGP GTSPGATPES GPGTSESATP 30

Número de secuencia (ID): 82

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSGEGSEGEG GGEGSEGEGS GEGGEGEGSG 30

Número de secuencia (ID): 83

Longitud: 32

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..32

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TGSGEGSEGE GGGEGSEGEG SGEGGEGEGS GT 32

Número de secuencia (ID): 84

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GATPPETGAE TESPGETTGG SAESEPPGEG 30

Número de secuencia (ID): 85

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAAPTAGTT PSASPAPPTG GSSAAGSPST 30

Número de secuencia (ID): 86

Longitud: 6

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..6

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGGGGS 6

Número de secuencia (ID): 87

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GGGGS 5

Número de secuencia (ID): 88

Longitud: 6

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..6

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GGSGGS 6

Número de secuencia (ID): 89

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

STEPS 5

Número de secuencia (ID): 90

Longitud: 10

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..10

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SATPESGPGT 10

Número de secuencia (ID): 91

Longitud: 10

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..10

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATSGSETPGT 10

Número de secuencia (ID): 92

Longitud: 10

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..10

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG 10

Número de secuencia (ID): 93

Longitud: 13

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..13

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

STEPSEGSAP GTS 13

Número de secuencia (ID): 94

Longitud: 6

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..6

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTS 6

Número de secuencia (ID): 95

Longitud: 7

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..7

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSTEPS 7

Número de secuencia (ID): 96

Longitud: 10

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..10

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSESATPES 10

Número de secuencia (ID): 97

Longitud: 10

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..10

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTATPESGPG 10

Número de secuencia (ID): 98

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 99

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 100

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 101

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 102

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 103

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGEVT TSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTIKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 104

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSSLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 105

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLQESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 106

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GSAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 107

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSSLG GSAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 108

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAEYYC ALWYSNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 109

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG LVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT AYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HGNFGNSYVS WFAYWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 110

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSSLG GSAALTLSGV QPEDEAEYYC ALWYSNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 111

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLQESGGG LVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT AYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HGNFGNSYVS WFAYWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 112

Longitud: 15

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..15

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GGGGSGGGGS GGGGS 15

Número de secuencia (ID): 113

Longitud: 18

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..18

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GEGTSTGSGG SGGSGGAD 18

Número de secuencia (ID): 114

Longitud: 18

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..18

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VEGGSGGSGG SGGSGGVD 18

Número de secuencia (ID): 115

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RTSGPGDGGK GGPGKGPGGE GTKGTGPGG 29

Número de secuencia (ID): 116

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSGEGSEGEG GGEGSEGEGS GEGGEGEGSG 30

Número de secuencia (ID): 117

Longitud: 32

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..32

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TGSGEGSEGE GGGEGSEGEG SGEGGEGEGS GT 32

Número de secuencia (ID): 118

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GATPPETGAE TESPGETTGG SAESEPPGEG 30

Número de secuencia (ID): 119

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAAPTAGTT PSASPAPPTG GSSAAGSPST 30

Número de secuencia (ID): 120

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GEGGESGGSE GEGSGEGEGG SGGEGESEGG 30

Número de secuencia (ID): 121

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

STETSPSTPT ESPEAGSGSG SPESPSGTEA 30

Número de secuencia (ID): 122

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PTGTTGEPSG EGSEPEGSAP TSSTSEATPS 30

Número de secuencia (ID): 123

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SESESEGEAP TGPGASTTPE PSESPTPETS 30

Número de secuencia (ID): 124

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PEGGESGEGT GPGTGGEPEG EGGPGGEGGT 30

Número de secuencia (ID): 125

Longitud: 9

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..9

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GGGGSGGGS 9

Número de secuencia (ID): 126

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 127

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 128

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 129

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 130

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 131

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 132

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 133

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 134

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 135

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 136

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 137

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 138

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 139

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 140

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 141

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 142

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 143

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 144

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 145

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 146

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 147

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 148

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 149

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 150

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 151

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 152

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 153

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 154

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 155

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 156

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 157

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 158

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 159

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 160

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 161

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 162

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 163

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 164

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 165

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 166

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 167

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 168

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 169

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 170

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 171

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 172

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 173

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 174

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 175

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 176

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 177

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 178

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 179

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSETPSGPSE TA 12

Número de secuencia (ID): 180

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GPSETSTSEP GA 12

Número de secuencia (ID): 181

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSPSEPTEGT SA 12

Número de secuencia (ID): 182

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GESPGGSSGS ES 12

Número de secuencia (ID): 183

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSEGSSGPGE SS 12

Número de secuencia (ID): 184

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSSESGSSEG GP 12

Número de secuencia (ID): 185

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSGGEPSESG SS 12

Número de secuencia (ID): 186

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSPAGSPTST EE 12

Número de secuencia (ID): 187

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSEPATSGSE TP 12

Número de secuencia (ID): 188

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSESATPES GP 12

Número de secuencia (ID): 189

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSTEPSEGS AP 12

Número de secuencia (ID): 190

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSTSESPSGT AP 12

Número de secuencia (ID): 191

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSTPESGSA SP 12

Número de secuencia (ID): 192

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSPSGESST AP 12

Número de secuencia (ID): 193

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSTSSTAESP GP 12

Número de secuencia (ID): 194

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTPGSGTASS SP 12

Número de secuencia (ID): 195

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSSTPSGATG SP 12

Número de secuencia (ID): 196

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSSPSASTGT GP 12

Número de secuencia (ID): 197

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GASPGTSSTG SP 12

Número de secuencia (ID): 198

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GEPAGSPTST SE 12

Número de secuencia (ID): 199

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTGEPSSTPA SE 12

Número de secuencia (ID): 200

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSGPSTESAP TE 12

Número de secuencia (ID): 201

Longitud: 264

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..264

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVLG ATPPETGAET 120

ESPGETTGGS AESEPPGEGE VQLLESGGGI VQPGGSLKLS CAASGFTFNT YAMNWVRQAP 180

GKGLEWVARI RSKYNNYATY YADSVKDRFT ISRDDSKNTV YLQMNNLKTE DTAVYYCVRH 240

ENFGNSYVSW FAHWGQGTLV TVSS 264

Número de secuencia (ID): 202

Longitud: 264

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..264

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGEVT TSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTIKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVLG ATPPETGAET 120

ESPGETTGGS AESEPPGEGE VQLLESGGGI VQPGGSLKLS CAASGFTFNT YAMNWVRQAP 180

GKGLEWVARI RSKYNNYATY YADSVKDRFT ISRDDSKNTV YLQMNNLKTE DTAVYYCVRH 240

ENFGNSYVSW FAHWGQGTLV TVSS 264

Número de secuencia (ID): 203

Longitud: 264

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..264

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSSLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVLG ATPPETGAET 120

ESPGETTGGS AESEPPGEGE VQLQESGGGI VQPGGSLKLS CAASGFTFNT YAMNWVRQAP 180

GKGLEWVARI RSKYNNYATY YADSVKDRFT ISRDDSKNTV YLQMNNLKTE DTAVYYCVRH 240

ENFGNSYVSW FAHWGQGTLV TVSS 264

Número de secuencia (ID): 204

Longitud: 264

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..264

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GSAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVLG ATPPETGAET 120

ESPGETTGGS AESEPPGEGE VQLQESGGGI VQPGGSLKLS CAASGFTFNT YAMNWVRQAP 180

GKGLEWVARI RSKYNNYATY YADSVKDRFT ISRDDSKNTV YLQMNNLKTE DTAVYYCVRH 240

ENFGNSYVSW FAHWGQGTLV TVSS 264

Número de secuencia (ID): 205

Longitud: 264

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..264

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSSLG GSAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVLG ATPPETGAET 120

ESPGETTGGS AESEPPGEGE VQLQESGGGI VQPGGSLKLS CAASGFTFNT YAMNWVRQAP 180

GKGLEWVARI RSKYNNYATY YADSVKDRFT ISRDDSKNTV YLQMNNLKTE DTAVYYCVRH 240

ENFGNSYVSW FAHWGQGTLV TVSS 264

Número de secuencia (ID): 206

Longitud: 264

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..264

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAEYYC ALWYSNLWVF GGGTKLTVLG ATPPETGAET 120

ESPGETTGGS AESEPPGEGE VQLLESGGGL VQPGGSLKLS CAASGFTFNT YAMNWVRQAP 180

GKGLEWVARI RSKYNNYATY YADSVKDRFT ISRDDSKNTA YLQMNNLKTE DTAVYYCVRH 240

GNFGNSYVSW FAYWGQGTLV TVSS 264

Número de secuencia (ID): 207

Longitud: 264

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..264

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSSLG GSAALTLSGV QPEDEAEYYC ALWYSNLWVF GGGTKLTVLG ATPPETGAET 120

ESPGETTGGS AESEPPGEGE VQLQESGGGL VQPGGSLKLS CAASGFTFNT YAMNWVRQAP 180

GKGLEWVARI RSKYNNYATY YADSVKDRFT ISRDDSKNTA YLQMNNLKTE DTAVYYCVRH 240

GNFGNSYVSW FAYWGQGTLV TVSS 264

Número de secuencia (ID): 208

Longitud: 256

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..256

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QSVLTQPPSA SGTPGQRVTI SCSGSSSNIG SNYVYWYQQL PGTAPKLLIY RNNQRPSGVP 60

DRFSGSKSGT SASLAISGLR SEDEADYYCA AWDDSLSGLW VFGGGTKLTV LGATPPETGA 120

ETESPGETTG GSAESEPPGE GQVQLQQWGG GLVKPGGSLR LSCAASGFTF SSYSMNWVRQ 180

APGKGLEWVS RINSDGSSTN YADSVKGRFT ISRDNAKNTL YLQMNSLRAE DTAVYYCARE 240

LRWGNWGQGT LVTVSS 256

Número de secuencia (ID): 209

Longitud: 255

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..255

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QAGLTQPPSA SGTPGQRVTL SCSGSYSNIG TYYVYWYQQL PGTAPKLLIY SNDQRLSGVP 60

DRFSGSKSGT SASLAISGLQ SEDEAAYYCA AWDDSLNGWA FGGGTKLTVL GATPPETGAE 120

TESPGETTGG SAESEPPGEG QVQLQQWGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYSMNWVRQA 180

PGKGLEWVSR INSDGSSTNY ADSVKGRFTI SRDNAKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAREL 240

RWGNWGQGTL VTVSS 255

Número de secuencia (ID): 210

Longitud: 255

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..255

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QPGLTQPPSA SGTPGQRVTL SCSGRSSNIG SYYVYWYQHL PGMAPKLLIY RNSRRPSGVP 60

DRFSGSKSGT SASLVISGLQ SDDEADYYCA AWDDSLKSWV FGGGTKLTVL GATPPETGAE 120

TESPGETTGG SAESEPPGEG QVQLQQWGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYSMNWVRQA 180

PGKGLEWVSR INSDGSSTNY ADSVKGRFTI SRDNAKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAREL 240

RWGNWGQGTL VTVSS 255

Número de secuencia (ID): 211

Longitud: 255

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..255

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QSVLTQPPSA SGTPGQRVTI SCSGSSSNIG TNYVYWYQQF PGTAPKLLIY SNNQRPSGVP 60

DRFSGSKSGT SGSLAISGLQ SEDEADYSCA AWDDSLNGWV FGGGTKLTVL GATPPETGAE 120

TESPGETTGG SAESEPPGEG QVQLVQWGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYSMNWVRQA 180

PGKGLEWVSR INSDGSSTNY ADSVKGRFTI SRDNAKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAREL 240

RWGNWGQGTL VTVSS 255

Número de secuencia (ID): 212

Longitud: 255

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..255

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QPGLTQPPSA SGTPGQRVTI SCSGSSSNIG SNYVYWYQQL PGTAPKLLIY RNNQRPSGVP 60

DRLSGSKSGT SASLAISGLR SEDEADYYCA AWDDSLSGWV FGGGTKLTVL GATPPETGAE 120

TESPGETTGG SAESEPPGEG QVQLVQWGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYSMNWVRQA 180

PGKGLEWVSR INSDGSSTNY ADSVKGRFTI SRDNAKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAREL 240

RWGNWGQGTL VTVSS 255

Número de secuencia (ID): 213

Longitud: 256

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..256

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QAVLTQPPSA SGTPGQRVTI SCSGSSSNIG SYYVYWYQQV PGAAPKLLMR LNNQRPSGVP 60

DRFSGAKSGT SASLVISGLR SEDEADYYCA AWDDSLSGQW VFGGGTKLTV LGATPPETGA 120

ETESPGETTG GSAESEPPGE GQVQLQQWGG GLVKPGGSLR LSCAASGFTF SSYSMNWVRQ 180

APGKGLEWVS RINSDGSSTN YADSVKGRFT ISRDNAKNTL YLQMNSLRAE DTAVYYCARE 240

LRWGNWGQGT LVTVSS 256

Número de secuencia (ID): 214

Longitud: 255

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..255

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QAGLTQPPSA SGTPGQRVTI SCSGSSSNIG SNYVYWYQQL PGTAPKLLIY RNNQRPSGVP 60

DRFSGSKSGT SASLAISGLR SEDEADYYCA TWDASLSGWV FGGGTKLTVL GATPPETGAE 120

TESPGETTGG SAESEPPGEG EVQLVQWGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYSMNWVRQA 180

PGKGLEWVSR INSDGSSTNY ADSVKGRFTI SRDNAKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAREL 240

RWGNWGQGTL VTVSS 255

Número de secuencia (ID): 215

Longitud: 264

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..264

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVLS ESATPESGPG 120

TSPGATPESG PGTSESATPE VQLVESGGGI VQPGGSLRLS CAASGFTFST YAMNWVRQAP 180

GKGLEWVGRI RTKRNNYATY YADSVKGRFT ISRDDSKNTV YLQMNSLKTE DTAVYYCVRH 240

ENFGNSYVSW FAHWGQGTLV TVSS 264

Número de secuencia (ID): 216

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 217

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 218

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 219

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 220

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 221

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 222

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 223

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 224

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 225

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 226

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 227

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 228

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 229

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 230

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 231

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 232

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 233

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 234

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 235

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 236

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 237

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 238

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 239

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 240

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 241

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 242

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 243

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 244

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 245

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 246

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 247

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 248

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 249

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 250

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 251

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 252

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 253

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 254

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 255

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 256

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 257

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 258

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 259

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 260

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 261

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 262

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 263

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 264

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 265

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 266

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 267

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 268

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 269

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 270

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 271

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 272

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 273

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 274

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 275

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 276

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 277

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 278

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 279

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 280

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 281

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 282

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 283

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 284

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 285

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 286

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 287

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 288

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 289

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 290

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 291

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 292

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 293

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 294

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 295

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 296

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 297

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 298

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 299

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 300

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 301

Longitud: 119

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..119

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVQSGGG VVQPGRSLRL SCKASGYTFT RYTMHWVRQA PGKGLEWIGY INPSRGYTNY 60

NQKVKDRFTI SRDNSKNTAF LQMDSLRPED TGVYFCARYY DDHYCLDYWG QGTPVTVSS 119

Número de secuencia (ID): 302

Longitud: 122

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..122

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGYSFT GYTMNWVRQA PGKGLEWVAL INPYKGVSTY 60

NQKFKDRFTI SVDKSKNTAY LQMNSLRAED TAVYYCARSG YYGDSDWYFD VWGQGTLVTV 120

SS 122

Número de secuencia (ID): 303

Longitud: 119

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..119

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVQSGGG VVQPGRSLRL SCKASGYTFT SYTMHWVRQA PGKGLEWIGY INPSSGYTKY 60

NQKFKDRFTI SADKSKSTAF LQMDSLRPED TGVYFCARWQ DYDVYFDYWG QGTPVTVSS 119

Número de secuencia (ID): 304

Longitud: 119

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..119

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLQQSGAE LARPGASVKM SCKASGYTFT RYTMHWVKQR PGQGLEWIGY INPSRGYTNY 60

NQKFKDKATL TTDKSSSTAY MQLSSLTSED SAVYYCARYY DDHYCLDYWG QGTTLTVSS 119

Número de secuencia (ID): 305

Longitud: 119

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..119

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DIKLQQSGAE LARPGASVKM SCKTSGYTFT RYTMHWVKQR PGQGLEWIGY INPSRGYTNY 60

NQKFKDKATL TTDKSSSTAY MQLSSLTSED SAVYYCARYY DDHYCLDYWG QGTTLTVSS 119

Número de secuencia (ID): 306

Longitud: 119

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..119

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT RYTMHWVRQA PGQGLEWIGY INPSRGYTNY 60

ADSVKGRFTI TTDKSTSTAY MELSSLRSED TATYYCARYY DDHYCLDYWG QGTTVTVSS 119

Número de secuencia (ID): 307

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLKL SCAASGFTFN KYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT AYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HGNFGNSYIS YWAYWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 308

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT LYLQMNSLRA EDTAVYYCVR HGNFGNSYVS WFAYWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 309

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG LVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT AYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HGNFGNSYVS WFAYWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 310

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVKLLESGGG LVQPKGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSQSI LYLQMNNLKT EDTAMYYCVR HGNFGNSYVS WFAYWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 311

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKRNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 312

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 313

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 314

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 315

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 316

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 317

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 318

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 319

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 320

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 321

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 322

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 323

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 324

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 325

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 326

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 327

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 328

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 329

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 330

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 331

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 332

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 333

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 334

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 335

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 336

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 337

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 338

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 339

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 340

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 341

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 342

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 343

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 344

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 345

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 346

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 347

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 348

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 349

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 350

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 351

Longitud: 107

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..107

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCSASSSVS YMNWYQQTPG KAPKRWIYDT SKLASGVPSR 60

FSGSGSGTDY TFTISSLQPE DIATYYCQQW SSNPFTFGQG TKLQITR 107

Número de secuencia (ID): 352

Longitud: 107

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..107

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQDIR NYLNWYQQKP GKAPKLLIYY TSRLESGVPS 60

RFSGSGSGTD YTLTISSLQP EDFATYYCQQ GNTLPWTFGQ GTKVEIK 107

Número de secuencia (ID): 353

Longitud: 107

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..107

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DIQMTQSPSS LSASVGDRVT MTCRASSSVS YMHWYQQTPG KAPKPWIYAT SNLASGVPSR 60

FSGSGSGTDY TLTISSLQPE DIATYYCQQW SSNPPTFGQG TKLQITR 107

Número de secuencia (ID): 354

Longitud: 107

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..107

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QIVLTQSPAI MSASPGEKVT MTCSASSSVS YMNWYQQKSG TSPKRWIYDT SKLASGVPAH 60

FRGSGSGTSY SLTISGMEAE DAATYYCQQW SSNPFTFGSG TKLEINR 107

Número de secuencia (ID): 355

Longitud: 106

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..106

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DIQLTQSPAI MSASPGEKVT MTCRASSSVS YMNWYQQKSG TSPKRWIYDT SKVASGVPYR 60

FSGSGSGTSY SLTISSMEAE DAATYYCQQW SSNPLTFGAG TKLELK 106

Número de secuencia (ID): 356

Longitud: 106

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..106

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVS YMNWYQQKPG KAPKRWIYDT SKVASGVPAR 60

FSGSGSGTDY SLTINSLEAE DAATYYCQQW SSNPLTFGGG TKVEIK 106

Número de secuencia (ID): 357

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QTVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCGSSTGAVT SGYYPNWVQQ KPGQAPRGLI GGTKFLAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAEYYC ALWYSNRWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 358

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QAVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCGSSTGAVT TSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGV 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGA QPEDEAEYYC ALWYSNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 359

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAEYYC ALWYSNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 360

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QAVVTQESAL TTSPGETVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQE KPDHLFTGLI GGTNKRAPGV 60

PARFSGSLIG DKAALTITGA QTEDEAIYFC ALWYSNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 361

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 362

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 363

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 364

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 365

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 366

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 367

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 368

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 369

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 370

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 371

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 372

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 373

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 374

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 375

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 376

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 377

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 378

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 379

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 380

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 381

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 382

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 383

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 384

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 385

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 386

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 387

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 388

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 389

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 390

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 391

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 392

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 393

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 394

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 395

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 396

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 397

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 398

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 399

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 400

Longitud: 25

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..25

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAAS 25

Número de secuencia (ID): 401

Longitud: 14

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..14

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

WVRQAPGKGL EWVG 14

Número de secuencia (ID): 402

Longitud: 32

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..32

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RFTISRDDSK NTVYLQMNSL KTEDTAVYYC VR 32

Número de secuencia (ID): 403

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 404

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 405

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 406

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 407

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 408

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 409

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 410

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 411

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 412

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 413

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 414

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 415

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 416

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 417

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 418

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 419

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 420

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 421

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 422

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 423

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 424

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 425

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 426

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 427

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 428

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 429

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 430

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 431

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 432

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 433

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 434

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 435

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 436

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 437

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 438

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 439

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 440

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 441

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 442

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 443

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 444

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 445

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 446

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 447

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 448

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 449

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 450

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 451

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 452

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 453

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 454

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 455

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 456

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 457

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 458

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 459

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 460

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 461

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 462

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 463

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 464

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 465

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 466

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 467

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 468

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 469

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 470

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 471

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 472

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 473

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 474

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 475

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 476

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 477

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 478

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 479

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 480

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 481

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 482

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 483

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 484

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 485

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 486

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 487

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 488

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 489

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 490

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 491

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 492

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 493

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 494

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 495

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 496

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 497

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 498

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 499

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 500

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 501

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 502

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 503

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 504

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 505

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 506

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 507

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KWYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 508

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN KWYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 509

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCGGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 510

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVDYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 511

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCGASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 512

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KRYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 513

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KDYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 514

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KEYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 515

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KGYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 516

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVAYCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 517

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVRYCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 518

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVNYCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 519

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVGYCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 520

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVKYCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 521

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVSYCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 522

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVTYCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 523

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVAFCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 524

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVRFCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 525

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVNFCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 526

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVDFCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 527

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVGFCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 528

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVKFCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 529

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVSFCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 530

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCGASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 531

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 532

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN KRYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 533

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN KDYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 534

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN KEYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 535

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN KGYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 536

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVAFCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 537

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVRFCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 538

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVNFCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 539

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVGFCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 540

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVKFCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 541

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVSFCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 542

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVTFCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 543

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCGGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 544

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCGGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 545

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVDYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 546

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCGASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 547

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KRYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 548

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KDYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 549

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KEYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 550

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KGYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 551

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVDFCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 552

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCGASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 553

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN KRYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 554

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN KDYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 555

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN KEYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 556

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN KGYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 557

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCGGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 558

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVRYCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 559

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVNYCAGSN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 560

Longitud: 121

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..121

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG LVKPGESLRL SCAASGFTFS DYYMYWVRQA PGKGLEWVAI ISDGGYYTYY 60

SDIIKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLKAED TAVYYCARGF PLLRHGAMDY WGQGTLVTVS 120

S 121

Número de secuencia (ID): 561

Longitud: 107

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..107

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCKASQNVD TNVAWYQQKP GQAPKSLIYS ASYRYSDVPS 60

RFSGSASGTD FTLTISSVQS EDFATYYCQQ YDSYPYTFGG GTKLEIK 107

Número de secuencia (ID): 562

Longitud: 121

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..121

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG LVKPGESLRL SCAASGFTFS DYYMYWVRQA PGKCLEWVAI ISDGGYYTYY 60

SDIIKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLKAED TAVYYCARGF PLLRHGAMDY WGQGTLVTVS 120

S 121

Número de secuencia (ID): 563

Longitud: 107

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..107

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCKASQNVD TNVAWYQQKP GQAPKSLIYS ASYVYWDVPS 60

RFSGSASGTD FTLTISSVQS EDFATYYCQQ YDQQLITFGC GTKLEIK 107

Número de secuencia (ID): 564

Longitud: 243

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..243

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG LVKPGESLRL SCAASGFTFS DYYMYWVRQA PGKGLEWVAI ISDGGYYTYY 60

SDIIKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLKAED TAVYYCARGF PLLRHGAMDY WGQGTLVTVS 120

SGGGGSGGGG SGGGGSDIQM TQSPSSLSAS VGDRVTITCK ASQNVDTNVA WYQQKPGQAP 180

KSLIYSASYR YSDVPSRFSG SASGTDFTLT ISSVQSEDFA TYYCQQYDSY PYTFGGGTKL 240

EIK 243

Número de secuencia (ID): 565

Longitud: 243

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..243

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG LVKPGESLRL SCAASGFTFS DYYMYWVRQA PGKCLEWVAI ISDGGYYTYY 60

SDIIKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLKAED TAVYYCARGF PLLRHGAMDY WGQGTLVTVS 120

SGGGGSGGGG SGGGGSDIQM TQSPSSLSAS VGDRVTITCK ASQNVDTNVA WYQQKPGQAP 180

KSLIYSASYV YWDVPSRFSG SASGTDFTLT ISSVQSEDFA TYYCQQYDQQ LITFGCGTKL 240

EIK 243

Número de secuencia (ID): 566

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRALD TAVYYCAASN KEYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 567

Longitud: 127

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..127

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KEYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSSA 127

Número de secuencia (ID): 568

Longitud: 128

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..128

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KEYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSSAA 128

Número de secuencia (ID): 569

Longitud: 129

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..129

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KEYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSSAAA 129

Número de secuencia (ID): 570

Longitud: 130

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..130

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KEYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSSAAAA 130

Número de secuencia (ID): 571

Longitud: 131

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..131

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KEYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSSAAAA A 131

Número de secuencia (ID): 572

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KEYGRTWYDK NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 573

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA PGKEREFVGA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KEYGRTWYDQ NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 574

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VTVSS 5

Número de secuencia (ID): 575

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VKVSS 5

Número de secuencia (ID): 576

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VQVSS 5

Número de secuencia (ID): 577

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VTVKS 5

Número de secuencia (ID): 578

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VTVQS 5

Número de secuencia (ID): 579

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VKVKS 5

Número de secuencia (ID): 580

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VKVQS 5

Número de secuencia (ID): 581

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VQVKS 5

Número de secuencia (ID): 582

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VQVQS 5

Número de secuencia (ID): 583

Longitud: 6

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..6

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VTVSSA 6

Número de secuencia (ID): 584

Longitud: 6

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..6

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VKVSSA 6

Número de secuencia (ID): 585

Longitud: 6

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..6

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VQVSSA 6

Número de secuencia (ID): 586

Longitud: 6

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..6

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VTVKSA 6

Número de secuencia (ID): 587

Longitud: 6

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..6

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VTVQSA 6

Número de secuencia (ID): 588

Longitud: 6

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..6

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VKVKSA 6

Número de secuencia (ID): 589

Longitud: 6

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..6

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VKVQSA 6

Número de secuencia (ID): 590

Longitud: 6

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..6

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VQVKSA 6

Número de secuencia (ID): 591

Longitud: 6

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..6

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VQVQSA 6

Número de secuencia (ID): 592

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 593

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 594

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 595

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 596

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 597

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 598

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 599

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 600

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 601

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 60

GSEPATSGSE TPGSEPATSG SETPGSEPAT SGSETPGTST EPSEGSAPGT SESATPESGP 120

GSEPATSGSE TPGTSTEPSE GSAP 144

Número de secuencia (ID): 602

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG 60

TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGSEPA TSGSETPGSP AGSPTSTEEG 120

TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPG 144

Número de secuencia (ID): 603

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG 60

TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG 120

TSESATPESG PGTSESATPE SGPG 144

Número de secuencia (ID): 604

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG 60

TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG 120

TSESATPESG PGTSESATPE SGPG 144

Número de secuencia (ID): 605

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG 60

TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG 120

SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPG 144

Número de secuencia (ID): 606

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG 60

TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG 120

SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPG 144

Número de secuencia (ID): 607

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG 60

TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSPAGSP TSTEEGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG 120

TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPG 144

Número de secuencia (ID): 608

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG 60

TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSPAGSP TSTEEGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG 120

TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPG 144

Número de secuencia (ID): 609

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG 60

TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG 120

SPAGSPTSTE EGSPAGSPTS TEEG 144

Número de secuencia (ID): 610

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG 60

SEPATSGSET PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGSE PATSGSETPG 120

TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPG 144

Número de secuencia (ID): 611

Longitud: 288

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..288

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP 60

GTSTEPSEGS APGSPAGSPT STEEGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP 120

GSPAGSPTST EEGSPAGSPT STEEGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGT SESATPESGP 180

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGSEPAT SGSETPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 240

GTSTEPSEGS APGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAP 288

Número de secuencia (ID): 612

Longitud: 288

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..288

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGT STEPSEGSAP 60

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP 120

GSPAGSPTST EEGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP 180

GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE 240

GSPAGSPTST EEGSPAGSPT STEEGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAP 288

Número de secuencia (ID): 613

Longitud: 576

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..576

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 60

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP ATSGSETPGS PAGSPTSTEE 120

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 180

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 240

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE 300

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP 360

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE 420

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 480

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE 540

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAP 576

Número de secuencia (ID): 614

Longitud: 625

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..625

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

MAEPAGSPTS TEEGTPGSGT ASSSPGSSTP SGATGSPGAS PGTSSTGSPG SPAGSPTSTE 60

EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 120

PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGSEPA TSGSETPGSP AGSPTSTEEG TSESATPESG 180

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 240

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSTEPSEGSA 300

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG TSESATPESG 360

PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 420

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 480

PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG 540

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 600

EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAP 625

Número de secuencia (ID): 615

Longitud: 864

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..864

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 60

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP ATSGSETPGS PAGSPTSTEE 120

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 180

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 240

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE 300

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP 360

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE 420

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 480

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE 540

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 600

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE 660

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE 720

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 780

GSEPATSGSE TPGSPAGSPT STEEGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGS EPATSGSETP 840

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAP 864

Número de secuencia (ID): 616

Longitud: 865

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..865

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 60

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 180

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE 300

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 360

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 420

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 480

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 540

EGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 600

PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 660

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 720

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 780

PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SEPATSGSET 840

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAP 865

Número de secuencia (ID): 617

Longitud: 866

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..866

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 60

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 180

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE 300

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 360

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 420

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 480

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 540

EGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 600

PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 660

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 720

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 780

PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SEPATSGSET 840

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPG 866

Número de secuencia (ID): 618

Longitud: 1152

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..1152

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 60

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP ATSGSETPGS PAGSPTSTEE 120

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 180

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 240

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE 300

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP 360

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE 420

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 480

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE 540

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 600

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE 660

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE 720

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 780

GSEPATSGSE TPGSPAGSPT STEEGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGS EPATSGSETP 840

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP 900

GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT SESATPESGP 960

GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGSPAGS PTSTEEGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 1020

GTSESATPES GPGTSESATP ESGPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGS EPATSGSETP 1080

GSPAGSPTST EEGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP 1140

GTSTEPSEGS AP 1152

Número de secuencia (ID): 619

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

STEPSEGSAP GSPAGSPTST EEGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGT 60

SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS 120

PAGSPTSTEE GSPAGSPTST EEGS 144

Número de secuencia (ID): 620

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG 60

SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG 120

SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPG 144

Número de secuencia (ID): 621

Longitud: 180

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..180

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSTEEGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 60

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGSEPATS 120

GSETPGSEPA TSGSETPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSEPATS 180

Número de secuencia (ID): 622

Longitud: 216

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..216

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT 60

PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGTSESAT 120

PESGPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG SEPATSGSET PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 180

EGSAPGTSTE PSEGSAPGSE PATSGSETPG TSESAT 216

Número de secuencia (ID): 623

Longitud: 252

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..252

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGT STEPSEGSAP GSPAGSPTST EEGTSESATP 60

ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE GSPAGSPTST EEGTSTEPSE 120

GSAPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGSEPATSG 180

SETPGSPAGS PTSTEEGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GSEPATSGSE TPGTSESATP 240

ESGPGTSTEP SE 252

Número de secuencia (ID): 624

Longitud: 288

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..288

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TPESGPGTST EPSEGSAPGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGSEPAT 60

SGSETPGTSE SATPESGPGT STEPSEGSAP GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGSEPAT 120

SGSETPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE GSPAGSPTST EEGTSTEPSE GSAPGTSESA 180

TPESGPGTSE SATPESGPGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGSEPATSG SETPGSPAGS 240

PTSTEEGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GSEPATSGSE TPGTSESA 288

Número de secuencia (ID): 625

Longitud: 324

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..324

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGTSTEPS 60

EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT 120

PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT 180

PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGTSESAT 240

PESGPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG SEPATSGSET PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 300

EGSAPGTSTE PSEGSAPGSE PATS 324

Número de secuencia (ID): 626

Longitud: 360

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..360

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE EGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 60

TSTEEGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT 120

PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSESAT 180

PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE EGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 240

EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGSEPATS 300

GSETPGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGSEPATSGS ETPGTSESAT 360

Número de secuencia (ID): 627

Longitud: 360

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..360

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSPAGSP 60

TSTEEGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSESAT 120

PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGTSTEPS 180

EGSAPGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSPAGSP 240

TSTEEGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGTSESAT 300

PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 360

Número de secuencia (ID): 628

Longitud: 432

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..432

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EGSAPGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT 60

PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSPAGSP 120

TSTEEGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSESAT 180

PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGTSTEPS 240

EGSAPGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSPAGSP 300

TSTEEGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGTSESAT 360

PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 420

EGSAPGSEPA TS 432

Número de secuencia (ID): 629

Longitud: 468

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..468

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSESAT 60

PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGTSTEPS 120

EGSAPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGSPAGSPTS TEEGTSESAT 180

PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATS 240

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS 300

GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSESAT 360

PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGSEPATSGS ETPGSPAGSP 420

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SEPATSGSET PGTSESAT 468

Número de secuencia (ID): 630

Longitud: 504

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..504

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 60

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATS 120

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 180

TSTEEGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 240

GSETPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 300

TSTEEGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 360

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGSEPATS 420

GSETPGSEPA TSGSETPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSEPATS 480

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPS 504

Número de secuencia (ID): 631

Longitud: 540

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..540

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TPESGPGSPA GSPTSTEEGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGTSTEP 60

SEGSAPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSTEP 120

SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA 180

TPESGPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSPAGS 240

PTSTEEGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSESA 300

TPESGPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGTSTEP 360

SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGSPAGS 420

PTSTEEGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP GTSESATPES GPGTSESATP ESGPGTSESA 480

TPESGPGSEP ATSGSETPGS EPATSGSETP GSPAGSPTST EEGTSTEPSE GSAPGTSTEP 540

Número de secuencia (ID): 632

Longitud: 576

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..576

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TPESGPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA 60

TPESGPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSTEP 120

SEGSAPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT 180

SGSETPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSESA 240

TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP 300

SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA 360

TPESGPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA 420

TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSESA 480

TPESGPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP GSEPATSGSE TPGSPAGSPT STEEGTSTEP 540

SEGSAPGTST EPSEGSAPGS EPATSGSETP GTSESA 576

Número de secuencia (ID): 633

Longitud: 612

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..612

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSETPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGSPAGSP 60

TSTEEGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 120

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 180

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATS 240

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 300

TSTEEGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 360

GSETPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 420

TSTEEGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 480

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGSEPATS 540

GSETPGSEPA TSGSETPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSEPATS 600

GSETPGTSES AT 612

Número de secuencia (ID): 634

Longitud: 648

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..648

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 60

EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS 120

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 180

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSESAT 240

PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGTSTEPS 300

EGSAPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGSPAGSPTS TEEGTSESAT 360

PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATS 420

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS 480

GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSESAT 540

PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGSEPATSGS ETPGSPAGSP 600

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SEPATSGSET PGTSESAT 648

Número de secuencia (ID): 635

Longitud: 684

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..684

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EGSAPGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGTSTEPS 60

EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSESAT 120

PESGPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT 180

PESGPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 240

EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 300

GSETPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSESAT 360

PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGTSTEPS 420

EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT 480

PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT 540

PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGTSESAT 600

PESGPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG SEPATSGSET PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 660

EGSAPGTSTE PSEGSAPGSE PATS 684

Número de secuencia (ID): 636

Longitud: 720

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..720

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE 60

PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSTE 120

PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES 180

ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES 240

ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE 300

PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA 360

TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES 420

ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE 480

PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES 540

ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES 600

ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES 660

ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE 720

Número de secuencia (ID): 637

Longitud: 756

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..756

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE 60

PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSTE 120

PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES 180

ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES 240

ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE 300

PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA 360

TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES 420

ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE 480

PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES 540

ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES 600

ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES 660

ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE 720

PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SEPATSGSET PGTSES 756

Número de secuencia (ID): 638

Longitud: 792

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..792

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG SEPATSGSET PGSPAGSPTS TEEGTSESAT 60

PESGPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 120

EGSAPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSTEPS 180

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGTSESAT 240

PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 300

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 360

EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT 420

PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE EGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 480

TSTEEGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT 540

PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSESAT 600

PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE EGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 660

EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGSEPATS 720

GSETPGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGSEPATSGS ETPGTSESAT 780

PESGPGTSTE PS 792

Número de secuencia (ID): 639

Longitud: 828

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..828

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSESAT 60

PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGTSTEPS 120

EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSESAT 180

PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 240

EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS 300

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 360

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSESAT 420

PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGTSTEPS 480

EGSAPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGSPAGSPTS TEEGTSESAT 540

PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATS 600

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS 660

GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSESAT 720

PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGSEPATSGS ETPGSPAGSP 780

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SEPATSGSET PGTSESAT 828

Número de secuencia (ID): 640

Longitud: 869

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..869

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSPGSPAGSP TSTEEGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG 60

SAPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG SEPATSGSET PGSPAGSPTS 120

TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG 180

SAPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSEPATSGS 240

ETPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSESATPESG PGSPAGSPTS 300

TEEGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG 360

SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS 420

TEEGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGSEPATSGS 480

ETPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE EGSPAGSPTS 540

TEEGSPAGSP TSTEEGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSEPATSGS 600

ETPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS 660

TEEGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE EGSPAGSPTS 720

TEEGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG TSESATPESG PGSEPATSGS 780

ETPGSEPATS GSETPGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGSEPATSGS 840

ETPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGR 869

Número de secuencia (ID): 641

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SAGSPGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 60

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGSEPATSGS ETPGSPAGSP 120

TSTEEGTSES ATPESGPGTE SASR 144

Número de secuencia (ID): 642

Longitud: 288

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..288

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SAGSPTGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST 60

EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGSPA 120

GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSESA TPESGPGTSE 180

SATPESGPGS EPATSGSETP GSEPATSGSE TPGSPAGSPT STEEGTSTEP SEGSAPGTST 240

EPSEGSAPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPSASR 288

Número de secuencia (ID): 643

Longitud: 432

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..432

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SAGSPGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 60

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGSEPATSGS ETPGSPAGSP 120

TSTEEGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 180

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 240

GSETPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGSPAGSP 300

TSTEEGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 360

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 420

TSTEEGTESA SR 432

Número de secuencia (ID): 644

Longitud: 576

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..576

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SAGSPTEEGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTST 60

EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGSPA 120

GSPTSTEEGT STEPSEGSAP GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGSEP 180

ATSGSETPGT SESATPESGP GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSPAGS PTSTEEGSPA 240

GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSEP 300

ATSGSETPGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGSPA 360

GSPTSTEEGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGSPAGS PTSTEEGSPA 420

GSPTSTEEGT STEPSEGSAP GTSESATPES GPGTSESATP ESGPGTSESA TPESGPGSEP 480

ATSGSETPGS EPATSGSETP GSPAGSPTST EEGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGSEP 540

ATSGSETPGT SESATPESGP GTSTEPSEGS APSASR 576

Número de secuencia (ID): 645

Longitud: 864

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..864

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SAGSPGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 60

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGSEPATSGS ETPGSPAGSP 120

TSTEEGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 180

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 240

GSETPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGSPAGSP 300

TSTEEGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 360

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 420

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATS 480

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 540

TSTEEGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 600

GSETPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 660

TSTEEGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 720

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGSEPATS 780

GSETPGSEPA TSGSETPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSEPATS 840

GSETPGTSES ATPESGPGTE SASR 864

Número de secuencia (ID): 646

Longitud: 712

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..712

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 60

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 180

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE 300

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 360

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 420

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 480

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 540

EGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 600

PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 660

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEAH HH 712

Número de secuencia (ID): 647

Longitud: 864

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..864

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSPGAGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 60

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGSEPATSGS ETPGSPAGSP 120

TSTEEGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 180

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 240

GSETPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGSPAGSP 300

TSTEEGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 360

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 420

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATS 480

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 540

TSTEEGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 600

GSETPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 660

TSTEEGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 720

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGSEPATS 780

GSETPGSEPA TSGSETPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSEPATS 840

GSETPGTSES ATPESGPGTE SASR 864

Número de secuencia (ID): 648

Longitud: 288

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..288

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG 60

TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG 120

TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG 180

TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG 240

SEPATSGSET PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPG 288

Número de secuencia (ID): 649

Longitud: 284

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..284

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP 60

GTSTEPSEGS APGSPAGSPT STEEGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP 120

GSPAGSPTST EEGSPAGSPT STEEGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGT SESATPESGP 180

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGSEPAT SGSETPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 240

GTSTEPSEGS APGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSE 284

Número de secuencia (ID): 650

Longitud: 292

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..292

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG 60

TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG 120

TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG 180

TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG 240

SEPATSGSET PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGGS AP 292

Número de secuencia (ID): 651

Longitud: 864

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..864

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

AGSPTSTEEG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS 60

TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGSEPATS GSETPGSPAG SPTSTEEGTS 120

ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS 180

TEPSEGSAPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS 240

TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGTSESAT PESGPGSPAG SPTSTEEGTS 300

ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS 360

TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGSPAG SPTSTEEGTS 420

TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS 480

ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSPAGSP TSTEEGSPAG SPTSTEEGSP 540

AGSPTSTEEG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS 600

ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGSPAG SPTSTEEGTS 660

ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSPAGSP TSTEEGSPAG SPTSTEEGTS 720

TEPSEGSAPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGSE 780

PATSGSETPG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGSEPA TSGSETPGTS 840

ESATPESGPG TSTEPSEGAA EPEA 864

Número de secuencia (ID): 652

Longitud: 867

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..867

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 60

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP ATSGSETPGS PAGSPTSTEE 120

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 180

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 240

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE 300

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP 360

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE 420

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 480

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE 540

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 600

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE 660

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE 720

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 780

GSEPATSGSE TPGSPAGSPT STEEGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGS EPATSGSETP 840

GTSESATPES GPGTSTEPSE GAAEPEA 867

Número de secuencia (ID): 653

Longitud: 867

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..867

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SPGSPAGSPT STEEGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS 60

APGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGS EPATSGSETP GSPAGSPTST 120

EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS 180

APGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGT SESATPESGP GSEPATSGSE 240

TPGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGT SESATPESGP GSPAGSPTST 300

EEGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS 360

APGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GSPAGSPTST 420

EEGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP GSEPATSGSE 480

TPGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE GSPAGSPTST 540

EEGSPAGSPT STEEGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGT SESATPESGP GSEPATSGSE 600

TPGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGT STEPSEGSAP GSPAGSPTST 660

EEGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE GSPAGSPTST 720

EEGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGT SESATPESGP GSEPATSGSE 780

TPGSEPATSG SETPGSPAGS PTSTEEGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GSEPATSGSE 840

TPGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPG 867

Número de secuencia (ID): 654

Longitud: 868

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..868

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 60

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 180

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE 300

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 360

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 420

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 480

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 540

EGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 600

PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 660

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 720

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 780

PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SEPATSGSET 840

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGAAEPEA 868

Número de secuencia (ID): 655

Longitud: 144

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..144

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 60

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP ATSGSETPGS PAGSPTSTEE 120

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAP 144

Número de secuencia (ID): 656

Longitud: 292

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..292

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG 60

TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG 120

TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG 180

TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG 240

SEPATSGSET PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGGS AP 292

Número de secuencia (ID): 657

Longitud: 293

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..293

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 60

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 180

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPEGAAE PEA 293

Número de secuencia (ID): 658

Longitud: 300

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..300

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 60

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 180

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGAAEPEA 300

Número de secuencia (ID): 659

Longitud: 584

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..584

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 60

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 180

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE 300

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 360

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 420

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 480

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 540

EGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGAA EPEA 584

Número de secuencia (ID): 660

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 661

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 662

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 663

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 664

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 665

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 666

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 667

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 668

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 669

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 670

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 671

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 672

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 673

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 674

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 675

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 676

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 677

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 678

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 679

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 680

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 681

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 682

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 683

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 684

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 685

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 686

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 687

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 688

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 689

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 690

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 691

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 692

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 693

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 694

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 695

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 696

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 697

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 698

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 699

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 700

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109
  - > mol_type, proteína
  - > organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 701

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125
  - > mol_type, proteína
  - > organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKRNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 702

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 703

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKRNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 704

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 705

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKTNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 706

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 707

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKTNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 708

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 709

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNDYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 710

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 711

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNDYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 712

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 713

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNNYAT 60

TYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 714

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 715

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNNYAT 60

TYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 716

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 717

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKRNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 718

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 719

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKRNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 720

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 721

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKTNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 722

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 723

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKTNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 724

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 725

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNDYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 726

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 727

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNDYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 728

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 729

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKRNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 730

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 731

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKTNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 732

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 733

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNDYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 734

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 735

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNNYAT 60

TYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 736

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 737

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKRNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 738

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 739

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKRNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 740

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 741

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKTNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 742

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 743

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKTNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 744

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 745

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKYNDYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 746

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 747

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKYNDYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 748

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 749

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKYNNYAT 60

TYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 750

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 751

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKYNNYAT 60

TYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 752

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 753

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKRNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 754

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 755

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKRNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 756

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 757

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKTNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 758

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 759

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKTNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 760

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 761

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKYNDYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 762

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 763

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKYNDYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 764

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 765

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKYNNYAT 60

TYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 766

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 767

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKYNNYAT 60

TYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 768

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 769

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNEYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 770

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 771

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNNGAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 772

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 773

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNNGAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 774

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 775

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRTKYNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 776

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 777

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKRNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 778

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 779

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKKNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 780

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 781

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKTNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 782

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 783

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNDYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT LYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 784

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 785

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNEYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT LYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 786

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 787

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNNGAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT LYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 788

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 789

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNNGAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT LYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 790

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 791

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRTKYNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT LYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 792

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 793

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKRNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT LYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 794

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 795

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKKNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT LYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 796

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 797

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKTNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT LYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 798

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 799

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKYNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 800

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 801

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKRNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 802

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 803

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKKNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 804

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 805

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKTNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 806

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 807

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKYNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 808

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 809

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKRNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 810

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 811

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKKNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 812

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 813

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKTNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 814

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 815

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKYNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT LYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 816

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 817

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKRNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT LYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 818

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 819

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKKNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT LYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 820

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 821

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKTNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT LYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 822

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 823

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKRNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT LYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 824

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 825

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKRNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 826

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 827

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKRNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 828

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 829

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 830

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 831

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNNGAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 832

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 833

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 834

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 835

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 836

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 837

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 838

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 839

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEDVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 840

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 841

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEEVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 842

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 843

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWAAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 844

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 845

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWEAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 846

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 847

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWGAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 848

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 849

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWSAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 850

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 851

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWTAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 852

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 853

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWWAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 854

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 855

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVDR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 856

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 857

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVER IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 858

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 859

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 860

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 861

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAQ IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 862

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 863

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAG IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 864

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 865

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAH IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 866

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 867

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAP IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 868

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 869

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAW IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 870

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 871

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR ARSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 872

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 873

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR GRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 874

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 875

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR TRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 876

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 877

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR INSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 878

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 879

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IDSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 880

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 881

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IESKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 882

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 883

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IQSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 884

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 885

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IGSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 886

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 887

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IHSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 888

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 889

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IWSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 890

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 891

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRNKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 892

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 893

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRDKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 894

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 895

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IREKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 896

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 897

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRTKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 898

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 899

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSPYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 900

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 901

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKANNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 902

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 903

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKRNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 904

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 905

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKGNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 906

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 907

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKKNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 908

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 909

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKPNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 910

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 911

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKTNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 912

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 913

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKWNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 914

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 915

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYDNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 916

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 917

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYENYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 918

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 919

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNDYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 920

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 921

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNEYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 922

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 923

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNGAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 924

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 925

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNFAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 926

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 927

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNWAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 928

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 929

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYGT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 930

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 931

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYTT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 932

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 933

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

DYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 934

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 935

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

EYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 936

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 937

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

TYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 938

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 939

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YDADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 940

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 941

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YEADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 942

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 943

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YQADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 944

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 945

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YGADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 946

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 947

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YWADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 948

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 949

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYKDSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 950

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 951

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYPDSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 952

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 953

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 954

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 955

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VDLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 956

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 957

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VGLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 958

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 959

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VSLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 960

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 961

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNELKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 962

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 963

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNQLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 964

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 965

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 966

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 967

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNYLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 968

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 969

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRSKYNNGAT 60

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 970

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLQG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 971

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 972

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLE GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 973

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 974

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLDG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 975

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 976

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSSLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 977

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 978

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSKLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 979

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 980

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSNLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 981

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 982

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSTLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 983

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 984

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 985

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 986

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 987

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 988

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 989

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 990

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 991

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 992

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 993

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 994

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 995

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 996

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 997

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 998

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 999

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1000

Longitud: 1327

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..1327

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSATPESGP GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSGPGT SESATPGTSE SATPESGPGS 60

EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGSPAGS PTSTEEGTSE SATPESGPGS 120

EPATSGSETP GTSESATPES GPGSPAGSPT STEEGSPAGS PTSTEEGTST EPSEGSAPGT 180

SESATPESGP GTSESATPES GPGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP ATSGSETPGS 240

PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGSEPAT SGSETPGTSE SATPEAGRSA 300

SHTPAGLTGP GTSESATPES QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA 360

PGKEREFVGA MSWSGSNRKV SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN 420

KEYGRTWYDF NESDYWGQGT QVTVSSGGGG SGGGSELVVT QEPSLTVSPG GTVTLTCRSS 480

NGAVTSSNYA NWVQQKPGQA PRGLIGGTNK RAPGTPARFS GSLLGGKAAL TLSGVQPEDE 540

AVYYCALWYP NLWVFGGGTK LTVLSESATP ESGPGTSPGA TPESGPGTSE SATPEVQLVE 600

SGGGIVQPGG SLRLSCAASG FTFSTYAMNW VRQAPGKGLE WVGRIRTKRN NYATYYADSV 660

KGRFTISRDD SKNTVYLQMN SLKTEDTAVY YCVRHENFGN SYVSWFAHWG QGTLVTVSSG 720

TATPESGPGE AGRSASHTPA GLTGPATPES GPGTSESATP ESGPGSPAGS PTSTEEGTSE 780

SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST 840

EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGSPAGS PTSTEEGTST 900

EPSEGSAPGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE 960

SATPESGPGT STEPSEGSAP GTSESATPES GPGSPAGSPT STEEGSPAGS PTSTEEGSPA 1020

GSPTSTEEGT SESATPESGP GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE 1080

SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGSPAGS PTSTEEGTSE 1140

SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGSPAGSPT STEEGSPAGS PTSTEEGTST 1200

EPSEGSAPGT SESATPESGP GTSESATPES GPGTSPSATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP 1260

ATSGSETPGS PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGSEPAT SGSETPGTSE 1320

SAGEPEA 1327

Número de secuencia (ID): 1001

Longitud: 1327

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..1327

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSPAGSPTS TESGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 60

PGTSESATPE SGPGSTPAES GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 180

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG GSAPEAGRSA 300

NHTPAGLTGP ATSGSETPGT QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA 360

PGKEREFVAA ISWSGSNRLV SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN 420

RLYGRTWYDF NESDYWGQGT QVTVSSGGGG SGGGSELVVT QEPSLTVSPG GTVTLTCRSS 480

NGAVTSSNYA NWVQQKPGQA PRGLIGGTNK RAPGTPARFS GSLLGGKAAL TLSGVQPEDE 540

AVYYCALWYP NLWVFGGGTK LTVLGATPPE TGAETESPGE TTGGSAESEP PGEGEVQLLE 600

SGGGIVQPGG SLKLSCAASG FTFNTYAMNW VRQAPGKGLE WVARIRSKYN NYATYYADSV 660

KDRFTISRDD SKNTVYLQMN NLKTEDTAVY YCVRHENFGN SYVSWFAHWG QGTLVTVSSG 720

TAEAASASGE AGRSANHTPA GLTGPPGSPA GSPTSTEEGT SESATPESGP GSEPATSGSE 780

TPGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS 840

APGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP GTSESATPES 900

GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP GTSTEPSEGS 960

APGTSESATP ESGPGSPAGS PTSTEEGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE GTSESATPES 1020

GPGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP GSEPATSGSE 1080

TPGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT SESATPESGP GSEPATSGSE 1140

TPGTSESATP ESGPGSPAGS PTSTEEGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP GTSESATPES 1200

GPGTSESATP ESGPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGS EPATSGSETP GSPAGSPTST 1260

EEGTSTEPSE GSAPGTESTP SEGSAPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP GTSTEPSEGS 1320

APGEPEA 1327

Número de secuencia (ID): 1002

Longitud: 1333

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..1333

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASHHHHHHSA TPESGPGTST EPSEGSAPGT SESATPESGP GSGPGTSESA TPGTSESATP 60

ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGT STEPSEGSAP GSPAGSPTST EEGTSESATP 120

ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE GSPAGSPTST EEGTSTEPSE 180

GSAPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGSEPATSG 240

SETPGSPAGS PTSTEEGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GSEPATSGSE TPGTSESATP 300

EAGRSANHTP AGLTGPGTSE SATPESQVQL VESGGGVVQP GRSLRLSCAA SGRTFGIYVM 360

GWVRQAPGKE REFVAAISWS GSNRKVSDSV KGRFTISRDN SKNTLYLQMN SLRAEDTAVY 420

YCAASNRLYG RTWYDFNESD YWGQGTQVTV SSGGGGSGGG SELVVTQEPS LTVSPGGTVT 480

LTCRSSNGAV TSSNYANWVQ QKPGQAPRGL IGGTNKRAPG TPARFSGSLL GGKAALTLSG 540

VQPEDEAVYY CALWYPNLWV FGGGTKLTVL SESATPESGP GTSPGATPES GPGTSESATP 600

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 660

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 720

VTVSSGTATP ESGPGEAGRS ANHTPAGLTG PATPESGPGT SESATPESGP GSPAGSPTST 780

EEGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS 840

APGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GSPAGSPTST 900

EEGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP GSEPATSGSE 960

TPGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE GSPAGSPTST 1020

EEGSPAGSPT STEEGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGT SESATPESGP GSEPATSGSE 1080

TPGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGT STEPSEGSAP GSPAGSPTST 1140

EEGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE GSPAGSPTST 1200

EEGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGT SPSATPESGP GSEPATSGSE 1260

TPGSEPATSG SETPGSPAGS PTSTEEGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GSEPATSGSE 1320

TPGTSESAGE PEA 1333

Número de secuencia (ID): 1003

Longitud: 1327

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..1327

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSATPESGP GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSGPGT SESATPGTSE SATPESGPGS 60

EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGSPAGS PTSTEEGTSE SATPESGPGS 120

EPATSGSETP GTSESATPES GPGSPAGSPT STEEGSPAGS PTSTEEGTST EPSEGSAPGT 180

SESATPESGP GTSESATPES GPGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP ATSGSETPGS 240

PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGSEPAT SGSETPGTSE SATPEAGRSA 300

SHTPAGLTGP GTSESATPES QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWFRQA 360

PGKEREFVGA MSWSGSNRKV SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN 420

KEYGRTWYDF NESDYWGQGT QVTVSSGGGG SGGGSELVVT QEPSLTVSPG GTVTLTCRSS 480

NGAVTSSNYA NWVQQKPGQA PRGLIGGTNK RAPGTPARFS GSLLGGKAAL TLSGVQPEDE 540

AVYYCALWYP NLWVFGGGTK LTVLSESATP ESGPGTSPGA TPESGPGTSE SATPEVQLLE 600

SGGGIVQPGG SLKLSCAASG FTFNTYAMNW VRQAPGKGLE WVARIRSKYN NYATYYADSV 660

KDRFTISRDD SKNTVYLQMN NLKTEDTAVY YCVRHENFGN SYVSWFAHWG QGTLVTVSSG 720

TATPESGPGE AGRSASHTPA GLTGPATPES GPGTSESATP ESGPGSPAGS PTSTEEGTSE 780

SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST 840

EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGSPAGS PTSTEEGTST 900

EPSEGSAPGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE 960

SATPESGPGT STEPSEGSAP GTSESATPES GPGSPAGSPT STEEGSPAGS PTSTEEGSPA 1020

GSPTSTEEGT SESATPESGP GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE 1080

SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGSPAGS PTSTEEGTSE 1140

SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGSPAGSPT STEEGSPAGS PTSTEEGTST 1200

EPSEGSAPGT SESATPESGP GTSESATPES GPGTSPSATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP 1260

ATSGSETPGS PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGSEPAT SGSETPGTSE 1320

SAGEPEA 1327

Número de secuencia (ID): 1004

Longitud: 1327

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..1327

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSATPESGP GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSGPGT SESATPGTSE SATPESGPGS 60

EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGSPAGS PTSTEEGTSE SATPESGPGS 120

EPATSGSETP GTSESATPES GPGSPAGSPT STEEGSPAGS PTSTEEGTST EPSEGSAPGT 180

SESATPESGP GTSESATPES GPGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP ATSGSETPGS 240

PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGSEPAT SGSETPGTSE SATPEAGRSA 300

SHTPAGLTGP GTSESATPES QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWVRQA 360

PGKEREFVGA ISWSGSNRKV SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN 420

KLYGRTWYDF NESDYWGQGT QVTVSSGGGG SGGGSELVVT QEPSLTVSPG GTVTLTCRSS 480

NGAVTSSNYA NWVQQKPGQA PRGLIGGTNK RAPGTPARFS GSLLGGKAAL TLSGVQPEDE 540

AVYYCALWYP NLWVFGGGTK LTVLSESATP ESGPGTSPGA TPESGPGTSE SATPEVQLVE 600

SGGGIVQPGG SLRLSCAASG FTFSTYAMNW VRQAPGKGLE WVGRIRTKRN NYATYYADSV 660

KGRFTISRDD SKNTVYLQMN SLKTEDTAVY YCVRHENFGN SYVSWFAHWG QGTLVTVSSG 720

TATPESGPGE AGRSASHTPA GLTGPATPES GPGTSESATP ESGPGSPAGS PTSTEEGTSE 780

SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST 840

EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGSPAGS PTSTEEGTST 900

EPSEGSAPGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE 960

SATPESGPGT STEPSEGSAP GTSESATPES GPGSPAGSPT STEEGSPAGS PTSTEEGSPA 1020

GSPTSTEEGT SESATPESGP GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE 1080

SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGSPAGS PTSTEEGTSE 1140

SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGSPAGSPT STEEGSPAGS PTSTEEGTST 1200

EPSEGSAPGT SESATPESGP GTSESATPES GPGTSPSATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP 1260

ATSGSETPGS PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGSEPAT SGSETPGTSE 1320

SAGEPEA 1327

Número de secuencia (ID): 1005

Longitud: 1335

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..1335

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASHHHHHHSP AGSPTSTEEG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA 60

TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGSPAG 120

SPTSTEEGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSPAGSP TSTEEGSPAG 180

SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGTSESAT PESGPGSEPA 240

TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGGSAP 300

EAGRSANHTP AGLTGPATSG SETPGTEVQL VESGGGSVQA GGSLSLSCVA SGRTFGIYVM 360

GWFRQAPGKE REFVAAISWS GSNRLVSDSV KGRFTISREN AKNTIYLQMN GLKPEDTANY 420

FCAASNRLYG RTWYDFNESD YWGQGTQVTV SSGGGGSGGG SELVVTQEPS LTVSPGGTVT 480

LTCRSSNGAV TSSNYANWVQ QKPGQAPRGL IGGTNKRAPG TPARFSGSLL GGKAALTLSG 540

VQPEDEAVYY CALWYPNLWV FGGGTKLTVL GATPPETGAE TESPGETTGG SAESEPPGEG 600

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 660

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 720

VTVSSGTAEA ASASGEAGRS ANHTPAGLTG PPGSPAGSPT STEEGTSESA TPESGPGTST 780

EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSEP 840

ATSGSETPGS EPATSGSETP GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTST 900

EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGTST 960

EPSEGSAPGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTSE 1020

SATPESGPGT SESATPESGP GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE 1080

SATPESGPGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST 1140

EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GSPAGSPTST EEGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSEP 1200

ATSGSETPGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE 1260

SATPESGPGS PAGSPTSTEE GSPAGSPTST EEGSPAGSPT STEEGTSESA TPESGPGTST 1320

EPSEGSAPGA AEPEA 1335

Número de secuencia (ID): 1006

Longitud: 747

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..747

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASHHHHHHAT PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSESATPE 60

SGPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG SEPATSGSET PGSPAGSPTS 120

TEEGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGGS APEAGRSANH TPAGLTGPAT SGSETPGTQV 180

QLVESGGGVV QPGRSLRLSC AASGRTFGIY VMGWVRQAPG KEREFVAAIS WSGSNRLVSD 240

SVKGRFTISR DNSKNTLYLQ MNSLRAEDTA VYYCAASNRL YGRTWYDFNE SDYWGQGTQV 300

TVSSGGGGSE LVVTQEPSLT VSPGGTVTLT CRSSNGAVTS SNYANWVQQK PGQAPRGLIG 360

GTNKRAPGTP ARFSGSLLGG KAALTLSGVQ PEDEAVYYCA LWYPNLWVFG GGTKLTVLGA 420

TPPETGAETE SPGETTGGSA ESEPPGEGEV QLLESGGGIV QPGGSLKLSC AASGFTFNTY 480

AMNWVRQAPG KGLEWVARIR SKYNNYATYY ADSVKDRFTI SRDDSKNTVY LQMNNLKTED 540

TAVYYCVRHE NFGNSYVSWF AHWGQGTLVT VSSGTAEAAS ASGEAGRSAN HTPAGLTGPE 600

SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST 660

EPSEGSAPGT SESATPESGP GSPAGSPTST EEGSPAGSPT STEEGSPAGS PTSTEEGTSE 720

SATPESGPGT STEPSEGSAP GAAEPEA 747

Número de secuencia (ID): 1007

Longitud: 757

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..757

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASHHHHHHAT PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSESATPE 60

SGPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG SEPATSGSET PGSPAGSPTS 120

TEEGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGGS APEAGRSANH TPAGLTGPAT SGSETPGTQV 180

QLVESGGGVV QPGRSLRLSC AASGRTFGIY VMGWVRQAPG KEREFVAAIS WSGSNRLVSD 240

SVKGRFTISR DNSKNTLYLQ MNSLRAEDTA VYYCAASNRL YGRTWYDFNE SDYWGQGTQV 300

TVSSGATPPE TGAETESPGE LVVTQEPSLT VSPGGTVTLT CRSSNGAVTS SNYANWVQQK 360

PGQAPRGLIG GTNKRAPGTP ARFSGSLLGG KAALTLSGVQ PEDEAVYYCA LWYPNLWVFG 420

GGTKLTVLGA TPPETGAETE SPGETTGGSA ESEPPGEGEV QLLESGGGIV QPGGSLKLSC 480

AASGFTFNTY AMNWVRQAPG KGLEWVARIR SKYNNYATYY ADSVKDRFTI SRDDSKNTVY 540

LQMNNLKTED TAVYYCVRHE NFGNSYVSWF AHWGQGTLVT VSSGTAEAAS ASGEAGRSAN 600

HTPAGLTGPE SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA 660

TPESGPGTST EPSEGSAPGT SESATPESGP GSPAGSPTST EEGSPAGSPT STEEGSPAGS 720

PTSTEEGTSE SATPESGPGT STEPSEGSAP GAAEPEA 757

Número de secuencia (ID): 1008

Longitud: 751

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..751

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASHHHHHHAT PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSESATPE 60

SGPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG SEPATSGSET PGSPAGSPTS 120

TEEGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGGS APEAGRSANH TPAGLTGPAT SGSETPGTQV 180
QLVESGGGVV QPGRSLRLSC AASGRTFGIY VMGWVRQAPG KEREFVAAIS WSGSNRLVSD 240
SVKGRFTISR DNSKNTLYLQ MNSLRAEDTA VYYCAASNRL YGRTWYDFNE SDYWGQGTQV 300
TVSSGGGGSG GGSEVQLLES GGGIVQPGGS LKLSCAASGF TFNTYAMNWV RQAPGKGLEW 360
VARIRSKYNN YATYYADSVK DRFTISRDDS KNTVYLQMNN LKTEDTAVYY CVRHENFGNS 420
YVSWFAHWGQ GTLVTVSSGA TPPETGAETE SPGETTGGSA ESEPPGEGEL VVTQEPSLTV 480
SPGGTVTLTC RSSNGAVTSS NYANWVQQKP GQAPRGLIGG TNKRAPGTPA RFSGSLLGGK 540
AALTLSGVQP EDEAVYYCAL WYPNLWVFGG GTKLTVLGTA EAASASGEAG RSANHTPAGL 600
TGPESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGT SESATPESGP 660
GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSPAGS PTSTEEGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE 720
GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGAAEPE A 751

Número de secuencia (ID): 1009

Longitud: 761

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..761
  - > mol_type, proteína
  - > organismo, constructo sintético

Residuos:

ASHHHHHHAT PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSESATPE 60
SGPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG SEPATSGSET PGSPAGSPTS 120
TEEGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGGS APEAGRSANH TPAGLTGPRA PPEPEFARAT 180
SGSETPGTQV QLVESGGGVV QPGRSLRLSC AASGRTFGIY VMGWVRQAPG KEREFVAAIS 240
WSGSNRKVSD SVKGRFTISR DNSKNTLYLQ MNSLRAEDTA VYYCAASNRL YGRTWYDFNE 300
SDYWGQGTQV TVSSGGGGSG GGSELVVTQE PSLTVSPGGT VTLTCRSSNG AVTSSNYANW 360
VQQKPGQAPR GLIGGTNKRA PGTPARFSGS LLGGKAALTL SGVQPEDEAV YYCALWYPNL 420
WVFGGGTKLT VLGATPPETG AETESPGETT GGSAESEPPG EGEVQLLESG GGIVQPGGSL 480
KLSCAASGFT FNTYAMNWVR QAPGKGLEWV ARIRSKYNNY ATYYADSVKD RFTISRDDSK 540
NTVYLQMNNL KTEDTAVYYC VRHENFGNSY VSWFAHWGQG TLVTVSSGTA EAASASGEAG 600
RSANHTPAGL TGPESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGSEP ATSGSETPGT 660
SESATPESGP GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSPAGS PTSTEEGSPA GSPTSTEEGS 720
PAGSPTSTEE GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGAAEPE A 761

Número de secuencia (ID): 1010

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTGTSAT PE 12

Número de secuencia (ID): 1011

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTTPGTT PE 12

Número de secuencia (ID): 1012

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTPPTST PE 12

Número de secuencia (ID): 1013

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTGSAGT PE 12

Número de secuencia (ID): 1014

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTGGAGT PE 12

Número de secuencia (ID): 1015

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTSPGAT PE 12

Número de secuencia (ID): 1016

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTSGSGT PE 12

Número de secuencia (ID): 1017

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTSSAST PE 12

Número de secuencia (ID): 1018

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTGAGTT PE 12

Número de secuencia (ID): 1019

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTGSTST PE 12

Número de secuencia (ID): 1020

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TPGSEPATSG SE 12

Número de secuencia (ID): 1021

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTSTEP SE 12

Número de secuencia (ID): 1022

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTAGSGT PE 12

Número de secuencia (ID): 1023

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTSSGGT PE 12

Número de secuencia (ID): 1024

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTAGPAT PE 12

Número de secuencia (ID): 1025

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTPGTGT PE 12

Número de secuencia (ID): 1026

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTGGPTT PE 12

Número de secuencia (ID): 1027

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPGTGSGST PE 12

Número de secuencia (ID): 1028

Longitud: 713

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..713

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

HHHHHHKSSN EATNITPKHN MKAFLDELKA ENIKKFLYNF TQIPHLAGTE QNFQLAKQIQ 60

SQWKEFGLDS VELAHYDVLL SYPNKTHPNY ISIINEDGNE IFNTSLFEPP PPGYENVSDI 120

VPPFSAFSPQ GMPEGDLVYV NYARTEDFFK LERDMKINCS GKIVIARYGK VFRGNKVKNA 180

QLAGAKGVIL YSDPADYFAP GVKSYPDGWN LPGGGVQRGN ILNLNGAGDP LTPGYPANEY 240

AYRRGIAEAV GLPSIPVHPI GYYDAQKLLE KMGGSAPPDS SWRGSLKVPY NVGPGFTGNF 300

STQKVKMHIH STNEVTRIYN VIGTLRGAVE PDRYVILGGH RDSWVFGGID PQSGAAVVHE 360

IVRSFGTLKK EGWRPRRTIL FASWDAEEFG LLGSTEWAEE NSRLLQERGV AYINADSSIE 420

GNYTLRVDCT PLMYSLVHNL TKELKSPDEG FEGKSLYESW TKKSPSPEFS GMPRISKLGS 480

GNDFEVFFQR LGIASGRARY TKNWETNKFS GYPLYHSVYE TYELVEKFYD PMFKYHLTVA 540

QVRGGMVFEL ANSIVLPFDC RDYAVVLRKY ADKIYSISMK HPQEMKTYSV SFDSLFSAVK 600

NFTEIASKFS ERLQDFDKSN PIVLRMMNDQ LMFLERAFID PLGLPDRPFY RHVIYAPSSH 660

NKYAGESFPG IYDALFDIES KVDPSKAWGE VKRQIYVAAF TVQAAAETLS EVA 713

Número de secuencia (ID): 1029

Longitud: 138

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..138

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG LVQAGGSLRL SCAASGRTVN SYAMGWFRQA PGKEREFVAS QSWMGAITYD 60

ADYADSVKGR FTISRDNAKN TLYLQMNSLK PEDTAVYRCA ASRQARPGLH VREYDVWGQG 120

TQVTVSSGPG GQHHHHHH 138

Número de secuencia (ID): 1030

Longitud: 133

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..133

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCVASVSSFS TNDMGWYRQA PGKQRELVAG ITVGGNTFYA 60

GSVKGRFTIS RDNGKNTMYL QMNSLKPEDT AVYFCNVGAK YRKPEWYSGE YWGQGTQVTV 120

SSGPGGQHHH HHH 133

Número de secuencia (ID): 1031

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQAGGSLRL SCVVSGIAFS PYHMAWYRQA PGKQHEWVAV ITTGGTTAYN 60

ETVEGRFSIS RDNARSTVYL QMNSLKPEDT AVYYCNIYGL SLKWGQGTQV TVSSGPGGQH 120

HHHHH 125

Número de secuencia (ID): 1032

Longitud: 134

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..134

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQAGGSLKL SCVANGPTFS TYAMAWFRQA PGKEHEFVAA ITGDGDTTNN 60

ADSVKGRFTI SRDNAKNRVY LQLNSLKPED TAAYYCAAGV HHTYTIPRLW LYWGQGTQVT 120

VSSGPGGQHH HHHH 134

Número de secuencia (ID): 1033

Longitud: 135

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..135

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQAGGSLRI SCTASERSVS TYTKGWFRQA PGKERHLVAA ISYNGDTTYY 60

SDSVKGRFTI SRDNVKNTVN LQMNSLKPED TAVYFCAARG SSWLYGTWDD YHYWGQGTQV 120

TVSSGPGGQH HHHHH 135

Número de secuencia (ID): 1034

Longitud: 137

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..137

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG LVQAGDSLRL SCVTSGRTFD VYAMGWFRQA PGKERELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNAWKTLS LQMNSLKPED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSSGPGG QHHHHHH 137

Número de secuencia (ID): 1035

Longitud: 137

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..137

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG SVQAGGSLSL SCVASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRENAKNTIY LQMNGLKPED TANYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSSGPGG QHHHHHH 137

Número de secuencia (ID): 1036

Longitud: 433

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..433

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LTGPATSGSE TPGTEVQLVE SGGGLVQAGG SLRISCTASE RSVSTYTKGW FRQAPGKERH 60

LVAAISYNGD TTYYSDSVKG RFTISRDNVK NTVNLQMNSL KPEDTAVYFC AARGSSWLYG 120

TWDDYHYWGQ GTQVTVSSGG GGSGGGSELV VTQEPSLTVS PGGTVTLTCR SSNGAVTSSN 180

YANWVQQKPG QAPRGLIGGT NKRAPGTPAR FSGSLLGGKA ALTLSGVQPE DEAVYYCALW 240

YPNLWVFGGG TKLTVLGATP PETGAETESP GETTGGSAES EPPGEGEVQL LESGGGIVQP 300

GGSLKLSCAA SGFTFNTYAM NWVRQAPGKG LEWVARIRSK YNNYATYYAD SVKDRFTISR 360

DDSKNTVYLQ MNNLKTEDTA VYYCVRHENF GNSYVSWFAH WGQGTLVTVS SGTAEAASAS 420

GEAGRSANHT PAG 433

Número de secuencia (ID): 1037

Longitud: 436

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..436

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LTGPATSGSE TPGTQVQLVE SGGGLVQAGG SLRLSCAASG RTVNSYAMGW FRQAPGKERE 60

FVASQSWMGA ITYDADYADS VKGRFTISRD NAKNTLYLQM NSLKPEDTAV YRCAASRQAR 120

PGLHVREYDV WGQGTQVTVS SGGGGSGGGS ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT 180

SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC 240

ALWYPNLWVF GGGTKLTVLG ATPPETGAET ESPGETTGGS AESEPPGEGE VQLLESGGGI 300

VQPGGSLKLS CAASGFTFNT YAMNWVRQAP GKGLEWVARI RSKYNNYATY YADSVKDRFT 360

ISRDDSKNTV YLQMNNLKTE DTAVYYCVRH ENFGNSYVSW FAHWGQGTLV TVSSGTAEAA 420

SASGEAGRSA NHTPAG 436

Número de secuencia (ID): 1038

Longitud: 435

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..435

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LTGPATSGSE TPGTEVQLVE SGGGSVQAGG SLSLSCVASG RTFGIYVMGW FRQAPGKERE 60

FVAAISWSGS NRLVSDSVKG RFTISRENAK NTIYLQMNGL KPEDTANYFC AASNRLYGRT 120

WYDFNESDYW GQGTQVTVSS GGGGSGGGSE LVVTQEPSLT VSPGGTVTLT CRSSNGAVTS 180

SNYANWVQQK PGQAPRGLIG GTNKRAPGTP ARFSGSLLGG KAALTLSGVQ PEDEAVYYCA 240

LWYPNLWVFG GGTKLTVLGA TPPETGAETE SPGETTGGSA ESEPPGEGEV QLLESGGGIV 300

QPGGSLKLSC AASGFTFNTY AMNWVRQAPG KGLEWVARIR SKYNNYATYY ADSVKDRFTI 360

SRDDSKNTVY LQMNNLKTED TAVYYCVRHE NFGNSYVSWF AHWGQGTLVT VSSGTAEAAS 420

ASGEAGRSAN HTPAG 435

Número de secuencia (ID): 1039

Longitud: 435

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..435

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LTGPATSGSE TPGTQVQLVE SGGGLVQAGD SLRLSCVTSG RTFDVYAMGW FRQAPGKERE 60
LVAAINWSGS NKFHADSVKG RFTISRDNAW KTLSLQMNSL KPEDTAVYFC AASTRLYGTT 120
WYEFNDSDYW GQGTQVTVSS GGGGSGGGSE LVVTQEPSLT VSPGGTVTLT CRSSNGAVTS 180
SNYANWVQQK PGQAPRGLIG GTNKRAPGTP ARFSGSLLGG KAALTLSGVQ PEDEAVYYCA 240
LWYPNLWVFG GGTKLTVLGA TPPETGAETE SPGETTGGSA ESEPPGEGEV QLLESGGGIV 300
QPGGSLKLSC AASGFTFNTY AMNWVRQAPG KGLEWVARIR SKYNNYATYY ADSVKDRFTI 360
SRDDSKNTVY LQMNNLKTED TAVYYCVRHE NFGNSYVSWF AHWGQGTLVT VSSGTAEAAS 420
ASGEAGRSAN HTPAG 435

Número de secuencia (ID): 1040

Longitud: 431

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..431

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LTGPATSGSE TPGTEVQLVE SGGGLVQPGG SLRLSCVASV SSFSTNDMGW YRQAPGKQRE 60
LVAGITVGGN TFYAGSVKGR FTISRDNGKN TMYLQMNSLK PEDTAVYFCN VGAKYRKPEW 120
YSGEYWGQGT QVTVSSGGGG SGGGSELVVT QEPSLTVSPG GTVTLTCRSS NGAVTSSNYA 180
NWVQQKPGQA PRGLIGGTNK RAPGTPARFS GSLLGGKAAL TLSGVQPEDE AVYYCALWYP 240
NLWVFGGGTK LTVLGATPPE TGAETESPGE TTGGSAESEP PGEGEVQLLE SGGGIVQPGG 300
SLKLSCAASG FTFNTYAMNW VRQAPGKGLE WVARIRSKYN NYATYYADSV KDRFTISRDD 360
SKNTVYLQMN NLKTEDTAVY YCVRHENFGN SYVSWFAHWG QGTLVTVSSG TAEAASASGE 420
AGRSANHTPA G 431

Número de secuencia (ID): 1041

Longitud: 432

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..432

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LTGPATSGSE TPGTEVQLVE SGGGLVQAGG SLKLSCVANG PTFSTYAMAW FRQAPGKEHE 60
FVAAITGDGD TTNNADSVKG RFTISRDNAK NRVYLQLNSL KPEDTAAYYC AAGVHHTYTI 120
PRLWLYWGQG TQVTVSSGGG GSGGGSELVV TQEPSLTVSP GGTVTLTCRS SNGAVTSSNY 180
ANWVQQKPGQ APRGLIGGTN KRAPGTPARF SGSLLGGKAA LTLSGVQPED EAVYYCALWY 240
PNLWVFGGGT KLTVLGATPP ETGAETESPG ETTGGSAESE PPGEGEVQLL ESGGGIVQPG 300
GSLKLSCAAS GFTFNTYAMN WVRQAPGKGL EWVARIRSKY NNYATYYADS VKDRFTISRD 360
DSKNTVYLQM NNLKTEDTAV YYCVRHENFG NSYVSWFAHW GQGTLVTVSS GTAEAASASG 420
EAGRSANHTP AG 432

Número de secuencia (ID): 1042

Longitud: 423

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..423

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LTGPATSGSE TPGTEVQLVE SGGGLVQAGG SLRLSCVVSG IAFSPYHMAW YRQAPGKQHE 60
WVAVITTGGT TAYNETVEGR FSISRDNARS TVYLQMNSLK PEDTAVYYCN IYGLSLKWGQ 120
GTQVTVSSGG GGSGGGSELV VTQEPSLTVS PGGTVTLTCR SSNGAVTSSN YANWVQQKPG 180
QAPRGLIGGT NKRAPGTPAR FSGSLLGGKA ALTLSGVQPE DEAVYYCALW YPNLWVFGGG 240
TKLTVLGATP PETGAETESP GETTGGSAES EPPGEGEVQL LESGGGIVQP GGSLKLSCAA 300
SGFTFNTYAM NWVRQAPGKG LEWVARIRSK YNNYATYYAD SVKDRFTISR DDSKNTVYLQ 360
MNNLKTEDTA VYYCVRHENF GNSYVSWFAH WGQGTLVTVS SGTAEAASAS GEAGRSANHT 420
PAG 423

Número de secuencia (ID): 1043

Longitud: 104

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..104

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DGNEEMGGIT QTPYKVSISG TTVILTCPQY PGSEILWQHN DKNIGGDEDD KNIGSDEDHL 60

SLKEFSELEQ SGYYVCYPRG SKPEDANFYL YLRARVCENC MEMD 104

Número de secuencia (ID): 1044

Longitud: 707

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..707

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KSSNEATNIT PKHNMKAFLD ELKAENIKKF LYNFTQIPHL AGTEQNFQLA KQIQSQWKEF 60

GLDSVELAHY DVLLSYPNKT HPNYISIINE DGNEIFNTSL FEPPPPGYEN VSDIVPPFSA 120

FSPQGMPEGD LVYVNYARTE DFFKLERDMK INCSGKIVIA RYGKVFRGNK VKNAQLAGAK 180

GVILYSDPAD YFAPGVKSYP DGWNLPGGGV QRGNILNLNG AGDPLTPGYP ANEYAYRRGI 240

AEAVGLPSIP VHPIGYYDAQ KLLEKMGGSA PPDSSWRGSL KVPYNVGPGF TGNFSTQKVK 300

MHIHSTNEVT RIYNVIGTLR GAVEPDRYVI LGGHRDSWVF GGIDPQSGAA VVHEIVRSFG 360

TLKKEGWRPR RTILFASWDA EEFGLLGSTE WAEENSRLLQ ERGVAYINAD SSIEGNYTLR 420

VDCTPLMYSL VHNLTKELKS PDEGFEGKSL YESWTKKSPS PEFSGMPRIS KLGSGNDFEV 480

FFQRLGIASG RARYTKNWET NKFSGYPLYH SVYETYELVE KFYDPMFKYH LTVAQVRGGM 540

VFELANSIVL PFDCRDYAVV LRKYADKIYS ISMKHPQEMK TYSVSFDSLF SAVKNFTEIA 600

SKFSERLQDF DKSNPIVLRM MNDQLMFLER AFIDPLGLPD RPFYRHVIYA PSSHNKYAGE 660

SFPGIYDALF DIESKVDPSK AWGEVKRQIY VAAFTVQAAA ETLSEVA 707

Número de secuencia (ID): 1045

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1046

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1047

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1048

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1049

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1050

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1051

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1052

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1053

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1054

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1055

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1056

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1057

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1058

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1059

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1060

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1061

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1062

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1063

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1064

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1065

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1066

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1067

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1068

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1069

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1070

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1071

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1072

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1073

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1074

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1075

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1076

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1077

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1078

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1079

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1080

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1081

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1082

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1083

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1084

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1085

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1086

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1087

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1088

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1089

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1090

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1091

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1092

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1093

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1094

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1095

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1096

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1097

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1098

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1099

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1100

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1101

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1102

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1103

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1104

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1105

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1106

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1107

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1108

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1109

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1110

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1111

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1112

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1113

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1114

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1115

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1116

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1117

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1118

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1119

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1120

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1121

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1122

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1123

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1124

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1125

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1126

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1127

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1128

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1129

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1130

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1131

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1132

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1133

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1134

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1135

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1136

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1137

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1138

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1139

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1140

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1141

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1142

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1143

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1144

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1145

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1146

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1147

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1148

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1149

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1150

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1151

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1152

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1153

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1154

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1155

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1156

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1157

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1158

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1159

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1160

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1161

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1162

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1163

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1164

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1165

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1166

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1167

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1168

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1169

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1170

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1171

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1172

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1173

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1174

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1175

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1176

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1177

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1178

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1179

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1180

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1181

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1182

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1183

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1184

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1185

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1186

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1187

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1188

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1189

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1190

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1191

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1192

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1193

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1194

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1195

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1196

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1197

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1198

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1199

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1200

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1201

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1202

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1203

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1204

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1205

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1206

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1207

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1208

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1209

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1210

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1211

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1212

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1213

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1214

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1215

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1216

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1217

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1218

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1219

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1220

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1221

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1222

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1223

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1224

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1225

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1226

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1227

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1228

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1229

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1230

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1231

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1232

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1233

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1234

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1235

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1236

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1237

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1238

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1239

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1240

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1241

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1242

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1243

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1244

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1245

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1246

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1247

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1248

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1249

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1250

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1251

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1252

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1253

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1254

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1255

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1256

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1257

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1258

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1259

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1260

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1261

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1262

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1263

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1264

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1265

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1266

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1267

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1268

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1269

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1270

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1271

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1272

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1273

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1274

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1275

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1276

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1277

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1278

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1279

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1280

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1281

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1282

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1283

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1284

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1285

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1286

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1287

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1288

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1289

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1290

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1291

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1292

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1293

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1294

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1295

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1296

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1297

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1298

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1299

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1300

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1301

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1302

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1303

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1304

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1305

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1306

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1307

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1308

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1309

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1310

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1311

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1312

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1313

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1314

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1315

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1316

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1317

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1318

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1319

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1320

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1321

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1322

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1323

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1324

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1325

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1326

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1327

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1328

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1329

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1330

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1331

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1332

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1333

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1334

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1335

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1336

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1337

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1338

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1339

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1340

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1341

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1342

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1343

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1344

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1345

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1346

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1347

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1348

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1349

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1350

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1351

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1352

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1353

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1354

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1355

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1356

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1357

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1358

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1359

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1360

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1361

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1362

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1363

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1364

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1365

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1366

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1367

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1368

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1369

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1370

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1371

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1372

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1373

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1374

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1375

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1376

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1377

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1378

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1379

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1380

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1381

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1382

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1383

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1384

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1385

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1386

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1387

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1388

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1389

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1390

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1391

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1392

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1393

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1394

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1395

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1396

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1397

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1398

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1399

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1400

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1401

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1402

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1403

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1404

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1405

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1406

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1407

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1408

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1409

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1410

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1411

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1412

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1413

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1414

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1415

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1416

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1417

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1418

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1419

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1420

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1421

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1422

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1423

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1424

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1425

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1426

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1427

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1428

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1429

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1430

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1431

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1432

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1433

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1434

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1435

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1436

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1437

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1438

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1439

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1440

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1441

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1442

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1443

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1444

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1445

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1446

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1447

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1448

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1449

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1450

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1451

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1452

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1453

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1454

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1455

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1456

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1457

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1458

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1459

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1460

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1461

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1462

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1463

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1464

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1465

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1466

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1467

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1468

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1469

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1470

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1471

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1472

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1473

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1474

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1475

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1476

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1477

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1478

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1479

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1480

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1481

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1482

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1483

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1484

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1485

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1486

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1487

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1488

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1489

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1490

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1491

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1492

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1493

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1494

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1495

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1496

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1497

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1498

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1499

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1500

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1501

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1502

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1503

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1504

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1505

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1506

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1507

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1508

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1509

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1510

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1511

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1512

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1513

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1514

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1515

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1516

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1517

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1518

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1519

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1520

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1521

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1522

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1523

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1524

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1525

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1526

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1527

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1528

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1529

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1530

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1531

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1532

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1533

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1534

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1535

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1536

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1537

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1538

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1539

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1540

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1541

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1542

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1543

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1544

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1545

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1546

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1547

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1548

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1549

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1550

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1551

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1552

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1553

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1554

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1555

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1556

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1557

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1558

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1559

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1560

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1561

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1562

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1563

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1564

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1565

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1566

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1567

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1568

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1569

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1570

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1571

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1572

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1573

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1574

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1575

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1576

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1577

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1578

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1579

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1580

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1581

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1582

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1583

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1584

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1585

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1586

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1587

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1588

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1589

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1590

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1591

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1592

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1593

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1594

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1595

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1596

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1597

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1598

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1599

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1600

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1601

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1602

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1603

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1604

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1605

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1606

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1607

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1608

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1609

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1610

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1611

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1612

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1613

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1614

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1615

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1616

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1617

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1618

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1619

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1620

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1621

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1622

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1623

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1624

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1625

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1626

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1627

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1628

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1629

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1630

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1631

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1632

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1633

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1634

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1635

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1636

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1637

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1638

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1639

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1640

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1641

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1642

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1643

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1644

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1645

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1646

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1647

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1648

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1649

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1650

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1651

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1652

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1653

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1654

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1655

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1656

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1657

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1658

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1659

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1660

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1661

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1662

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1663

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1664

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1665

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1666

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1667

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1668

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1669

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1670

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1671

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1672

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1673

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1674

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1675

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1676

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1677

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1678

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1679

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1680

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1681

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1682

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1683

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1684

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1685

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1686

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1687

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1688

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1689

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1690

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1691

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1692

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1693

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1694

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1695

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1696

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1697

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1698

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1699

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1700

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1701

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1702

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1703

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1704

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1705

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1706

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1707

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1708

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1709

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1710

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1711

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1712

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1713

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1714

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1715

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSGASEPTST EP 12

Número de secuencia (ID): 1716

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSEPATSGTE PS 12

Número de secuencia (ID): 1717

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSEPSTSEP GA 12

Número de secuencia (ID): 1718

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSTEPSEPG SA 12

Número de secuencia (ID): 1719

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSTAGSETST EA 12

Número de secuencia (ID): 1720

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSETATSGSE TA 12

Número de secuencia (ID): 1721

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSESATSES GA 12

Número de secuencia (ID): 1722

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSTEASEGS AS 12

Número de secuencia (ID): 1723

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1724

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1725

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1726

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1727

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1728

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1729

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1730

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1731

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1732

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1733

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1734

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1735

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1736

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1737

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1738

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1739

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1740

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1741

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1742

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1743

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1744

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1745

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1746

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1747

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1748

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1749

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1750

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1751

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1752

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1753

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1754

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1755

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1756

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1757

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1758

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1759

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1760

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1761

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1762

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1763

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1764

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1765

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1766

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1767

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1768

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1769

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1770

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1771

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1772

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1773

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1774

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1775

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1776

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1777

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1778

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1779

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1780

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1781

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1782

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1783

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1784

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1785

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1786

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1787

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1788

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1789

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1790

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1791

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1792

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1793

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1794

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1795

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1796

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1797

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1798

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1799

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1800

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1801

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1802

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1803

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1804

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1805

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1806

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1807

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1808

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1809

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1810

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1811

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1812

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1813

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1814

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1815

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1816

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1817

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1818

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1819

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1820

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1821

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1822

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1823

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1824

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1825

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1826

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1827

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1828

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1829

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1830

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1831

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1832

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1833

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1834

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1835

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1836

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1837

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1838

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1839

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1840

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1841

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1842

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1843

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1844

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1845

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1846

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1847

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1848

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1849

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1850

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1851

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1852

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1853

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1854

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1855

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1856

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1857

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1858

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1859

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1860

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1861

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1862

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1863

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1864

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1865

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1866

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1867

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1868

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1869

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1870

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1871

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1872

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1873

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1874

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1875

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1876

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1877

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1878

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1879

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1880

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1881

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1882

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1883

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1884

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1885

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1886

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1887

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1888

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1889

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1890

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1891

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1892

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1893

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1894

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1895

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1896

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1897

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1898

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1899

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1900

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1901

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1902

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1903

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1904

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1905

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1906

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1907

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1908

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1909

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1910

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1911

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1912

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1913

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1914

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1915

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1916

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1917

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1918

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1919

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1920

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1921

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1922

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1923

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1924

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1925

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1926

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1927

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1928

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1929

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1930

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1931

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1932

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1933

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1934

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1935

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1936

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1937

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1938

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1939

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1940

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1941

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1942

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1943

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1944

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1945

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1946

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1947

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1948

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1949

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1950

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1951

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1952

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1953

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1954

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1955

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1956

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1957

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1958

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1959

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1960

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1961

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1962

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1963

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1964

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1965

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1966

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1967

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1968

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1969

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1970

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1971

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1972

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1973

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1974

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1975

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1976

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1977

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1978

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1979

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1980

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1981

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1982

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1983

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1984

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1985

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1986

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1987

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1988

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1989

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1990

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1991

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1992

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1993

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1994

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1995

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1996

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1997

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1998

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 1999

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2000

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2001

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2002

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2003

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2004

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2005

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2006

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2007

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2008

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2009

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2010

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2011

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2012

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2013

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2014

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2015

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2016

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2017

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2018

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2019

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2020

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2021

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2022

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2023

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2024

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2025

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2026

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2027

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2028

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2029

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2030

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2031

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2032

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2033

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2034

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2035

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2036

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2037

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2038

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2039

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2040

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2041

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2042

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2043

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2044

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2045

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2046

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2047

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2048

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2049

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2050

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2051

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2052

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2053

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2054

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2055

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2056

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2057

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2058

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2059

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2060

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2061

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2062

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2063

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2064

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2065

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2066

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2067

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2068

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2069

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2070

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2071

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2072

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2073

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2074

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2075

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2076

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2077

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2078

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2079

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2080

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2081

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2082

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2083

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2084

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2085

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2086

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2087

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2088

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2089

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2090

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2091

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2092

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2093

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2094

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2095

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2096

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2097

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2098

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2099

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2100

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2101

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2102

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2103

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2104

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2105

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2106

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2107

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2108

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2109

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2110

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2111

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2112

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2113

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2114

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2115

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2116

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2117

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2118

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2119

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2120

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2121

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2122

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2123

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2124

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2125

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2126

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2127

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2128

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2129

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2130

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2131

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2132

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2133

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2134

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2135

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2136

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2137

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2138

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2139

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2140

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2141

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2142

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2143

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2144

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2145

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2146

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2147

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2148

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2149

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2150

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2151

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2152

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2153

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2154

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2155

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2156

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2157

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2158

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2159

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2160

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2161

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2162

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2163

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2164

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2165

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2166

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2167

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2168

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2169

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2170

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2171

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2172

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2173

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2174

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2175

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2176

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2177

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2178

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2179

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2180

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2181

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2182

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2183

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2184

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2185

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2186

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2187

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2188

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2189

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2190

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2191

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2192

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2193

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2194

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2195

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2196

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2197

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2198

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2199

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2200

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2201

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2202

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2203

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2204

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2205

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2206

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2207

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2208

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2209

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2210

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2211

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2212

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2213

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2214

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2215

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2216

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2217

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2218

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2219

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2220

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2221

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2222

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2223

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2224

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2225

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2226

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2227

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2228

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2229

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2230

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2231

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2232

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2233

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2234

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2235

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2236

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2237

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2238

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2239

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2240

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2241

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2242

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2243

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2244

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2245

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2246

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2247

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2248

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2249

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2250

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2251

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2252

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2253

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2254

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2255

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2256

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2257

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2258

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2259

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2260

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2261

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2262

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2263

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2264

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2265

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2266

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2267

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2268

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2269

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2270

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2271

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2272

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2273

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2274

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2275

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2276

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2277

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2278

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2279

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2280

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2281

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2282

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2283

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2284

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2285

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2286

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2287

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2288

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2289

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2290

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2291

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2292

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2293

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2294

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2295

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2296

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2297

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2298

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2299

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2300

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2301

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2302

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2303

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2304

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2305

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2306

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2307

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2308

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2309

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2310

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2311

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2312

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2313

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2314

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2315

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2316

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2317

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2318

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2319

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2320

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2321

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2322

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2323

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2324

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2325

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2326

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2327

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2328

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2329

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2330

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2331

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2332

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2333

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2334

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2335

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2336

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2337

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2338

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2339

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2340

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2341

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2342

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2343

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2344

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2345

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2346

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2347

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2348

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2349

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2350

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2351

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2352

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2353

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2354

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2355

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2356

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2357

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2358

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2359

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2360

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2361

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2362

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2363

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2364

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2365

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2366

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2367

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2368

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2369

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2370

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2371

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2372

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2373

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2374

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2375

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2376

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2377

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2378

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2379

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2380

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2381

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2382

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2383

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2384

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2385

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2386

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2387

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2388

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2389

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2390

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2391

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2392

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2393

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2394

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2395

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2396

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2397

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2398

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2399

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2400

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2401

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2402

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2403

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2404

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2405

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2406

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2407

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2408

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2409

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2410

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2411

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2412

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2413

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2414

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2415

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2416

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2417

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2418

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2419

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2420

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2421

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2422

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2423

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2424

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2425

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2426

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2427

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2428

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2429

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2430

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2431

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2432

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2433

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2434

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2435

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2436

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2437

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2438

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2439

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2440

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2441

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2442

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2443

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2444

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2445

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2446

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2447

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2448

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2449

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2450

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2451

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2452

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2453

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2454

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2455

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2456

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2457

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2458

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2459

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2460

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2461

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2462

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2463

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2464

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2465

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2466

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2467

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2468

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2469

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2470

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2471

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2472

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2473

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2474

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2475

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2476

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2477

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2478

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2479

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2480

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2481

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2482

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2483

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2484

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2485

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2486

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2487

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2488

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2489

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2490

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2491

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2492

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2493

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2494

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2495

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2496

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2497

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2498

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2499

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2500

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2501

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2502

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2503

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2504

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2505

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2506

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2507

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2508

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2509

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2510

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2511

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2512

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2513

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2514

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2515

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2516

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2517

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2518

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2519

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2520

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2521

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2522

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2523

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2524

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2525

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2526

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2527

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2528

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2529

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2530

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2531

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2532

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2533

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2534

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2535

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2536

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2537

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2538

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2539

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2540

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2541

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2542

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2543

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2544

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2545

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2546

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2547

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2548

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2549

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2550

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2551

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2552

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2553

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2554

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2555

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2556

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2557

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2558

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2559

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2560

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2561

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2562

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2563

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2564

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2565

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2566

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2567

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2568

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2569

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2570

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2571

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2572

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2573

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2574

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2575

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2576

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2577

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2578

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2579

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2580

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2581

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2582

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2583

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2584

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2585

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2586

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2587

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2588

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2589

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2590

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2591

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2592

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2593

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2594

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2595

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2596

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2597

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2598

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2599

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2600

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2601

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2602

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2603

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2604

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2605

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2606

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2607

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2608

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2609

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2610

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2611

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2612

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2613

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2614

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2615

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2616

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2617

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2618

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2619

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2620

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2621

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2622

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2623

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2624

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2625

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2626

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2627

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2628

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2629

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2630

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2631

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2632

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2633

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2634

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2635

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2636

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2637

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2638

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2639

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2640

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2641

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2642

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2643

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2644

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2645

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2646

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2647

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2648

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2649

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2650

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2651

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2652

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2653

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2654

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2655

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2656

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2657

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2658

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2659

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2660

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2661

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2662

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2663

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2664

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2665

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2666

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2667

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2668

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2669

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2670

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2671

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2672

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2673

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2674

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2675

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2676

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2677

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2678

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2679

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2680

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2681

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2682

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2683

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2684

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2685

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2686

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2687

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2688

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2689

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2690

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2691

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2692

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2693

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2694

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2695

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2696

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2697

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2698

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2699

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2700

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2701

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2702

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2703

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2704

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2705

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2706

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2707

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2708

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2709

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2710

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2711

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2712

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2713

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2714

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2715

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2716

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2717

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2718

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2719

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2720

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2721

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2722

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2723

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2724

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2725

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2726

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2727

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2728

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2729

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2730

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2731

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2732

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2733

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2734

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2735

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2736

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2737

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2738

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2739

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2740

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2741

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2742

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2743

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2744

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2745

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2746

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2747

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2748

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2749

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2750

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2751

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2752

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2753

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2754

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2755

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2756

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2757

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2758

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2759

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2760

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2761

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2762

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2763

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2764

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2765

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2766

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2767

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2768

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2769

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2770

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2771

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2772

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2773

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2774

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2775

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2776

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2777

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2778

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2779

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2780

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2781

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2782

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2783

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2784

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2785

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2786

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2787

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2788

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2789

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2790

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2791

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2792

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2793

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2794

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2795

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2796

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2797

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2798

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2799

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2800

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2801

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2802

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2803

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2804

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2805

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2806

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2807

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2808

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2809

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2810

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2811

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2812

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2813

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2814

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2815

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2816

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2817

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2818

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2819

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2820

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2821

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2822

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2823

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2824

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2825

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2826

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2827

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2828

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2829

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2830

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2831

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2832

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2833

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2834

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2835

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2836

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2837

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2838

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2839

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2840

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2841

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2842

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2843

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2844

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2845

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2846

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2847

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2848

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2849

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2850

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2851

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2852

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2853

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2854

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2855

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2856

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2857

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2858

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2859

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2860

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2861

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2862

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2863

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2864

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2865

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2866

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2867

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2868

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2869

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2870

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2871

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2872

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2873

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2874

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2875

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2876

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2877

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2878

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2879

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2880

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2881

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2882

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2883

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2884

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2885

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2886

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2887

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2888

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2889

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2890

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2891

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2892

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2893

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2894

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2895

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2896

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2897

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2898

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2899

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2900

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2901

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2902

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2903

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2904

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2905

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2906

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2907

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2908

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2909

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2910

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2911

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2912

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2913

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2914

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2915

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2916

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2917

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2918

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2919

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2920

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2921

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2922

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2923

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2924

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2925

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2926

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2927

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2928

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2929

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2930

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2931

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2932

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2933

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2934

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2935

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2936

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2937

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2938

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2939

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2940

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2941

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2942

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2943

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2944

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2945

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2946

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2947

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2948

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2949

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2950

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2951

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2952

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2953

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2954

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2955

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2956

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2957

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2958

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2959

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2960

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2961

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2962

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2963

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2964

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2965

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2966

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2967

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2968

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2969

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2970

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2971

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2972

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2973

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2974

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2975

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2976

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2977

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2978

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2979

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2980

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2981

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2982

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2983

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2984

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2985

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2986

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2987

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2988

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2989

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2990

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2991

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2992

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2993

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2994

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2995

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2996

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2997

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2998

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 2999

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3000

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3001

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3002

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3003

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3004

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3005

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3006

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3007

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3008

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3009

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3010

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3011

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3012

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3013

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3014

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3015

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3016

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3017

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3018

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3019

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3020

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3021

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3022

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3023

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3024

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3025

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3026

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3027

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3028

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3029

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3030

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3031

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3032

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3033

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3034

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3035

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3036

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3037

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3038

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3039

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3040

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3041

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3042

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3043

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3044

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3045

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3046

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3047

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3048

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3049

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3050

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3051

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3052

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3053

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3054

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3055

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3056

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3057

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3058

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3059

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3060

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3061

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3062

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3063

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3064

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3065

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3066

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3067

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3068

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3069

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3070

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3071

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3072

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3073

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3074

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3075

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3076

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3077

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3078

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3079

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3080

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3081

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3082

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3083

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3084

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3085

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3086

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3087

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3088

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3089

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3090

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3091

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3092

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3093

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3094

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3095

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3096

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3097

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3098

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3099

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3100

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3101

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3102

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3103

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3104

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3105

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3106

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3107

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3108

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3109

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3110

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3111

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3112

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3113

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3114

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3115

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3116

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3117

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3118

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3119

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3120

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3121

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3122

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3123

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3124

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3125

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3126

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3127

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3128

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3129

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3130

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3131

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3132

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3133

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3134

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3135

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3136

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3137

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3138

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3139

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3140

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3141

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3142

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3143

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3144

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3145

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3146

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3147

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3148

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3149

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3150

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3151

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3152

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3153

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3154

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3155

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3156

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3157

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3158

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3159

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3160

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3161

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3162

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3163

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3164

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3165

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3166

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3167

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3168

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3169

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3170

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3171

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3172

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3173

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3174

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3175

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3176

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3177

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3178

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3179

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3180

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3181

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3182

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3183

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3184

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3185

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3186

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3187

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3188

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3189

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3190

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3191

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3192

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3193

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3194

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3195

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3196

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3197

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3198

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3199

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3200

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3201

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3202

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3203

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3204

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3205

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3206

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3207

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3208

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3209

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3210

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3211

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3212

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3213

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3214

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3215

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3216

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3217

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3218

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3219

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3220

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3221

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3222

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3223

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3224

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3225

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3226

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3227

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3228

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3229

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3230

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3231

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3232

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3233

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3234

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3235

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3236

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3237

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3238

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3239

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3240

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3241

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3242

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3243

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3244

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3245

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3246

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3247

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3248

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3249

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3250

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3251

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3252

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3253

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3254

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3255

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3256

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3257

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3258

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3259

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3260

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3261

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3262

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3263

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3264

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3265

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3266

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3267

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3268

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3269

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3270

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3271

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3272

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3273

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3274

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3275

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3276

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3277

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3278

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3279

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3280

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3281

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3282

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3283

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3284

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3285

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3286

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3287

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3288

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3289

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3290

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3291

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3292

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3293

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3294

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3295

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3296

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3297

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3298

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3299

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3300

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3301

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3302

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3303

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3304

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3305

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3306

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3307

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3308

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3309

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3310

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3311

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3312

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3313

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3314

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3315

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3316

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3317

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3318

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3319

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3320

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3321

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3322

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3323

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3324

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3325

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3326

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3327

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3328

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3329

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3330

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3331

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3332

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3333

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3334

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3335

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3336

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3337

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3338

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3339

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3340

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3341

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3342

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3343

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3344

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3345

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3346

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3347

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3348

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3349

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3350

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3351

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3352

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3353

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3354

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3355

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3356

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3357

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3358

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3359

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3360

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3361

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3362

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3363

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3364

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3365

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3366

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3367

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3368

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3369

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3370

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3371

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3372

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3373

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3374

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3375

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3376

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3377

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3378

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3379

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3380

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3381

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3382

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3383

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3384

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3385

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3386

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3387

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3388

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3389

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3390

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3391

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3392

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3393

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3394

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3395

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3396

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3397

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3398

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3399

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3400

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3401

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3402

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3403

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3404

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3405

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3406

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3407

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3408

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3409

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3410

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3411

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3412

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3413

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3414

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3415

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3416

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3417

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3418

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3419

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3420

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3421

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3422

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3423

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3424

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3425

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3426

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3427

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3428

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3429

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3430

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3431

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3432

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3433

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3434

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3435

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3436

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3437

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3438

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3439

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3440

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3441

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3442

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3443

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3444

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3445

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3446

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3447

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3448

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3449

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3450

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3451

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3452

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3453

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3454

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3455

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3456

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3457

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3458

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3459

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3460

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3461

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3462

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3463

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3464

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3465

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3466

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3467

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3468

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3469

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3470

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3471

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3472

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3473

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3474

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3475

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3476

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3477

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3478

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3479

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3480

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3481

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3482

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3483

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3484

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3485

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3486

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3487

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3488

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3489

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3490

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3491

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3492

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3493

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3494

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3495

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3496

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3497

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3498

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3499

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3500

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3501

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3502

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3503

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3504

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3505

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3506

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3507

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3508

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3509

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3510

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3511

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3512

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3513

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3514

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3515

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3516

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3517

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3518

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3519

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3520

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3521

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3522

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3523

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3524

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3525

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3526

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3527

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3528

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3529

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3530

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3531

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3532

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3533

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3534

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3535

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3536

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3537

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3538

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3539

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3540

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3541

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3542

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3543

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3544

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3545

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3546

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3547

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3548

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3549

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3550

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3551

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3552

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3553

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3554

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3555

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3556

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3557

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3558

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3559

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3560

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3561

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3562

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3563

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3564

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3565

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3566

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3567

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3568

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3569

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3570

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3571

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3572

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3573

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3574

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3575

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3576

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3577

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3578

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3579

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3580

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3581

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3582

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3583

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3584

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3585

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3586

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3587

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3588

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3589

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3590

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3591

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3592

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3593

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3594

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3595

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3596

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3597

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3598

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3599

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3600

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3601

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3602

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3603

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3604

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3605

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3606

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3607

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3608

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3609

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3610

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3611

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3612

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3613

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3614

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3615

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3616

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3617

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3618

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3619

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3620

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3621

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3622

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3623

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3624

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3625

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3626

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3627

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3628

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3629

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3630

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3631

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3632

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3633

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3634

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3635

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3636

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3637

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3638

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3639

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3640

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3641

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3642

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3643

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3644

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3645

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3646

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3647

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3648

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3649

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3650

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3651

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3652

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3653

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3654

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3655

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3656

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3657

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3658

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3659

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3660

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3661

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3662

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3663

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3664

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3665

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3666

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3667

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3668

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3669

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3670

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3671

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3672

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3673

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3674

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3675

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3676

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3677

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3678

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3679

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3680

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3681

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3682

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3683

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3684

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3685

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3686

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3687

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3688

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3689

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3690

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3691

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3692

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3693

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3694

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3695

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3696

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3697

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3698

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3699

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3700

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3701

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3702

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3703

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3704

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3705

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3706

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3707

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3708

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3709

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3710

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3711

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3712

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3713

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3714

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3715

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3716

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3717

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3718

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3719

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3720

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3721

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3722

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3723

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3724

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3725

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3726

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3727

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3728

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3729

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3730

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3731

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3732

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3733

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3734

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3735

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3736

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3737

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3738

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3739

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3740

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3741

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3742

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3743

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3744

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3745

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3746

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3747

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3748

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3749

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3750

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3751

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3752

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3753

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3754

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3755

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3756

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3757

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3758

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3759

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3760

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3761

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3762

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3763

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3764

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3765

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3766

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3767

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3768

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3769

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3770

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3771

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3772

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3773

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3774

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3775

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3776

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3777

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3778

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3779

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3780

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3781

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3782

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3783

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3784

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3785

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3786

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3787

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3788

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3789

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3790

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3791

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3792

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3793

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3794

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3795

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3796

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3797

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3798

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3799

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3800

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3801

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3802

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3803

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3804

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3805

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3806

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3807

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3808

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3809

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3810

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3811

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3812

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3813

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3814

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3815

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3816

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3817

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3818

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3819

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3820

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3821

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3822

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3823

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3824

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3825

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3826

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3827

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3828

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3829

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3830

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3831

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3832

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3833

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3834

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3835

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3836

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3837

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3838

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3839

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3840

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3841

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3842

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3843

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3844

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3845

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3846

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3847

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3848

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3849

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3850

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3851

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3852

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3853

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3854

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3855

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3856

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3857

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3858

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3859

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3860

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3861

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3862

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3863

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3864

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3865

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3866

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3867

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3868

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3869

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3870

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3871

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3872

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3873

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3874

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3875

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3876

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3877

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3878

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3879

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3880

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3881

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3882

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3883

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3884

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3885

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3886

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3887

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3888

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3889

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3890

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3891

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3892

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3893

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3894

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3895

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3896

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3897

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3898

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3899

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3900

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3901

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3902

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3903

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3904

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3905

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3906

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3907

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3908

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3909

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3910

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3911

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3912

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3913

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3914

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3915

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3916

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3917

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3918

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3919

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3920

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3921

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3922

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3923

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3924

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3925

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3926

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3927

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3928

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3929

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3930

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3931

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3932

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3933

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3934

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3935

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3936

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3937

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3938

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3939

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3940

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3941

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3942

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3943

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3944

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3945

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3946

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3947

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3948

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3949

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3950

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3951

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3952

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3953

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3954

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3955

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3956

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3957

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3958

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3959

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3960

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3961

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3962

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3963

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3964

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3965

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3966

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3967

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3968

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3969

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3970

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3971

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3972

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3973

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3974

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3975

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3976

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3977

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3978

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3979

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3980

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3981

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3982

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3983

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3984

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3985

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3986

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3987

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3988

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3989

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3990

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3991

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3992

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3993

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3994

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3995

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3996

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3997

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3998

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 3999

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4000

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4001

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4002

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4003

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4004

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4005

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4006

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4007

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4008

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4009

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4010

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4011

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4012

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4013

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4014

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4015

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4016

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4017

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4018

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4019

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4020

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4021

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4022

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4023

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4024

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4025

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4026

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4027

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4028

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4029

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4030

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4031

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4032

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4033

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4034

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4035

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4036

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4037

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4038

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4039

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4040

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4041

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4042

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4043

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4044

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4045

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4046

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4047

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4048

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4049

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4050

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4051

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4052

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4053

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4054

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4055

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4056

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4057

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4058

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4059

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4060

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4061

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4062

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4063

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4064

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4065

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4066

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4067

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4068

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4069

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4070

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4071

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4072

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4073

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4074

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4075

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4076

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4077

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4078

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4079

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4080

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4081

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4082

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4083

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4084

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4085

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4086

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4087

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4088

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4089

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4090

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4091

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4092

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4093

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4094

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4095

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4096

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4097

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4098

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4099

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4100

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4101

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4102

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4103

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4104

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4105

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4106

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4107

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4108

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4109

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4110

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4111

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4112

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4113

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4114

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4115

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4116

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4117

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4118

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4119

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4120

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4121

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4122

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4123

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4124

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4125

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4126

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4127

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4128

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4129

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4130

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4131

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4132

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4133

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4134

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4135

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4136

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4137

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4138

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4139

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4140

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4141

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4142

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4143

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4144

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4145

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4146

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4147

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4148

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4149

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4150

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4151

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4152

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4153

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4154

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4155

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4156

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4157

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4158

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4159

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4160

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4161

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4162

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4163

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4164

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4165

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4166

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4167

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4168

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4169

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4170

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4171

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4172

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4173

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4174

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4175

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4176

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4177

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4178

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4179

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4180

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4181

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4182

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4183

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4184

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4185

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4186

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4187

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4188

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4189

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4190

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4191

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4192

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4193

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4194

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4195

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4196

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4197

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4198

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4199

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4200

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4201

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4202

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4203

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4204

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4205

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4206

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4207

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4208

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4209

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4210

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4211

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4212

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4213

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4214

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4215

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4216

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4217

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4218

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4219

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4220

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4221

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4222

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4223

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4224

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4225

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4226

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4227

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4228

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4229

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4230

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4231

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4232

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4233

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4234

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4235

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4236

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4237

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4238

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4239

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4240

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4241

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4242

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4243

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4244

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4245

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4246

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4247

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4248

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4249

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4250

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4251

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4252

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4253

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4254

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4255

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4256

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4257

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4258

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4259

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4260

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4261

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4262

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4263

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4264

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4265

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4266

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4267

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4268

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4269

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4270

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4271

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4272

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4273

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4274

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4275

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4276

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4277

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4278

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4279

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4280

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4281

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4282

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4283

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4284

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4285

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4286

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4287

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4288

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4289

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4290

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4291

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4292

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4293

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4294

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4295

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4296

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4297

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4298

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4299

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4300

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4301

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4302

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4303

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4304

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4305

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4306

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4307

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4308

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4309

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4310

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4311

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4312

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4313

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4314

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4315

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4316

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4317

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4318

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4319

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4320

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4321

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4322

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4323

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4324

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4325

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4326

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4327

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4328

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4329

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4330

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4331

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4332

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4333

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4334

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4335

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4336

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4337

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4338

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4339

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4340

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4341

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4342

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4343

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4344

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4345

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4346

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4347

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4348

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4349

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4350

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4351

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4352

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4353

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4354

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4355

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4356

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4357

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4358

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4359

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4360

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4361

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4362

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4363

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4364

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4365

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4366

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4367

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4368

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4369

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4370

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4371

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4372

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4373

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4374

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4375

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4376

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4377

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4378

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4379

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4380

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4381

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4382

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4383

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4384

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4385

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4386

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4387

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4388

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4389

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4390

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4391

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4392

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4393

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4394

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4395

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4396

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4397

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4398

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4399

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4400

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4401

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4402

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4403

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4404

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4405

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4406

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4407

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4408

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4409

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4410

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4411

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4412

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4413

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4414

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4415

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4416

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4417

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4418

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4419

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4420

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4421

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4422

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4423

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4424

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4425

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4426

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4427

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4428

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4429

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4430

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4431

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4432

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4433

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4434

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4435

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4436

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4437

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4438

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4439

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4440

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4441

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4442

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4443

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4444

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4445

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4446

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4447

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4448

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4449

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4450

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4451

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4452

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4453

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4454

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4455

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4456

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4457

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4458

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4459

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4460

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4461

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4462

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4463

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4464

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4465

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4466

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4467

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4468

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4469

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4470

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4471

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4472

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4473

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4474

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4475

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4476

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4477

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4478

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4479

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4480

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4481

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4482

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4483

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4484

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4485

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4486

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4487

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4488

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4489

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4490

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4491

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4492

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4493

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4494

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4495

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4496

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4497

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4498

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4499

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4500

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4501

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4502

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4503

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4504

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4505

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4506

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4507

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4508

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4509

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4510

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4511

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4512

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4513

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4514

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4515

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4516

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4517

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4518

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4519

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4520

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4521

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4522

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4523

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4524

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4525

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4526

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4527

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4528

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4529

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4530

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4531

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4532

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4533

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4534

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4535

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4536

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4537

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4538

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4539

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4540

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4541

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4542

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4543

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4544

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4545

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4546

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4547

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4548

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4549

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4550

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4551

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4552

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4553

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4554

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4555

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4556

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4557

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4558

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4559

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4560

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4561

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4562

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4563

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4564

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4565

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4566

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4567

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4568

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4569

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4570

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4571

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4572

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4573

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4574

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4575

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4576

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4577

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4578

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4579

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4580

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4581

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4582

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4583

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4584

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4585

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4586

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4587

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4588

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4589

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4590

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4591

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4592

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4593

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4594

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4595

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4596

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4597

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4598

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4599

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4600

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4601

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4602

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4603

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4604

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4605

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4606

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4607

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4608

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4609

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4610

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4611

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4612

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4613

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4614

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4615

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4616

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4617

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4618

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4619

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4620

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4621

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4622

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4623

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4624

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4625

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4626

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4627

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4628

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4629

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4630

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4631

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4632

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4633

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4634

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4635

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4636

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4637

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4638

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4639

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4640

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4641

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4642

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4643

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4644

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4645

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4646

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4647

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4648

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4649

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4650

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4651

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4652

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4653

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4654

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4655

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4656

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4657

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4658

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4659

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4660

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4661

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4662

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4663

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4664

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4665

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4666

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4667

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4668

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4669

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4670

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4671

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4672

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4673

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4674

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4675

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4676

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4677

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4678

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4679

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4680

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4681

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4682

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4683

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4684

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4685

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4686

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4687

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4688

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4689

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4690

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4691

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4692

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4693

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4694

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4695

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4696

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4697

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4698

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4699

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4700

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4701

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4702

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4703

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4704

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4705

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4706

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4707

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4708

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4709

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4710

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4711

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4712

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4713

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4714

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4715

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4716

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4717

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4718

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4719

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4720

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4721

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4722

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4723

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4724

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4725

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4726

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4727

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4728

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4729

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4730

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4731

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4732

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4733

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4734

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4735

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4736

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4737

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4738

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4739

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4740

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4741

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4742

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4743

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4744

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4745

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4746

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4747

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4748

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4749

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4750

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4751

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4752

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4753

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4754

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4755

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4756

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4757

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4758

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4759

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4760

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4761

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4762

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4763

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4764

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4765

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4766

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4767

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4768

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4769

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4770

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4771

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4772

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4773

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4774

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4775

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4776

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4777

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4778

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4779

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4780

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4781

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4782

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4783

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4784

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4785

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4786

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4787

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4788

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4789

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4790

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4791

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4792

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4793

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4794

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4795

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4796

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4797

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4798

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4799

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4800

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4801

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4802

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4803

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4804

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4805

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4806

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4807

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4808

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4809

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4810

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4811

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4812

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4813

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4814

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4815

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4816

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4817

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4818

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4819

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4820

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4821

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4822

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4823

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4824

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4825

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4826

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4827

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4828

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4829

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4830

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4831

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4832

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4833

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4834

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4835

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4836

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4837

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4838

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4839

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4840

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4841

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4842

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4843

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4844

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4845

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4846

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4847

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4848

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4849

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4850

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4851

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4852

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4853

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4854

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4855

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4856

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4857

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4858

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4859

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4860

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4861

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4862

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4863

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4864

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4865

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4866

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4867

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4868

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4869

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4870

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4871

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4872

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4873

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4874

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4875

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4876

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4877

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4878

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4879

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4880

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4881

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4882

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4883

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4884

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4885

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4886

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4887

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4888

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4889

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4890

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4891

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4892

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4893

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4894

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4895

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4896

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4897

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4898

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4899

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4900

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4901

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4902

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4903

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4904

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4905

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4906

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4907

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4908

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4909

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4910

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4911

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4912

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4913

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4914

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4915

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4916

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4917

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4918

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4919

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4920

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4921

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4922

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4923

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4924

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4925

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4926

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4927

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4928

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4929

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4930

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4931

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4932

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4933

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4934

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4935

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4936

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4937

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4938

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4939

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4940

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4941

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4942

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4943

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4944

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4945

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4946

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4947

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4948

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4949

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4950

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4951

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4952

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4953

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4954

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4955

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4956

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4957

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4958

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4959

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4960

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4961

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4962

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4963

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4964

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4965

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4966

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4967

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4968

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4969

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4970

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4971

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4972

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4973

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4974

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4975

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4976

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4977

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4978

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4979

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4980

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4981

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4982

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4983

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4984

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4985

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4986

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4987

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4988

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4989

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4990

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4991

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4992

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4993

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4994

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4995

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4996

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4997

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4998

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 4999

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5000

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5001

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5002

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5003

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5004

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5005

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5006

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5007

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5008

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5009

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5010

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5011

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5012

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5013

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5014

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5015

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5016

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5017

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5018

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5019

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5020

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5021

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5022

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5023

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5024

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5025

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5026

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5027

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5028

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5029

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5030

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5031

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5032

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5033

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5034

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5035

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5036

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5037

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5038

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5039

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5040

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5041

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5042

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5043

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5044

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5045

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5046

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5047

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5048

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5049

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5050

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5051

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5052

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5053

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5054

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5055

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5056

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5057

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5058

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5059

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5060

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5061

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5062

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5063

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5064

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5065

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5066

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5067

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5068

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5069

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5070

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5071

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5072

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5073

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5074

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5075

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5076

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5077

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5078

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5079

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5080

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5081

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5082

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5083

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5084

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5085

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5086

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5087

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5088

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5089

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5090

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5091

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5092

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5093

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5094

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5095

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5096

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5097

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5098

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5099

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5100

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5101

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5102

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5103

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5104

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5105

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5106

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5107

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5108

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5109

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5110

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5111

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5112

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5113

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5114

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5115

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5116

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5117

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5118

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5119

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5120

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5121

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5122

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5123

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5124

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5125

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5126

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5127

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5128

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5129

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5130

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5131

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5132

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5133

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5134

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5135

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5136

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5137

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5138

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5139

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5140

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5141

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5142

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5143

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5144

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5145

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5146

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5147

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5148

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5149

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5150

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5151

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5152

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5153

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5154

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5155

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5156

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5157

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5158

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5159

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5160

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5161

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5162

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5163

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5164

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5165

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5166

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5167

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5168

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5169

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5170

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5171

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5172

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5173

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5174

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5175

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5176

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5177

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5178

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5179

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5180

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5181

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5182

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5183

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5184

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5185

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5186

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5187

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5188

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5189

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5190

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5191

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5192

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5193

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5194

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5195

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5196

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5197

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5198

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5199

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5200

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5201

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5202

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5203

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5204

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5205

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5206

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5207

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5208

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5209

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5210

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5211

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5212

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5213

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5214

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5215

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5216

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5217

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5218

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5219

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5220

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5221

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5222

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5223

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5224

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5225

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5226

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5227

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5228

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5229

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5230

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5231

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5232

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5233

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5234

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5235

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5236

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5237

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5238

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5239

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5240

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5241

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5242

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5243

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5244

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5245

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5246

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5247

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5248

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5249

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5250

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5251

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5252

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5253

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5254

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5255

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5256

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5257

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5258

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5259

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5260

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5261

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5262

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5263

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5264

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5265

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5266

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5267

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5268

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5269

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5270

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5271

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5272

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5273

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5274

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5275

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5276

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5277

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5278

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5279

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5280

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5281

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5282

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5283

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5284

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5285

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5286

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5287

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5288

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5289

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5290

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5291

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5292

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5293

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5294

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5295

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5296

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5297

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5298

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5299

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5300

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5301

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5302

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5303

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5304

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5305

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5306

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5307

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5308

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5309

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5310

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5311

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5312

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5313

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5314

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5315

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5316

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5317

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5318

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5319

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5320

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5321

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5322

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5323

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5324

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5325

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5326

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5327

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5328

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5329

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5330

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5331

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5332

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5333

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5334

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5335

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5336

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5337

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5338

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5339

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5340

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5341

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5342

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5343

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5344

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5345

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5346

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5347

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5348

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5349

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5350

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5351

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5352

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5353

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5354

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5355

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5356

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5357

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5358

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5359

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5360

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5361

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5362

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5363

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5364

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5365

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5366

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5367

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5368

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5369

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5370

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5371

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5372

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5373

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5374

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5375

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5376

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5377

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5378

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5379

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5380

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5381

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5382

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5383

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5384

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5385

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5386

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5387

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5388

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5389

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5390

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5391

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5392

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5393

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5394

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5395

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5396

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5397

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5398

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5399

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5400

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5401

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5402

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5403

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5404

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5405

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5406

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5407

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5408

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5409

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5410

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5411

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5412

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5413

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5414

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5415

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5416

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5417

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5418

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5419

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5420

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5421

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5422

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5423

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5424

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5425

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5426

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5427

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5428

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5429

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5430

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5431

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5432

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5433

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5434

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5435

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5436

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5437

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5438

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5439

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5440

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5441

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5442

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5443

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5444

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5445

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5446

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5447

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5448

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5449

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5450

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5451

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5452

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5453

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5454

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5455

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5456

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5457

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5458

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5459

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5460

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5461

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5462

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5463

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5464

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5465

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5466

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5467

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5468

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5469

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5470

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5471

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5472

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5473

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5474

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5475

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5476

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5477

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5478

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5479

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5480

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5481

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5482

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5483

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5484

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5485

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5486

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5487

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5488

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5489

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5490

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5491

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5492

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5493

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5494

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5495

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5496

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5497

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5498

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5499

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5500

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5501

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5502

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5503

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5504

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5505

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5506

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5507

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5508

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5509

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5510

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5511

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5512

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5513

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5514

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5515

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5516

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5517

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5518

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5519

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5520

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5521

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5522

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5523

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5524

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5525

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5526

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5527

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5528

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5529

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5530

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5531

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5532

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5533

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5534

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5535

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5536

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5537

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5538

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5539

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5540

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5541

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5542

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5543

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5544

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5545

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5546

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5547

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5548

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5549

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5550

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5551

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5552

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5553

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5554

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5555

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5556

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5557

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5558

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5559

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5560

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5561

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5562

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5563

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5564

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5565

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5566

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5567

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5568

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5569

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5570

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5571

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5572

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5573

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5574

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5575

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5576

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5577

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5578

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5579

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5580

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5581

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5582

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5583

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5584

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5585

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5586

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5587

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5588

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5589

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5590

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5591

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5592

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5593

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5594

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5595

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5596

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5597

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5598

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5599

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5600

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5601

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5602

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5603

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5604

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5605

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5606

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5607

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5608

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5609

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5610

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5611

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5612

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5613

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5614

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5615

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5616

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5617

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5618

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5619

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5620

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5621

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5622

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5623

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5624

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5625

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5626

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5627

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5628

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5629

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5630

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5631

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5632

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5633

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5634

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5635

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5636

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5637

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5638

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5639

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5640

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5641

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5642

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5643

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5644

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5645

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5646

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5647

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5648

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5649

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5650

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5651

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5652

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5653

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5654

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5655

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5656

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5657

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5658

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5659

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5660

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5661

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5662

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5663

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5664

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5665

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5666

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5667

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5668

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5669

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5670

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5671

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5672

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5673

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5674

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5675

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5676

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5677

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5678

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5679

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5680

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5681

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5682

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5683

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5684

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5685

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5686

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5687

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5688

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5689

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5690

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5691

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5692

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5693

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5694

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5695

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5696

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5697

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5698

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5699

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5700

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5701

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5702

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5703

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5704

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5705

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5706

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5707

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5708

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5709

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5710

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5711

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5712

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5713

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5714

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5715

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5716

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5717

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5718

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5719

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5720

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5721

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5722

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5723

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5724

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5725

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5726

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5727

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5728

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5729

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5730

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5731

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5732

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5733

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5734

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5735

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5736

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5737

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5738

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5739

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5740

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5741

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5742

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5743

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5744

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5745

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5746

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5747

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5748

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5749

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5750

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5751

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5752

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5753

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5754

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5755

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5756

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5757

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5758

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5759

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5760

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5761

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5762

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5763

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5764

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5765

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5766

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5767

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5768

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5769

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5770

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5771

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5772

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5773

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5774

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5775

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5776

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5777

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5778

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5779

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5780

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5781

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5782

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5783

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5784

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5785

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5786

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5787

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5788

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5789

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5790

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5791

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5792

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5793

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5794

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5795

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5796

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5797

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5798

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5799

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5800

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5801

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5802

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5803

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5804

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5805

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5806

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5807

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5808

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5809

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5810

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5811

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5812

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5813

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5814

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5815

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5816

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5817

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5818

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5819

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5820

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5821

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5822

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5823

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5824

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5825

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5826

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5827

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5828

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5829

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5830

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5831

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5832

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5833

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5834

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5835

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5836

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5837

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5838

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5839

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5840

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5841

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5842

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5843

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5844

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5845

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5846

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5847

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5848

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5849

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5850

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5851

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5852

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5853

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5854

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5855

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5856

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5857

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5858

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5859

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5860

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5861

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5862

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5863

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5864

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5865

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5866

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5867

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5868

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5869

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5870

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5871

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5872

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5873

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5874

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5875

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5876

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5877

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5878

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5879

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5880

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5881

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5882

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5883

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5884

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5885

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5886

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5887

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5888

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5889

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5890

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5891

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5892

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5893

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5894

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5895

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5896

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5897

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5898

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5899

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5900

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5901

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5902

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5903

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5904

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5905

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5906

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5907

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5908

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5909

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5910

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5911

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5912

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5913

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5914

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5915

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5916

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5917

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5918

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5919

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5920

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5921

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5922

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5923

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5924

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5925

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5926

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5927

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5928

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5929

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5930

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5931

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5932

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5933

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5934

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5935

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5936

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5937

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5938

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5939

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5940

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5941

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5942

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5943

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5944

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5945

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5946

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5947

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5948

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5949

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5950

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5951

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5952

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5953

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5954

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5955

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5956

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5957

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5958

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5959

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5960

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5961

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5962

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5963

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5964

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5965

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5966

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5967

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5968

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5969

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5970

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5971

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5972

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5973

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5974

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5975

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5976

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5977

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5978

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5979

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5980

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5981

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5982

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5983

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5984

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5985

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5986

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5987

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5988

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5989

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5990

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5991

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5992

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5993

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5994

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5995

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5996

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5997

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5998

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 5999

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6000

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6001

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6002

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6003

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6004

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6005

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6006

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6007

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6008

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6009

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6010

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6011

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6012

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6013

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6014

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6015

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6016

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6017

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6018

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6019

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6020

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6021

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6022

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6023

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6024

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6025

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6026

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6027

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6028

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6029

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6030

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6031

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6032

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6033

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6034

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6035

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6036

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6037

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6038

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6039

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6040

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6041

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6042

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6043

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6044

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6045

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6046

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6047

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6048

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6049

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6050

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6051

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6052

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6053

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6054

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6055

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6056

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6057

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6058

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6059

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6060

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6061

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6062

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6063

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6064

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6065

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6066

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6067

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6068

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6069

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6070

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6071

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6072

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6073

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6074

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6075

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6076

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6077

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6078

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6079

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6080

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6081

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6082

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6083

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6084

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6085

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6086

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6087

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6088

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6089

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6090

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6091

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6092

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6093

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6094

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6095

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6096

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6097

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6098

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6099

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6100

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6101

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6102

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6103

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6104

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6105

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6106

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6107

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6108

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6109

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6110

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6111

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6112

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6113

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6114

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6115

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6116

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6117

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6118

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6119

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6120

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6121

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6122

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6123

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6124

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6125

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6126

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6127

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6128

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6129

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6130

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6131

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6132

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6133

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6134

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6135

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6136

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6137

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6138

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6139

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6140

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6141

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6142

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6143

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6144

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6145

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6146

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6147

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6148

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6149

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6150

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6151

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6152

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6153

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6154

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6155

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6156

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6157

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6158

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6159

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6160

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6161

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6162

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6163

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6164

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6165

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6166

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6167

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6168

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6169

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6170

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6171

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6172

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6173

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6174

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6175

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6176

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6177

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6178

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6179

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6180

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6181

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6182

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6183

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6184

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6185

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6186

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6187

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6188

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6189

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6190

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6191

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6192

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6193

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6194

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6195

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6196

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6197

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6198

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6199

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6200

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6201

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6202

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6203

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6204

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6205

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6206

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6207

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6208

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6209

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6210

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6211

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6212

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6213

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6214

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6215

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6216

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6217

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6218

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6219

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6220

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6221

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6222

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6223

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6224

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6225

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6226

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6227

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6228

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6229

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6230

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6231

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6232

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6233

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6234

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6235

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6236

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6237

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6238

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6239

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6240

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6241

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6242

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6243

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6244

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6245

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6246

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6247

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6248

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6249

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6250

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6251

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6252

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6253

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6254

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6255

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6256

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6257

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6258

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6259

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6260

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6261

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6262

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6263

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6264

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6265

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6266

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6267

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6268

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6269

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6270

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6271

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6272

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6273

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6274

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6275

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6276

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6277

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6278

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6279

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6280

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6281

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6282

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6283

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6284

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6285

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6286

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6287

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6288

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6289

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6290

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6291

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6292

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6293

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6294

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6295

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6296

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6297

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6298

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6299

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6300

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6301

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6302

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6303

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6304

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6305

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6306

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6307

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6308

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6309

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6310

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6311

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6312

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6313

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6314

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6315

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6316

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6317

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6318

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6319

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6320

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6321

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6322

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6323

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6324

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6325

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6326

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6327

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6328

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6329

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6330

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6331

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6332

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6333

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6334

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6335

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6336

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6337

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6338

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6339

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6340

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6341

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6342

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6343

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6344

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6345

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6346

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6347

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6348

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6349

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6350

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6351

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6352

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6353

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6354

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6355

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6356

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6357

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6358

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6359

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6360

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6361

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6362

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6363

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6364

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6365

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6366

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6367

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6368

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6369

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6370

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6371

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6372

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6373

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6374

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6375

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6376

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6377

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6378

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6379

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6380

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6381

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6382

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6383

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6384

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6385

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6386

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6387

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6388

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6389

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6390

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6391

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6392

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6393

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6394

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6395

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6396

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6397

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6398

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6399

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6400

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6401

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6402

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6403

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6404

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6405

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6406

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6407

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6408

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6409

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6410

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6411

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6412

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6413

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6414

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6415

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6416

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6417

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6418

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6419

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6420

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6421

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6422

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6423

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6424

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6425

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6426

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6427

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6428

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6429

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6430

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6431

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6432

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6433

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6434

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6435

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6436

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6437

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6438

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6439

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6440

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6441

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6442

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6443

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6444

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6445

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6446

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6447

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6448

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6449

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6450

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6451

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6452

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6453

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6454

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6455

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6456

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6457

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6458

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6459

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6460

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6461

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6462

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6463

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6464

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6465

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6466

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6467

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6468

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6469

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6470

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6471

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6472

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6473

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6474

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6475

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6476

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6477

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6478

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6479

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6480

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6481

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6482

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6483

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6484

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6485

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6486

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6487

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6488

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6489

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6490

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6491

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6492

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6493

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6494

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6495

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6496

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6497

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6498

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6499

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6500

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6501

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6502

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6503

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6504

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6505

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6506

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6507

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6508

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6509

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6510

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6511

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6512

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6513

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6514

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6515

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6516

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6517

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6518

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6519

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6520

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6521

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6522

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6523

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6524

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6525

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6526

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6527

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6528

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6529

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6530

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6531

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6532

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6533

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6534

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6535

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6536

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6537

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6538

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6539

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6540

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6541

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6542

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6543

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6544

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6545

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6546

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6547

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6548

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6549

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6550

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6551

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6552

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6553

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6554

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6555

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6556

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6557

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6558

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6559

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6560

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6561

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6562

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6563

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6564

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6565

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6566

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6567

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6568

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6569

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6570

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6571

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6572

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6573

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6574

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6575

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6576

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6577

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6578

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6579

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6580

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6581

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6582

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6583

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6584

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6585

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6586

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6587

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6588

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6589

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6590

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6591

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6592

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6593

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6594

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6595

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6596

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6597

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6598

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6599

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6600

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6601

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6602

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6603

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6604

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6605

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6606

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6607

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6608

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6609

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6610

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6611

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6612

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6613

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6614

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6615

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6616

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6617

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6618

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6619

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6620

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6621

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6622

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6623

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6624

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6625

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6626

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6627

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6628

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6629

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6630

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6631

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6632

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6633

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6634

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6635

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6636

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6637

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6638

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6639

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6640

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6641

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6642

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6643

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6644

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6645

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6646

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6647

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6648

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6649

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6650

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6651

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6652

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6653

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6654

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6655

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6656

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6657

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6658

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6659

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6660

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6661

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6662

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6663

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6664

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6665

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6666

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6667

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6668

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6669

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6670

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6671

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6672

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6673

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6674

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6675

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6676

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6677

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6678

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6679

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6680

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6681

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6682

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6683

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6684

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6685

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6686

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6687

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6688

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6689

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6690

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6691

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6692

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6693

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6694

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6695

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6696

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6697

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6698

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6699

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6700

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6701

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6702

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6703

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6704

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6705

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6706

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6707

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6708

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6709

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6710

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6711

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6712

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6713

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6714

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6715

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6716

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6717

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6718

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6719

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6720

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6721

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6722

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6723

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6724

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6725

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6726

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6727

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6728

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6729

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6730

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6731

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6732

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6733

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6734

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6735

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6736

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6737

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6738

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6739

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6740

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6741

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6742

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6743

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6744

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6745

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6746

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6747

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6748

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6749

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6750

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6751

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6752

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6753

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6754

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6755

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6756

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6757

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6758

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6759

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6760

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6761

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6762

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6763

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6764

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6765

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6766

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6767

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6768

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6769

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6770

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6771

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6772

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6773

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6774

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6775

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6776

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6777

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6778

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6779

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6780

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6781

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6782

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6783

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6784

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6785

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6786

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6787

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6788

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6789

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6790

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6791

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6792

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6793

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6794

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6795

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6796

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6797

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6798

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6799

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6800

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6801

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6802

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6803

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6804

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6805

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6806

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6807

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6808

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6809

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6810

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6811

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6812

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6813

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6814

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6815

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6816

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6817

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6818

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6819

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6820

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6821

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6822

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6823

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6824

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6825

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6826

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6827

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6828

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6829

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6830

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6831

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6832

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6833

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6834

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6835

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6836

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6837

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6838

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6839

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6840

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6841

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6842

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6843

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6844

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6845

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6846

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6847

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6848

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6849

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6850

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6851

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6852

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6853

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6854

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6855

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6856

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6857

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6858

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6859

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6860

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6861

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6862

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6863

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6864

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6865

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6866

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6867

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6868

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6869

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6870

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6871

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6872

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6873

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6874

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6875

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6876

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6877

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6878

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6879

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6880

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6881

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6882

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6883

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6884

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6885

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6886

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6887

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6888

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6889

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6890

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6891

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6892

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6893

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6894

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6895

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6896

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6897

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6898

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6899

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6900

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6901

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6902

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6903

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6904

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6905

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6906

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6907

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6908

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6909

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6910

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6911

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6912

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6913

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6914

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6915

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6916

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6917

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6918

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6919

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6920

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6921

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6922

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6923

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6924

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6925

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6926

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6927

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6928

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6929

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6930

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6931

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6932

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6933

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6934

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6935

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6936

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6937

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6938

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6939

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6940

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6941

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6942

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6943

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6944

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6945

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6946

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6947

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6948

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6949

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6950

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6951

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6952

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6953

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6954

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6955

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6956

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6957

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6958

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6959

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6960

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6961

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6962

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6963

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6964

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6965

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6966

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6967

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6968

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6969

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6970

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6971

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6972

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6973

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6974

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6975

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6976

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6977

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6978

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6979

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6980

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6981

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6982

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6983

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6984

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6985

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6986

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6987

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6988

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6989

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6990

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6991

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6992

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6993

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6994

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6995

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6996

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6997

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6998

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 6999

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7000

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7001

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EAGRSANHEP LGLVAT 16

Número de secuencia (ID): 7002

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASGRSTNAGP SGLAGP 16

Número de secuencia (ID): 7003

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASGRSTNAGP QGLAGQ 16

Número de secuencia (ID): 7004

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASGRSTNAGP PGLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7005

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSRGTNAGP AGLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7006

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSRTTNTGP STLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7007

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

AAGRSDNGTP LELVAP 16

Número de secuencia (ID): 7008

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EAGRSANHEP LGLVAT 16

Número de secuencia (ID): 7009

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASGRGTNAGP AGLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7010

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LFGRNDNHEP LELGGG 16

Número de secuencia (ID): 7011

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TAGRSDNLEP LGLVFG 16

Número de secuencia (ID): 7012

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LDGRSDNFHP PELVAG 16

Número de secuencia (ID): 7013

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LEGRSDNEEP ENLVAG 16

Número de secuencia (ID): 7014

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LKGRSDNNAP LALVAG 16

Número de secuencia (ID): 7015

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VYSRGTNAGP HGLTGR 16

Número de secuencia (ID): 7016

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ANSRGTNKGF AGLIGP 16

Número de secuencia (ID): 7017

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSRLTNEAP AGLTIP 16

Número de secuencia (ID): 7018

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DQSRGTNAGP EGLTDP 16

Número de secuencia (ID): 7019

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ESSRGTNIGQ GGLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7020

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SSSRGTNQDP AGLTIP 16

Número de secuencia (ID): 7021

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSRGQNHSP MGLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7022

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

AYSRGPNAGP AGLEGR 16

Número de secuencia (ID): 7023

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASERGNNAGP ANLTGF 16

Número de secuencia (ID): 7024

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASHRGTNPKP AILTGP 16

Número de secuencia (ID): 7025

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

MSSRRTNANP AQLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7026

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GAGRTDNHEP LELGAA 16

Número de secuencia (ID): 7027

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LAGRSENTAP LELTAG 16

Número de secuencia (ID): 7028

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LEGRPDNHEP LALVAS 16

Número de secuencia (ID): 7029

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LSGRSDNEEP LALPAG 16

Número de secuencia (ID): 7030

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EAGRTDNHEP LELSAP 16

Número de secuencia (ID): 7031

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EGGRSDNHGP LELVSG 16

Número de secuencia (ID): 7032

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LSGRSDNEAP LELEAG 16

Número de secuencia (ID): 7033

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

LGGRADNHEP PELGAG 16

Número de secuencia (ID): 7034

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PPSRGTNAEP AGLTGE 16

Número de secuencia (ID): 7035

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASTRGENAGP AGLEAP 16

Número de secuencia (ID): 7036

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ESSRGTNGAP EGLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7037

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSRATNESP AGLTGE 16

Número de secuencia (ID): 7038

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSRGENPPP GGLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7039

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

AASRGTNTGP AELTGS 16

Número de secuencia (ID): 7040

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

AGSRTTNAGP GGLEGP 16

Número de secuencia (ID): 7041

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

APSRGENAGP ATLTGA 16

Número de secuencia (ID): 7042

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ESGRAANTGP PTLTAP 16

Número de secuencia (ID): 7043

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

NPGRAANEGP PGLPGS 16

Número de secuencia (ID): 7044

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ESSRAANLTP PELTGP 16

Número de secuencia (ID): 7045

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASGRAANETP PGLTGA 16

Número de secuencia (ID): 7046

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

NSGRGENLGA PGLTGT 16

Número de secuencia (ID): 7047

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAANLTP AGLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7048

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EAGRSANHTP AGLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7049

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ESGRAANTTP AGLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7050

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRATEAAN LTPAGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7051

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAEEAAN LTPAGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7052

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPAGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7053

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRATEAAN ATPAGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7054

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAEG ATSAGATGP 19

Número de secuencia (ID): 7055

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGEAGEAAN ATSAGATGP 19

Número de secuencia (ID): 7056

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGEAGEAAG LTPAGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7057

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGAAGEAAN ATPAGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7058

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAG LTPAGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7059

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN ATSAGATGP 19

Número de secuencia (ID): 7060

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGEAGEAAG ATSAGATGP 19

Número de secuencia (ID): 7061

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ESGRAANTEP PELGAG 16

Número de secuencia (ID): 7062

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ESGRAANTAP EGLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7063

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EPGRAANHEP SGLTEG 16

Número de secuencia (ID): 7064

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ESGRAANHTG APPGGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7065

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRTGEGAN ATPGGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7066

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RTGRSGEAAN ETPEGLEGP 19

Número de secuencia (ID): 7067

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RTGRTGESAN ETPAGLGGP 19

Número de secuencia (ID): 7068

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

STGRTGEPAN ETPAGLSGP 19

Número de secuencia (ID): 7069

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEPAN ATPTGLSGP 19

Número de secuencia (ID): 7070

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RTGRPGEGAN ATPTGLPGP 19

Número de secuencia (ID): 7071

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RTGRGGEAAN ATPSGLGGP 19

Número de secuencia (ID): 7072

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

STGRSGESAN ATPGGLGGP 19

Número de secuencia (ID): 7073

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RTGRTGEEAN ATPAGLPGP 19

Número de secuencia (ID): 7074

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATGRPGEPAN TTPEGLEGP 19

Número de secuencia (ID): 7075

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

STGRSGEPAN ATPGGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7076

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PTGRGGEGAN TTPTGLPGP 19

Número de secuencia (ID): 7077

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PTGRSGEGAN ATPSGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7078

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRASEGAN STPAPLTEP 19

Número de secuencia (ID): 7079

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TYGRAAEAAN TTPAGLTAP 19

Número de secuencia (ID): 7080

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRATEGAN ATPAELTEP 19

Número de secuencia (ID): 7081

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TVGRASEEAN TTPASLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7082

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAPEAAN ATPAPLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7083

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TWGRATEPAN ATPAPLTSP 19

Número de secuencia (ID): 7084

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TVGRASESAN ATPAELTSP 19

Número de secuencia (ID): 7085

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TVGRAPEGAN STPAGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7086

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TWGRATEAPN LEPATLTTP 19

Número de secuencia (ID): 7087

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRATEAPN LTPAPLTEP 19

Número de secuencia (ID): 7088

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TQGRATEAPN LSPAALTSP 19

Número de secuencia (ID): 7089

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TQGRAAEAPN LTPATLTAP 19

Número de secuencia (ID): 7090

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSGRAPEATN LAPAPLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7091

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TQGRAAEAAN LTPAGLTEP 19

Número de secuencia (ID): 7092

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGSAPN LPPTGLTTP 19

Número de secuencia (ID): 7093

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGGAEN LPPEGLTAP 19

Número de secuencia (ID): 7094

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTSRAGTATN LTPEGLTAP 19

Número de secuencia (ID): 7095

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGTATN LPPSGLTTP 19

Número de secuencia (ID): 7096

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTARAGEAEN LSPSGLTAP 19

Número de secuencia (ID): 7097

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGGAGN LAPGGLTEP 19

Número de secuencia (ID): 7098

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGTATN LPPEGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7099

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGGAAN LAPTGLTEP 19

Número de secuencia (ID): 7100

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGTAEN LAPSGLTTP 19

Número de secuencia (ID): 7101

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGSATN LGPGGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7102

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTARAGGAEN LTPAGLTEP 19

Número de secuencia (ID): 7103

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTARAGSAEN LSPSGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7104

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTARAGGAGN LAPEGLTTP 19

Número de secuencia (ID): 7105

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTSRAGAAEN LTPTGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7106

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TYGRTTTPGN EPPASLEAE 19

Número de secuencia (ID): 7107

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TYSRGESGPN EPPPGLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7108

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

AWGRTGASEN ETPAPLGGE 19

Número de secuencia (ID): 7109

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RWGRAETTPN TPPEGLETE 19

Número de secuencia (ID): 7110

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ESGRAANHTG AEPPELGAG 19

Número de secuencia (ID): 7111

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPAGLTES 19

Número de secuencia (ID): 7112

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPAALTES 19

Número de secuencia (ID): 7113

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPAPLTES 19

Número de secuencia (ID): 7114

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPEPLTES 19

Número de secuencia (ID): 7115

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPAGLTGA 19

Número de secuencia (ID): 7116

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPEGLTGA 19

Número de secuencia (ID): 7117

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPEPLTGA 19

Número de secuencia (ID): 7118

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPAGLTEA 19

Número de secuencia (ID): 7119

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPEGLTEA 19

Número de secuencia (ID): 7120

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPAPLTEA 19

Número de secuencia (ID): 7121

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPEPLTEA 19

Número de secuencia (ID): 7122

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPEPLTGP 19

Número de secuencia (ID): 7123

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPAGLTGG 19

Número de secuencia (ID): 7124

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPEGLTGG 19

Número de secuencia (ID): 7125

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPEALTGG 19

Número de secuencia (ID): 7126

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPEPLTGG 19

Número de secuencia (ID): 7127

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPAGLTEG 19

Número de secuencia (ID): 7128

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPEGLTEG 19

Número de secuencia (ID): 7129

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPAPLTEG 19

Número de secuencia (ID): 7130

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTGRAGEAAN LTPEPLTEG 19

Número de secuencia (ID): 7131

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSAGGY AELRMGGAIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7132

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTGGGY APLRMGGGAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7133

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGAEGGY AALRMGGEIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7134

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGPGGY ALLRMGGPAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7135

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAGGY AFLRMGGSIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7136

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPGGGY ASLRMGGTAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7137

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSEGGY ATLRMGGAIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7138

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTPGGY ANLRMGGGAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7139

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGGY AHLRMGGEIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7140

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGTGGY GELRMGGPAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7141

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAGGY PELRMGGSIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7142

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPGGGY VELRMGGTAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7143

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSEGGY LELRMGGAIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7144

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTPGGY SELRMGGGAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7145

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGGY TELRMGGEIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7146

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGTGGY QELRMGGPAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7147

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAGGY EELRMGGSIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7148

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPGIGP AELRMGGTAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7149

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSEIGA AELRMGGAIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7150

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTPIGS AELRMGGGAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7151

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASIGT AELRMGGEIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7152

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGTIGN AELRMGGPAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7153

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAIGQ AELRMGGSIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7154

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPGGPY AELRMGGTAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7155

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSEGAY AELRMGGAIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7156

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTPGVY AELRMGGGAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7157

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGLY AELRMGGEIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7158

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGTGIY AELRMGGPAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7159

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAGFY AELRMGGSIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7160

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPGGYY AELRMGGTAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7161

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSEGSY AELRMGGAIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7162

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTPGNY AELRMGGGAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7163

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGEY AELRMGGEIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7164

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGTGHY AELRMGGPAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7165

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAGGY AEARMGGSIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7166

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPGGGY AEVRMGGTAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7167

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSEGGY AEIRMGGAIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7168

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTPGGY AEFRMGGGAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7169

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGGY AEYRMGGEIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7170

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGTGGY AESRMGGPAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7171

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAGGY AETRMGGSIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7172

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPGGGY AELAMGGTRA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7173

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSEGGY AELVMGGARA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7174

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTPGGY AELLMGGGRA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7175

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGGY AELIMGGERA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7176

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGTGGY AELWMGGPRA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7177

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAGGY AELSMGGSRA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7178

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPGGGY AELTMGGTRA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7179

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSEGGY AELQMGGARA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7180

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTPGGY AELNMGGGRA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7181

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGGY AELEMGGERA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7182

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGTGGY AELRPGGPIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7183

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAGGY AELRAGGSAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7184

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPGGGY AELRLGGTIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7185

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSEGGY AELRIGGAAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7186

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTPGGY AELRSGGGIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7187

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGGY AELRNGGEAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7188

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGTGGY AELRQGGPIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7189

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAGGY AELRDGGSAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7190

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPGGGY AELREGGTIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7191

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSEGGY AELRHGGAAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7192

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTPGGY AELRMPGGIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7193

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGGY AELRMAGEAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7194

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGTGGY AELRMVGPIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7195

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAGGY AELRMLGSAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7196

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPGGGY AELRMIGTIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7197

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSEGGY AELRMYGAIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7198

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTPGGY AELRMSGGAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7199

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGGY AELRMNGEIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7200

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGTGGY AELRMQGPAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7201

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGANHTP AGLTGPGARA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7202

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGANTAP EGLTGPSTRA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7203

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTGAPP GGLTGPGTRA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7204

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGANHEP SGLTEGSPRA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7205

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGANTEP PELGAGTERA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7206

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGPP PGLTGPPGRA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7207

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGTP APLGGEPGRA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7208

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPAGPP EGLETEAGRA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7209

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPTSGQ GGLTGPESRA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7210

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSAGGA ANLVRGGAIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7211

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTGGGA APLVRGGGAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7212

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGAEGGA AALVRGGEIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7213

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGPGGA ALLVRGGPAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7214

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAGGA AFLVRGGSIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7215

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPGGGA ASLVRGGTAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7216

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSEGGA ATLVRGGAIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7217

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTPGGA AGLVRGGGAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7218

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGGA ADLVRGGEIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7219

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGTGGA GNLVRGGPAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7220

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAGGA PNLVRGGSIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7221

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGPGGGA VNLVRGGTAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7222

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGSEGGA LNLVRGGAIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7223

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGTPGGA SNLVRGGGAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7224

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGASGGA TNLVRGGEIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7225

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGGTGGA QNLVRGGPAA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7226

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGEAGGA ENLVRGGSIA TSGSETPGT 29

Número de secuencia (ID): 7227

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPEAGRSA NHEPLGLVAT ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7228

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASGRST NAGPSGLAGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7229

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASGRST NAGPQGLAGQ ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7230

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASGRST NAGPPGLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7231

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASSRGT NAGPAGLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7232

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASSRTT NTGPSTLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7233

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPAAGRSD NGTPLELVAP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7234

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPEAGRSA NHEPLGLVAT ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7235

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASGRGT NAGPAGLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7236

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPLFGRND NHEPLELGGG ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7237

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTAGRSD NLEPLGLVFG ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7238

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPLDGRSD NFHPPELVAG ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7239

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPLEGRSD NEEPENLVAG ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7240

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPLKGRSD NNAPLALVAG ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7241

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPVYSRGT NAGPHGLTGR ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7242

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPANSRGT NKGFAGLIGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7243

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASSRLT NEAPAGLTIP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7244

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPDQSRGT NAGPEGLTDP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7245

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPESSRGT NIGQGGLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7246

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSSSRGT NQDPAGLTIP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7247

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASSRGQ NHSPMGLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7248

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPAYSRGP NAGPAGLEGR ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7249

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASERGN NAGPANLTGF ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7250

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASHRGT NPKPAILTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7251

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPMSSRRT NANPAQLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7252

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPGAGRTD NHEPLELGAA ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7253

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPLAGRSE NTAPLELTAG ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7254

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPLEGRPD NHEPLALVAS ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7255

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPLSGRSD NEEPLALPAG ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7256

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPEAGRTD NHEPLELSAP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7257

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPEGGRSD NHGPLELVSG ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7258

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPLSGRSD NEAPLELEAG ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7259

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPLGGRAD NHEPPELGAG ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7260

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPPPSRGT NAEPAGLTGE ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7261

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASTRGE NAGPAGLEAP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7262

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPESSRGT NGAPEGLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7263

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASSRAT NESPAGLTGE ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7264

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASSRGE NPPPGGLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7265

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPAASRGT NTGPAELTGS ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7266

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPAGSRTT NAGPGGLEGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7267

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPAPSRGE NAGPATLTGA ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7268

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPESGRAA NTGPPTLTAP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7269

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPNPGRAA NEGPPGLPGS ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7270

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPESSRAA NLTPPELTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7271

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPASGRAA NETPPGLTGA ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7272

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPNSGRGE NLGAPGLTGT ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7273

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAA NLTPAGLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7274

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPEAGRSA NHTPAGLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7275

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPESGRAA NTTPAGLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7276

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAT EAANLTPAGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7277

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAE EAANLTPAGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7278

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPAGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7279

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAT EAANATPAGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7280

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAEGATSAGA TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7281

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGEAG EAANATSAGA TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7282

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGEAG EAAGLTPAGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7283

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGAAG EAANATPAGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7284

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAAGLTPAGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7285

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANATSAGA TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7286

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGEAG EAAGATSAGA TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7287

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPESGRAA NTEPPELGAG ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7288

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPESGRAA NTAPEGLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7289

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPEPGRAA NHEPSGLTEG ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7290

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPESGRAA NHTGAPPGGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7291

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRTG EGANATPGGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7292

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPRTGRSG EAANETPEGL EGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7293

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPRTGRTG ESANETPAGL GGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7294

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSTGRTG EPANETPAGL SGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7295

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EPANATPTGL SGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7296

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPRTGRPG EGANATPTGL PGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7297

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPRTGRGG EAANATPSGL GGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7298

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSTGRSG ESANATPGGL GGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7299

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPRTGRTG EEANATPAGL PGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7300

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPATGRPG EPANTTPEGL EGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7301

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSTGRSG EPANATPGGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7302

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPPTGRGG EGANTTPTGL PGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7303

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPPTGRSG EGANATPSGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7304

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAS EGANSTPAPL TEPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7305

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTYGRAA EAANTTPAGL TAPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7306

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAT EGANATPAEL TEPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7307

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTVGRAS EEANTTPASL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7308

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAP EAANATPAPL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7309

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTWGRAT EPANATPAPL TSPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7310

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTVGRAS ESANATPAEL TSPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7311

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTVGRAP EGANSTPAGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7312

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTWGRAT EAPNLEPATL TTPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7313

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAT EAPNLTPAPL TEPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7314

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTQGRAT EAPNLSPAAL TSPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7315

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTQGRAA EAPNLTPATL TAPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7316

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTSGRAP EATNLAPAPL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7317

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTQGRAA EAANLTPAGL TEPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7318

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG SAPNLPPTGL TTPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7319

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG GAENLPPEGL TAPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7320

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTSRAG TATNLTPEGL TAPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7321

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG TATNLPPSGL TTPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7322

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTARAG EAENLSPSGL TAPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7323

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG GAGNLAPGGL TEPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7324

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG TATNLPPEGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7325

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG GAANLAPTGL TEPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7326

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG TAENLAPSGL TTPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7327

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG SATNLGPGGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7328

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTARAG GAENLTPAGL TEPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7329

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTARAG SAENLSPSGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7330

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTARAG GAGNLAPEGL TTPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7331

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTSRAG AAENLTPTGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7332

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTYGRTT TPGNEPPASL EAEATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7333

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTYSRGE SGPNEPPPGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7334

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPAWGRTG ASENETPAPL GGEATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7335

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPRWGRAE TTPNTPPEGL ETEATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7336

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPESGRAA NHTGAEPPEL GAGATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7337

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPAGL TESATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7338

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPAAL TESATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7339

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPAPL TESATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7340

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPEPL TESATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7341

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPAGL TGAATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7342

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPEGL TGAATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7343

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPEPL TGAATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7344

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPAGL TEAATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7345

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPEGL TEAATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7346

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPAPL TEAATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7347

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPEPL TEAATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7348

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPEPL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7349

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPAGL TGGATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7350

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPEGL TGGATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7351

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPEAL TGGATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7352

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPEPL TGGATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7353

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPAGL TEGATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7354

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPEGL TEGATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7355

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPAPL TEGATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7356

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAANLTPEPL TEGATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7357

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGRAG EAEGATSAGA TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7358

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPEAGRSA EATSAGATGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7359

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSASGTY SRGESGPGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7360

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSASGEA GRTDTHPGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7361

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSASGEP GRAAEHPGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7362

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSPAGES SRGTTIAGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7363

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPTTGEAG EAAGLTPAGL TGPATSGSET PGT 33

Número de secuencia (ID): 7364

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPEAGESA GATPAGLTGP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7365

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSASGAP LELEAGPGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7366

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSASGEP PELGAGPGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7367

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSASGEP SGLTEGPGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7368

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSASGTP APLTEPPGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7369

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSASGTP AELTEPPGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7370

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSASGPP PGLTGPPGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7371

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSASGTP APLGGEPGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7372

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSPAGAP EGLTGPAGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7373

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSPAGPP EGLETEAGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7374

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSPTSGQ GGLTGPGSEP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7375

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSESAPP EGLETESTEP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7376

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSEGSEP LELGAASETP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7377

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSEGSGP AGLEAPSETP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7378

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSAPSEPTPP ASLEAEPGSP ATSGSETPGT 30

Número de secuencia (ID): 7379

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSAGGYAELR MGGAIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7380

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTGGGYAPLR MGGGAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7381

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GAEGGYAALR MGGEIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7382

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGPGGYALLR MGGPAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7383

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAGGYAFLR MGGSIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7384

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPGGGYASLR MGGTAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7385

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSEGGYATLR MGGAIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7386

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTPGGYANLR MGGGAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7387

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGGYAHLR MGGEIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7388

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGTGGYGELR MGGPAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7389

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAGGYPELR MGGSIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7390

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPGGGYVELR MGGTAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7391

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSEGGYLELR MGGAIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7392

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTPGGYSELR MGGGAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7393

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGGYTELR MGGEIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7394

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGTGGYQELR MGGPAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7395

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAGGYEELR MGGSIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7396

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPGIGPAELR MGGTAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7397

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSEIGAAELR MGGAIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7398

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTPIGSAELR MGGGAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7399

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASIGTAELR MGGEIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7400

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGTIGNAELR MGGPAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7401

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAIGQAELR MGGSIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7402

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPGGPYAELR MGGTAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7403

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSEGAYAELR MGGAIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7404

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTPGVYAELR MGGGAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7405

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGLYAELR MGGEIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7406

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGTGIYAELR MGGPAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7407

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAGFYAELR MGGSIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7408

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPGGYYAELR MGGTAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7409

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSEGSYAELR MGGAIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7410

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTPGNYAELR MGGGAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7411

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGEYAELR MGGEIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7412

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGTGHYAELR MGGPAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7413

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAGGYAEAR MGGSIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7414

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPGGGYAEVR MGGTAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7415

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSEGGYAEIR MGGAIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7416

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTPGGYAEFR MGGGAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7417

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGGYAEYR MGGEIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7418

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGTGGYAESR MGGPAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7419

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAGGYAETR MGGSIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7420

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPGGGYAELA MGGTRPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7421

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSEGGYAELV MGGARPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7422

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTPGGYAELL MGGGRPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7423

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGGYAELI MGGERPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7424

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGTGGYAELW MGGPRPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7425

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAGGYAELS MGGSRPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7426

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPGGGYAELT MGGTRPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7427

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSEGGYAELQ MGGARPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7428

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTPGGYAELN MGGGRPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7429

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGGYAELE MGGERPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7430

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGTGGYAELR PGGPIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7431

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAGGYAELR AGGSAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7432

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPGGGYAELR LGGTIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7433

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSEGGYAELR IGGAAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7434

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTPGGYAELR SGGGIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7435

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGGYAELR NGGEAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7436

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGTGGYAELR QGGPIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7437

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAGGYAELR DGGSAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7438

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPGGGYAELR EGGTIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7439

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSEGGYAELR HGGAAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7440

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTPGGYAELR MPGGIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7441

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGGYAELR MAGEAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7442

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGTGGYAELR MVGPIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7443

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAGGYAELR MLGSAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7444

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPGGGYAELR MIGTIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7445

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSEGGYAELR MYGAIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7446

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTPGGYAELR MSGGAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7447

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGGYAELR MNGEIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7448

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGTGGYAELR MQGPAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7449

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GANHTPAGLT GPGARPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7450

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GANTAPEGLT GPSTRPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7451

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTGAPPGGLT GPGTRPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7452

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GANHEPSGLT EGSPRPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7453

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GANTEPPELG AGTERPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7454

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGPPPGLT GPPGRPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7455

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGTPAPLG GEPGRPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7456

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPAGPPEGLE TEAGRPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7457

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPTSGQGGLT GPESRPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7458

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSAGGAANLV RGGAIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7459

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTGGGAAPLV RGGGAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7460

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GAEGGAAALV RGGEIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7461

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGPGGAALLV RGGPAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7462

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAGGAAFLV RGGSIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7463

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPGGGAASLV RGGTAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7464

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSEGGAATLV RGGAIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7465

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTPGGAAGLV RGGGAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7466

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGGAADLV RGGEIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7467

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGTGGAGNLV RGGPAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7468

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAGGAPNLV RGGSIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7469

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GPGGGAVNLV RGGTAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7470

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GSEGGALNLV RGGAIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7471

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GTPGGASNLV RGGGAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7472

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GASGGATNLV RGGEIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7473

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GGTGGAQNLV RGGPAPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7474

Longitud: 29

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..29

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GEAGGAENLV RGGSIPGSP 29

Número de secuencia (ID): 7475

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG EAGRSANHEP LGLVATPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7476

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASGRSTNAGP SGLAGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7477

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASGRSTNAGP QGLAGQPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7478

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASGRSTNAGP PGLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7479

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASSRGTNAGP AGLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7480

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASSRTTNTGP STLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7481

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG AAGRSDNGTP LELVAPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7482

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG EAGRSANHEP LGLVATPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7483

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASGRGTNAGP AGLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7484

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG LFGRNDNHEP LELGGGPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7485

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TAGRSDNLEP LGLVFGPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7486

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG LDGRSDNFHP PELVAGPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7487

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG LEGRSDNEEP ENLVAGPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7488

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG LKGRSDNNAP LALVAGPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7489

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG VYSRGTNAGP HGLTGRPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7490

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ANSRGTNKGF AGLIGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7491

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASSRLTNEAP AGLTIPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7492

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG DQSRGTNAGP EGLTDPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7493

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ESSRGTNIGQ GGLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7494

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SSSRGTNQDP AGLTIPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7495

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASSRGQNHSP MGLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7496

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG AYSRGPNAGP AGLEGRPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7497

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASERGNNAGP ANLTGFPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7498

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASHRGTNPKP AILTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7499

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG MSSRRTNANP AQLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7500

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG GAGRTDNHEP LELGAAPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7501

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG LAGRSENTAP LELTAGPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7502

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG LEGRPDNHEP LALVASPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7503

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG LSGRSDNEEP LALPAGPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7504

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG EAGRTDNHEP LELSAPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7505

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG EGGRSDNHGP LELVSGPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7506

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG LSGRSDNEAP LELEAGPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7507

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG LGGRADNHEP PELGAGPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7508

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG PPSRGTNAEP AGLTGEPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7509

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASTRGENAGP AGLEAPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7510

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ESSRGTNGAP EGLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7511

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASSRATNESP AGLTGEPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7512

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASSRGENPPP GGLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7513

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG AASRGTNTGP AELTGSPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7514

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG AGSRTTNAGP GGLEGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7515

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG APSRGENAGP ATLTGAPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7516

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ESGRAANTGP PTLTAPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7517

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG NPGRAANEGP PGLPGSPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7518

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ESSRAANLTP PELTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7519

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ASGRAANETP PGLTGAPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7520

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG NSGRGENLGA PGLTGTPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7521

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAANLTP AGLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7522

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG EAGRSANHTP AGLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7523

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ESGRAANTTP AGLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7524

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRATEAAN LTPAGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7525

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAEEAAN LTPAGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7526

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPAGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7527

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRATEAAN ATPAGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7528

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAEG ATSAGATGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7529

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGEAGEAAN ATSAGATGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7530

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGEAGEAAG LTPAGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7531

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGAAGEAAN ATPAGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7532

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAG LTPAGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7533

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN ATSAGATGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7534

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGEAGEAAG ATSAGATGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7535

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ESGRAANTEP PELGAGPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7536

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ESGRAANTAP EGLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7537

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG EPGRAANHEP SGLTEGPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7538

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ESGRAANHTG APPGGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7539

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRTGEGAN ATPGGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7540

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG RTGRSGEAAN ETPEGLEGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7541

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG RTGRTGESAN ETPAGLGGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7542

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG STGRTGEPAN ETPAGLSGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7543

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEPAN ATPTGLSGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7544

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG RTGRPGEGAN ATPTGLPGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7545

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG RTGRGGEAAN ATPSGLGGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7546

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG STGRSGESAN ATPGGLGGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7547

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG RTGRTGEEAN ATPAGLPGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7548

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ATGRPGEPAN TTPEGLEGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7549

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG STGRSGEPAN ATPGGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7550

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG PTGRGGEGAN TTPTGLPGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7551

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG PTGRSGEGAN ATPSGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7552

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRASEGAN STPAPLTEPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7553

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TYGRAAEAAN TTPAGLTAPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7554

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRATEGAN ATPAELTEPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7555

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TVGRASEEAN TTPASLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7556

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAPEAAN ATPAPLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7557

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TWGRATEPAN ATPAPLTSPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7558

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TVGRASESAN ATPAELTSPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7559

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TVGRAPEGAN STPAGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7560

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TWGRATEAPN LEPATLTTPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7561

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRATEAPN LTPAPLTEPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7562

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TQGRATEAPN LSPAALTSPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7563

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TQGRAAEAPN LTPATLTAPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7564

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TSGRAPEATN LAPAPLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7565

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TQGRAAEAAN LTPAGLTEPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7566

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGSAPN LPPTGLTTPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7567

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGGAEN LPPEGLTAPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7568

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTSRAGTATN LTPEGLTAPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7569

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGTATN LPPSGLTTPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7570

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTARAGEAEN LSPSGLTAPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7571

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGGAGN LAPGGLTEPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7572

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGTATN LPPEGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7573

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGGAAN LAPTGLTEPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7574

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGTAEN LAPSGLTTPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7575

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGSATN LGPGGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7576

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTARAGGAEN LTPAGLTEPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7577

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTARAGSAEN LSPSGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7578

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTARAGGAGN LAPEGLTTPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7579

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTSRAGAAEN LTPTGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7580

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TYGRTTTPGN EPPASLEAEP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7581

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TYSRGESGPN EPPPGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7582

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG AWGRTGASEN ETPAPLGGEP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7583

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG RWGRAETTPN TPPEGLETEP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7584

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG ESGRAANHTG AEPPELGAGP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7585

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPAGLTESP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7586

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPAALTESP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7587

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPAPLTESP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7588

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPEPLTESP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7589

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPAGLTGAP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7590

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPEGLTGAP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7591

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPEPLTGAP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7592

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPAGLTEAP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7593

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPEGLTEAP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7594

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPAPLTEAP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7595

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPEPLTEAP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7596

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPEPLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7597

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPAGLTGGP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7598

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPEGLTGGP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7599

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPEALTGGP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7600

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPEPLTGGP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7601

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPAGLTEGP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7602

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPEGLTEGP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7603

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPAPLTEGP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7604

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAAN LTPEPLTEGP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7605

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGRAGEAEG ATSAGATGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7606

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG EAGRSAEATS AGATGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7607

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SASGTYSRGE SGPGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7608

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SASGEAGRTD THPGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7609

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SASGEPGRAA EHPGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7610

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SPAGESSRGT TIAGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7611

Longitud: 33

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..33

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG TTGEAGEAAG LTPAGLTGPP GSP 33

Número de secuencia (ID): 7612

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG EAGESAGATP AGLTGPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7613

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SASGAPLELE AGPGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7614

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SASGEPPELG AGPGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7615

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SASGEPSGLT EGPGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7616

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SASGTPAPLT EPPGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7617

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SASGTPAELT EPPGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7618

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SASGPPPGLT GPPGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7619

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SASGTPAPLG GEPGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7620

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SPAGAPEGLT GPAGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7621

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SPAGPPEGLE TEAGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7622

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SPTSGQGGLT GPGSEPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7623

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SESAPPEGLE TESTEPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7624

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SEGSEPLELG AASETPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7625

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SEGSGPAGLE APSETPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7626

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTAEAASASG SEPTPPASLE AEPGSPPGSP 30

Número de secuencia (ID): 7627

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 7

> note, X is any amino acid other than N

Residuos:

EAGRSAXHTP AGLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7628

Longitud: 16

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..16

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EAGRSASHTP AGLTGP 16

Número de secuencia (ID): 7629

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7630

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7631

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7632

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7633

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7634

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7635

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7636

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7637

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7638

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7639

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7640

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7641

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7642

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7643

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7644

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7645

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7646

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7647

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7648

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7649

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7650

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7651

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7652

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7653

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7654

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7655

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7656

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7657

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7658

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7659

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7660

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7661

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7662

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7663

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7664

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7665

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7666

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7667

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7668

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7669

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7670

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7671

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7672

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7673

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7674

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7675

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7676

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7677

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7678

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7679

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7680

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7681

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7682

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7683

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7684

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7685

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7686

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7687

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7688

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7689

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7690

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7691

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7692

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7693

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7694

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7695

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7696

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7697

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7698

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7699

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7700

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7701

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7702

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7703

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7704

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7705

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7706

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7707

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7708

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7709

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7710

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7711

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7712

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7713

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7714

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7715

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7716

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7717

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7718

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7719

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7720

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7721

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7722

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7723

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7724

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7725

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7726

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7727

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7728

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7729

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7730

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7731

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7732

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7733

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7734

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7735

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7736

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7737

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7738

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7739

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7740

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7741

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7742

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7743

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7744

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7745

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7746

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7747

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7748

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7749

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7750

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7751

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7752

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7753

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7754

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7755

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7756

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7757

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7758

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7759

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7760

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7761

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7762

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7763

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7764

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7765

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7766

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7767

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7768

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7769

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7770

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7771

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7772

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7773

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7774

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7775

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7776

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7777

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7778

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7779

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7780

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7781

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7782

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7783

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7784

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7785

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7786

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7787

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7788

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7789

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7790

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7791

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7792

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7793

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7794

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7795

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7796

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7797

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7798

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7799

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7800

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7801

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7802

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7803

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7804

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7805

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7806

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7807

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7808

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7809

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7810

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7811

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7812

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7813

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7814

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7815

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7816

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7817

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7818

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7819

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7820

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7821

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7822

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7823

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7824

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7825

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7826

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7827

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7828

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7829

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7830

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7831

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7832

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7833

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7834

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7835

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7836

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7837

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7838

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7839

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7840

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7841

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7842

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7843

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7844

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7845

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7846

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7847

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7848

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7849

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7850

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7851

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7852

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7853

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7854

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7855

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7856

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7857

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7858

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7859

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7860

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7861

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7862

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7863

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7864

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7865

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7866

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7867

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7868

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7869

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7870

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7871

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7872

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7873

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7874

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7875

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7876

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7877

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7878

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7879

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7880

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7881

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7882

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7883

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7884

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7885

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7886

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7887

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7888

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7889

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7890

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7891

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7892

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7893

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7894

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7895

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7896

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7897

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7898

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7899

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7900

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7901

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7902

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7903

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7904

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7905

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7906

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7907

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7908

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7909

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7910

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7911

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7912

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7913

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7914

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7915

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7916

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7917

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7918

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7919

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7920

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7921

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7922

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7923

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7924

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7925

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7926

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7927

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7928

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7929

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7930

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7931

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7932

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7933

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7934

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7935

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7936

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7937

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7938

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7939

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7940

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7941

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7942

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7943

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7944

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7945

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7946

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7947

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7948

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7949

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7950

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7951

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7952

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7953

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7954

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7955

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7956

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7957

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7958

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7959

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7960

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7961

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7962

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7963

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7964

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7965

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7966

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7967

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7968

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7969

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7970

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7971

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7972

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7973

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7974

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7975

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7976

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7977

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7978

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7979

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7980

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7981

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7982

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7983

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7984

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7985

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7986

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7987

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7988

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7989

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7990

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7991

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7992

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7993

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7994

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7995

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7996

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7997

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7998

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 7999

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8000

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8001

Longitud: 874

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..874
  - > mol_type, proteína
  - > organismo, constructo sintético

Residuos:

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 60

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 180

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE 300

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 360

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 420

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 480

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 540

EGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 600

PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 660

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 720

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGFT ABTSESATPE SGPGSEPATS 780

GPTESGSEPA TSGSETPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTESTPSEG SAPGSEPATS 840

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG EPEA 874

Número de secuencia (ID): 8002

Longitud: 870

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..870

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 60

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 180

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE 300

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 360

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 420

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 480

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 540

EGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 600

PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 660

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 720

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGPTE 780

SGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SEPATSGSET 840

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGEPEA 870

Número de secuencia (ID): 8003

Longitud: 870

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..870

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 60

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 180

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE 300

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 360

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 420

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 480

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 540

EGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 600

PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 660

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 720

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 780

PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTE STPSEGSAPG SEPATSGSET 840

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGEPEA 870

Número de secuencia (ID): 8004

Longitud: 294

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..294

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSPAGSPTS TESGTSESAT PESGPGTETE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 60

PGTSESATPE SGPGSTPAES GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGESPATS GSTPEGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 180

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG GSAP 294

Número de secuencia (ID): 8005

Longitud: 294

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..294

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSPAGSPTS TESGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 60

PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGESPATS GSTPEGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 180

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG GSAP 294

Número de secuencia (ID): 8006

Longitud: 294

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..294

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSPAGSPTS TESGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 60

PGTSESATPE SGPGSTPAES GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGEEPATS GSTPEGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 180

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG GSAP 294

Número de secuencia (ID): 8007

Longitud: 294

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..294

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSPAGSPTS TESGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 60

PGTSESATPE SGPGSTPAES GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 180

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG GSAP 294

Número de secuencia (ID): 8008

Longitud: 866

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..866

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 60

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGSE PATSGSETPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA 180

PGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE 300

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 360

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 420

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 480

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 540

EGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 600

PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 660

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 720

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 780

PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTE STPSEGSAPG SEPATSGSET 840

PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPG 866

Número de secuencia (ID): 8009

Longitud: 578

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..578

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA 60

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 120

PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG 180

PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE 240

EGSPAGSPTS TEEGSPAGSP TSTEEGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG 300

PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA 360

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE 420

EGSPAGSPTS TEEGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG TSESATPESG 480

PGSEPATSGS ETPGSEPATS GSETPGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TESTPSEGSA 540

PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPG 578

Número de secuencia (ID): 8010

Longitud: 1152

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..1152

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SAGSPGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 60

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG STPAESGSET PGSEPATSGS ETPGSPAGSP 120

TSTEEGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 180

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 240

GSTETPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GTSESATPES GPGTSESATP ESGPGSPAGS 300

PTSTEEGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSTEP 360

SEGSAPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGSPAGS 420

PTSTEEGTST EPSEGSAPGT SESATPESGP GSEPATSGSE TPGTSESATP ESGPGSEPAT 480

SGSETPGTSE SATPESGPGT STEPSEGSAP GTSESATPES GPGSPAGSPT STEEGSPAGS 540

PTSTEEGSPA GSPTSTEEGT SESATPESGP GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT 600

SGSETPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGSPAGS 660

PTSTEEGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGSPAGSPT STEEGSPAGS 720

PTSTEEGTST EPSEGSAPGT SESATPESGP GTSESATPES GPGTSESATP ESGPGSEPAT 780

SGSETPGSEP ATSGSETPGS PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGSEPAT 840

SGSETPGTSE SATPESGPGT STEPSEGSAP GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP 900

SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT 960

SGSETPGSEP ATSGSETPGS PAGSPTSTEE GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSTEP 1020

SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSTEP 1080

SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSESA 1140

TPESGPGTES AS 1152

Número de secuencia (ID): 8011

Longitud: 1153

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..1153

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SAGSPGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 60

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGSEPATSGS ETPGSPAGSP 120

TSTEEGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS 180

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 240

GSETPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGSPAGSP 300

TSTEEGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 360

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 420

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATS 480

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 540

TSTEEGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 600

GSETPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 660

TSTEEGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 720

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGSEPATS 780

GSETPGSEPA TSGSETPGSP AGSPTSTEEG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSEPATS 840

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGTSTEPS 900

EGSAPGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 960

GSETPGSEPA TSGSTETPGS PAGSPTSTEE GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSTEP 1020

SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP GTATESPEGS APGTSESATP ESGPGTSTEP 1080

SEGSAPGTSA ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSES 1140

ATPESGPGTE SAS 1153

Número de secuencia (ID): 8012

Longitud: 864

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..864

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 60

GTSTEPSEGS APATSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP ATSGSETPGS PAGSPTSTEE 120

GTSESASPES GPGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 180

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 240

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE 300

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP 360

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE 420

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 480

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE 540

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 600

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE 660

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE 720

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 780

GSEPATSGSE TPGSPAGSPT STEEGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGS EPATSGSETP 840

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAP 864

Número de secuencia (ID): 8013

Longitud: 864

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..864

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 60

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSESAT SGSETPGSEP ATSGSETPGS PAGSPTSTEE 120

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 180

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 240

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE 300

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP 360

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE 420

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 480

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE 540

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 600

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE 660

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE 720

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 780

GSEPATSGSE TPGSPAGSPT STEEGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGS EPATSGSETP 840

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAP 864

Número de secuencia (ID): 8014

Longitud: 292

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..292

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SPAGSPTSTE SGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG 60

TSESATPESG PGSTPAESGS ETPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGSP AGSPTSTEEG 120

TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG 180

TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG 240

SEPATSGSET PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGGS AP 292

Número de secuencia (ID): 8015

Longitud: 582

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..582

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA 60

PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA 120

PGSPAGSPTS TEEGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG 180

PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE 240

EGSPAGSPTS TEEGSPAGSP TSTEEGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG 300

PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA 360

PGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE 420

EGSPAGSPTS TEEGTSTEPS EGSAPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG TSESATPESG 480

PGSEPATSGS ETPGSEPATS GSETPGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TESTPSEGSA 540

PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGEP EA 582

Número de secuencia (ID): 8016

Longitud: 576

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..576

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TPESGPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA 60

TPESGPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSTEP 120

SEGSAPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT 180

SGSETPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSESA 240

TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP 300

SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA 360

TPESGPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA 420

TPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSESA 480

TPESGPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP GSESATSGSE TPGSPAGSPT STEEGTSTEP 540

SEGSAPGTST EPSEGSAPGS EPATSGSETP GTSESA 576

Número de secuencia (ID): 8017

Longitud: 576

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..576

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP ATSGSETPGS PAGSPTSTEE 60

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGSPA GSPTSTEEGT STEPSEGSAP 120

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 180

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSESA TPESGPGTSE SATPESGPGS PAGSPTSTEE 240

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGPGTST EPSEGSAPGT STEPSEGSAP 300

GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGTSTEP SEGSAPGTST EPSEGSAPGS PAGSPTSTEE 360

GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 420

GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGTSESA SPESGPGSPA GSPTSTEEGS PAGSPTSTEE 480

GSPAGSPTST EEGTSESATP ESGPGTSTEP SEGSAPGTSE SATPESGPGS EPATSGSETP 540

GTSESATPES GPGSEPATSG SETPGTSESA TPESGP 576

Número de secuencia (ID): 8018

Longitud: 576

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..576

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSETPGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 60

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSESAT 120

PESGPGSEPA TSGSETPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGTSESAT 180

PESGPGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGTSTEPS 240

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 300

EGSAPGSPAG SPTSTEEGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT 360

PESGPGSEPA TSGSETPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSPAGSP 420

TSTEEGSPAG SPTSTEEGSP AGSPTSTEEG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSESAT 480

PESGPGSEPA TSGSTETGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGTSTEPS 540

EGSAPGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG SEPATS 576

Número de secuencia (ID): 8019

Longitud: 576

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..576

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 60

GSETPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGTSESATPE SGPGSPAGSP 120

TSTEEGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS 180

EGSAPGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 240

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATS 300

GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 360

TSTEEGSPAG SPTSTEEGTS ESATPESGPG TSTEPSEGSA PGTSESATPE SGPGSEPATS 420

GSETPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESASPESG PGTSTEPSEG SAPGSPAGSP 480

TSTEEGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGSPAGSPTS TEEGSPAGSP 540

TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG TSESAT 576

Número de secuencia (ID): 8020

Longitud: 294

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..294

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSPAGSPTS TESGTSESAT PESGPGTSTE PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 60

PGTSESATPE SGPGSTPAES GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 120

EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE 180

EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET 240

PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG GSAP 294

Número de secuencia (ID): 8021

Longitud: 294

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..294

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSATPESGP GTSTEPSEGS APGTSESATP ESGPGSGPGT SESATPGTSE SATPESGPGS 60

EPATSGSETP GTSESATPES GPGTSTEPSE GSAPGSPAGS PTSTEEGTSE SATPESGPGS 120

EPATSGSETP GTSESATPES GPGSPAGSPT STEEGSPAGS PTSTEEGTST EPSEGSAPGT 180

SESATPESGP GTSESATPES GPGTSESATP ESGPGSEPAT SGSETPGSEP ATSGSETPGS 240

PAGSPTSTEE GTSTEPSEGS APGTSTEPSE GSAPGSEPAT SGSETPGTSE SATP 294

Número de secuencia (ID): 8022

Longitud: 582

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..582

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGPGTS ESATPESGPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES 60

ATPESGPGTS TEPSEGSAPG TSTEPSEGSA PGTSTEPSEG SAPGTSTEPS EGSAPGTSTE 120

PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGSEPA 180

TSGSETPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGTSTEPS EGSAPGTSES 240

ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGSPAGSPTS TEEGTSESAT PESGPGTSTE 300

PSEGSAPGTS ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES 360

ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE EGTSESATPE SGPGSEPATS GSETPGTSES 420

ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGTSTEPSEG SAPGTSESAT PESGPGTSES 480

ATPESGPGTS PSATPESGPG SEPATSGSET PGSEPATSGS ETPGSPAGSP TSTEEGTSTE 540

PSEGSAPGTS TEPSEGSAPG SEPATSGSET PGTSESAGEP EA 582

Número de secuencia (ID): 8023

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8024

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8025

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8026

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8027

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8028

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8029

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8030

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8031

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8032

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8033

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8034

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8035

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8036

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8037

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8038

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8039

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8040

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8041

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8042

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8043

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8044

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8045

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8046

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8047

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8048

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8049

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8050

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8051

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8052

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8053

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8054

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8055

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8056

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8057

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8058

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8059

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8060

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8061

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8062

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8063

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8064

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8065

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8066

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8067

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8068

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8069

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8070

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8071

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8072

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8073

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8074

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8075

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8076

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8077

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8078

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8079

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8080

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8081

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8082

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8083

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8084

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8085

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8086

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8087

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8088

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8089

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8090

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8091

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8092

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8093

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8094

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8095

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8096

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8097

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8098

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8099

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8100

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8101

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8102

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8103

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8104

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8105

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8106

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8107

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8108

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8109

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8110

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8111

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8112

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8113

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8114

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8115

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8116

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8117

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8118

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8119

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8120

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8121

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8122

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8123

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8124

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8125

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8126

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8127

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8128

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8129

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8130

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8131

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8132

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8133

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8134

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8135

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8136

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8137

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8138

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8139

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8140

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8141

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8142

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8143

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8144

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8145

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8146

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8147

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8148

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8149

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8150

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8151

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8152

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8153

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8154

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8155

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8156

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8157

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8158

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8159

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8160

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8161

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8162

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8163

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8164

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8165

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8166

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8167

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8168

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8169

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8170

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8171

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8172

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8173

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8174

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8175

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8176

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8177

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8178

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8179

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8180

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8181

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8182

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8183

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8184

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8185

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8186

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8187

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8188

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8189

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8190

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8191

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8192

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8193

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8194

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8195

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8196

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8197

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8198

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8199

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8200

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8201

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8202

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8203

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8204

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8205

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8206

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8207

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8208

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8209

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8210

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8211

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8212

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8213

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8214

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8215

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8216

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8217

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8218

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8219

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8220

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8221

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8222

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8223

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8224

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8225

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8226

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8227

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8228

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8229

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8230

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8231

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8232

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8233

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8234

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8235

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8236

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8237

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8238

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8239

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8240

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8241

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8242

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8243

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8244

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8245

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8246

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8247

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8248

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8249

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8250

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8251

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8252

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8253

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8254

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8255

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8256

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8257

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8258

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8259

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8260

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8261

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8262

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8263

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8264

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8265

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8266

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8267

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8268

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8269

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8270

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8271

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8272

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8273

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8274

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8275

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8276

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8277

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8278

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8279

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8280

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8281

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8282

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8283

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8284

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8285

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8286

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8287

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8288

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8289

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8290

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8291

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8292

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8293

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8294

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8295

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8296

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8297

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8298

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8299

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8300

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8301

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8302

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8303

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8304

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8305

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8306

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8307

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8308

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8309

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8310

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8311

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8312

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8313

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8314

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8315

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8316

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8317

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8318

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8319

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8320

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8321

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8322

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8323

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8324

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8325

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8326

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8327

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8328

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8329

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8330

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8331

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8332

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8333

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8334

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8335

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8336

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8337

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8338

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8339

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8340

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8341

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8342

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8343

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8344

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8345

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8346

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8347

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8348

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8349

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8350

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8351

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8352

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8353

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8354

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8355

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8356

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8357

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8358

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8359

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8360

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8361

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8362

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8363

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8364

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8365

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8366

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8367

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8368

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8369

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8370

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8371

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8372

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8373

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8374

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8375

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8376

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8377

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8378

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8379

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8380

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8381

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8382

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8383

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8384

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8385

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8386

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8387

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8388

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8389

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8390

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8391

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8392

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8393

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8394

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8395

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8396

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8397

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8398

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8399

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8400

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8401

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8402

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8403

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8404

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8405

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8406

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8407

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8408

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8409

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8410

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8411

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8412

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8413

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8414

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8415

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8416

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8417

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8418

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8419

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8420

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8421

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8422

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8423

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8424

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8425

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8426

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8427

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8428

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8429

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8430

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8431

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8432

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8433

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8434

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8435

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8436

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8437

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8438

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8439

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8440

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8441

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8442

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8443

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8444

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8445

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8446

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8447

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8448

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8449

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8450

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8451

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8452

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8453

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8454

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8455

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8456

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8457

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8458

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8459

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8460

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8461

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8462

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8463

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8464

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8465

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8466

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8467

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8468

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8469

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8470

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8471

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8472

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8473

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8474

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8475

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8476

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8477

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8478

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8479

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8480

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8481

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8482

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8483

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8484

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8485

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8486

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8487

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8488

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8489

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8490

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8491

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8492

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8493

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8494

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8495

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8496

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8497

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8498

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8499

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8500

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8501

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8502

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8503

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8504

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8505

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8506

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8507

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8508

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8509

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8510

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8511

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8512

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8513

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8514

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8515

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8516

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8517

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8518

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8519

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8520

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8521

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8522

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8523

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8524

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8525

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8526

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8527

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8528

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8529

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8530

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8531

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8532

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8533

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8534

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8535

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8536

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8537

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8538

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8539

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8540

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8541

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8542

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8543

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8544

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8545

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8546

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8547

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8548

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8549

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8550

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8551

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8552

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8553

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8554

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8555

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8556

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8557

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8558

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8559

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8560

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8561

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8562

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8563

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8564

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8565

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8566

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8567

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8568

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8569

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8570

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8571

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8572

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8573

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8574

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8575

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8576

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8577

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8578

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8579

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8580

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8581

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8582

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8583

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8584

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8585

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8586

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8587

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8588

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8589

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8590

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8591

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8592

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8593

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8594

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8595

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8596

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8597

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8598

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8599

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8600

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8601

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8602

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8603

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8604

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8605

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8606

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8607

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8608

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8609

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8610

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8611

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8612

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8613

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8614

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8615

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8616

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8617

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8618

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8619

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8620

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8621

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8622

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8623

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8624

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8625

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8626

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8627

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8628

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8629

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8630

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8631

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8632

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8633

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8634

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8635

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8636

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8637

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8638

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8639

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8640

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8641

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8642

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8643

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8644

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8645

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8646

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8647

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8648

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8649

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8650

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8651

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8652

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8653

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8654

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8655

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8656

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8657

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8658

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8659

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8660

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8661

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8662

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8663

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8664

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8665

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8666

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8667

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8668

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8669

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8670

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8671

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8672

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8673

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8674

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8675

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8676

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8677

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8678

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8679

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8680

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8681

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8682

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8683

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8684

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8685

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8686

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8687

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8688

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8689

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8690

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8691

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8692

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8693

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8694

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8695

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8696

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8697

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8698

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8699

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8700

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8701

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8702

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8703

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8704

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8705

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8706

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8707

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8708

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8709

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8710

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8711

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8712

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8713

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8714

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8715

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8716

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8717

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8718

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8719

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8720

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8721

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8722

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8723

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8724

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8725

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8726

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8727

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8728

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8729

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8730

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8731

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8732

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8733

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8734

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8735

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8736

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8737

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8738

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8739

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8740

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8741

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8742

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8743

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8744

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8745

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8746

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8747

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8748

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8749

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8750

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8751

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8752

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8753

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8754

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8755

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8756

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8757

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8758

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8759

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8760

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8761

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8762

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8763

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8764

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8765

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8766

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8767

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8768

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8769

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8770

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8771

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8772

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8773

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8774

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8775

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8776

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8777

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8778

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8779

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8780

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8781

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8782

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8783

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8784

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8785

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8786

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8787

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8788

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8789

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8790

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8791

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8792

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8793

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8794

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8795

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8796

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8797

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8798

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8799

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8800

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8801

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8802

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8803

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8804

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8805

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8806

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8807

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8808

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8809

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8810

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8811

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8812

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8813

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8814

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8815

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8816

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8817

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8818

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8819

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8820

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8821

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8822

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8823

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8824

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8825

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8826

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8827

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8828

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8829

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8830

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8831

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8832

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8833

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8834

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8835

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8836

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8837

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8838

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8839

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8840

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8841

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8842

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8843

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8844

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8845

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8846

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8847

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8848

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8849

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8850

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8851

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8852

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8853

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8854

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8855

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8856

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8857

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8858

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8859

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8860

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8861

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8862

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8863

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8864

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8865

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8866

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8867

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8868

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8869

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8870

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8871

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8872

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8873

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8874

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8875

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8876

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8877

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8878

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8879

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8880

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8881

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8882

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8883

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8884

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8885

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8886

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8887

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8888

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8889

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8890

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8891

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8892

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8893

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8894

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8895

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8896

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8897

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8898

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8899

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8900

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8901

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8902

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8903

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8904

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8905

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8906

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8907

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8908

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8909

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8910

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8911

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8912

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8913

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8914

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8915

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8916

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8917

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8918

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8919

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8920

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8921

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8922

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8923

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8924

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8925

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8926

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8927

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8928

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8929

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8930

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8931

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8932

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8933

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8934

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8935

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8936

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8937

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8938

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8939

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8940

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8941

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8942

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8943

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8944

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8945

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8946

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8947

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8948

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8949

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8950

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8951

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8952

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8953

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8954

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8955

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8956

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8957

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8958

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8959

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8960

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8961

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8962

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8963

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8964

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8965

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8966

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8967

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8968

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8969

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8970

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8971

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8972

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8973

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8974

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8975

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8976

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8977

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8978

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8979

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8980

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8981

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8982

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8983

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8984

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8985

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8986

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8987

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8988

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8989

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8990

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8991

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8992

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8993

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8994

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8995

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8996

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8997

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8998

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 8999

Residuos:

000

Número de secuencia (ID): 9000

Longitud: 3981

Tipo de molécula: DNA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..3981

> mol_type, other DNA

> organismo, constructo sintético

Residuos:

gcatcttcgg cgacgccgga aagcggtccg ggtacgtcca ccgaaccgag cgagggtagc 60

gctccgggca ccagcgagtc cgcgaccccg gaaagcggtc cgggtagcgg tccgggcacc 120

tccgagagcg cgaccccggg cacctctgaa tcagccaccc cggagtctgg cccaggtagc 180

gagccggcaa cctctggcag cgaaaccccg ggcaccagcg aatccgcgac gccagagagc 240

ggtccgggca cctctacgga gcctagcgag ggctcagcac caggtagccc tgcaggttcc 300

ccgacgtcaa ccgaggaagg tacaagcgaa agcgccaccc ctgagtcggg ccctggcagc 360

gaaccggcaa ctagcggcag cgagactccg ggtaccagcg agtctgctac gccagagagc 420

ggcccaggtt cgccagcggg ttcgccgact agcacggagg agggcagccc agcgggtagc 480

cctaccagca ctgaagaggg tacgtccacc gaaccgagcg aaggtagcgc accaggtacc 540

tccgagtctg ccacccctga atccggtcca ggtaccagcg aatcagccac cccggagtcg 600

ggtccaggta cgagcgaatc tgctaccccg gaatccggcc caggcagcga acctgctact 660

agcggcagcg aaacgccggg cagcgaacct gccacgtcag gcagcgagac gccgggttcc 720

cctgcaggct ccccgaccag cactgaggag ggcacctcca ccgaaccatc agaaggtagc 780

gcgcctggta cgtcaaccga accttccgag ggcagcgcac cgggttcaga accagctacg 840

tctgggagcg agaccccggg cacctccgag tcggcgaccc cggaggcagg tcgttctgct 900

agccataccc ctgcagggtt aactggcccc ggaacttcag aaagtgctac acccgagtct 960

caggttcaac tggtggagag cggtggcggt gtggttcagc cgggtcgtag cctgcgtctg 1020

agctgcgcgg cgagcggtcg taccttt ggt atctatgtgt ggggttggtt tcgtcaggcg 1080

ccgggcaagg agcgtgaatt cgtgggcgcg atgagctgga gcggtagcaa ccgtaaagtg 1140

agcgacagcg ttaagggccg ttttaccatt agccgtgata acagcaaaaa caccctgtac 1200

ctgcaaatga acagcctgcg tgcggaggac accgcggttt actattgcgc ggcgagcaac 1260

aaagaatatg gccgtacctg gtatgatttc aatgagagcg actactgggg ccaaggcacc 1320

caagtgaccg ttagcagcgg gggaggcgga agtggtggag ggtcagagtt agttgtgacc 1380

caagagccga gcctgaccgt tagcccgggt ggtacggtca ccctgacgtg ccgtagcagc 1440

aacggtgcgg tcacgagcag caactatgcc aattgggtcc agcagaaacc gggtcaagca 1500

ccgcgtggcc tgatcggcgg caccaataaa cgtgccccgg gtactcctgc gcgtttctcc 1560

ggtagcctgc tgggcggcaa agccgctctg accctgagcg gtgtccagcc ggaagatgaa 1620

gcggtgtact actgcgcgct gtggtatccg aatctgtggg tttttggcgg cggtaccaag 1680

ctgaccgtat tgagcgagag cgcaacgcca gagagcggtc caggcaccag cccaggtgcc 1740

acccctgaga gcggcccagg tacttctgag agcgccactc cggaggtcca actggtggag 1800

tctggtggtg gcattgttca accgggtggc tcgttgcgcc tgagctgtgc agctagcggc 1860

tttaccttca gcacctatgc gatgaattgg gttcgtcagg caccgggtaa gggcctggaa 1920

tgggtgggcc gtatccgcac caagcgcaac aactacgcga cctactacgc ggatagcgtt 1980

aaaggccgct tcacgattag ccgtgacgat tccaagaata cggtgtatct gcaaatgaac 2040

agcctgaaaa ccgaagatac cgcggtgtat tactgtgtgc gccacgaaaa tttcggcaac 2100

agctacgtga gctggtttgc acattggggt cagggcaccc tggttacggt gagctccggt 2160

acagctactc cagaatcagg acccggggaa gctggaagaa gcgcctcaca cacaccagct 2220

ggacttacag gcccggctac tcccgaaagt gggccaggaa catcagagtc cgcgaccccg 2280

gaaagcggtc cgggttctcc agctggcagc ccgacctcca ctgaagaagg cacctctgag 2340

tctgctaccc ctgaatctgg tcctggctcc gaacctgcta cctctggttc cgaaactcca 2400

ggtacctcgg aatctgcgac tccggaatct ggcccgggca cgagcacgga gccgtctgag 2460

ggtagcgcac caggtaccag cactgagcct tctgagggct ctgcaccggg tacctccacg 2520

gaaccttcgg aaggttctgc gccgggtacc tccactgagc catccgaggg ttcagcacca 2580

ggtactagca cggaaccgtc cgagggctct gcaccaggta cgagcaccga accgtcggag 2640

ggtagcgctc caggtagccc agcgggctct ccgacaagca ccgaagaagg caccagcacc 2700

gagccgtccg aaggttccgc accaggtaca agcgagagcg cgactcctga atctggtccg 2760

ggtagcgagc ctgcaaccag cggttctgag acgccgggca cttccgaatc tgcgaccccg 2820

gagtccggtc caggttcaga gccggcgacg agcggttcgg aaacgccggg tacgtctgaa 2880

tcagccacgc cggagtctgg tccgggtacc tcgaccgaac caagcgaagg ttcggcaccg 2940

ggtactagcg agagcgcaac ccctgaaagc ggtccgggca gcccggcagg ttctccaacc 3000

agcaccgaag aaggttcccc tgctggtagc ccgacctcta cggaggaagg tagccctgca 3060

ggttccccaa cttctactga ggaaggtact tctgagtccg ctaccccaga aagcggtcct 3120

ggtacctcca ctgaaccgtc tgaaggctct gcaccaggca cttctgagtc tgctactcca 3180

gaaagcggcc caggttctga accagcaact tctggctctg agactccagg cacttctgag 3240

tccgcaacgc ctgaatccgg tcctggttct gaaccagcta cttccggcag cgaaacccca 3300

ggtacctctg agtctgcgac tccagagtct ggtcctggta cttccactga gcctagcgag 3360

ggttccgcac caggttctcc ggctggtagc ccgaccagca cggaggaggg tacgtctgaa 3420

tctgcaacgc cggaatcggg cccaggttcg gagcctgcaa cgtctggcag cgaaaccccg 3480

ggtacctccg aatctgctac accggaaagc ggtcctggca gccctgctgg ttctccaacc 3540

tctaccgagg agggttcacc ggcaggtagc ccgactagca ctgaagaagg tactagcacg 3600

gagccgagcg agggtagtgc tccgggtacg agcgagagcg caacgccaga gagcggtcca 3660

ggcaccagcg aatcggccac ccctgagagc ggcccaggta cttcaccctc tgctacgccg 3720

gaaagcggtc cgggttccga gccggcgacc agcggctccg agactccggg ttcggagccg 3780

gcgacctccg gctcggaaac cccgggtagc ccggctggtt ctccgaccag cactgaggaa 3840

ggcaccagca ccgaaccaag cgagggcagc gcgccaggta cgagcaccga accgagcgag 3900

ggttcagccc ctggctctga gccggcgacg tctggctccg aaaccccggg caccagcgag 3960

agcgctggtg aaccggaagc g 3981

Número de secuencia (ID): 9001

Longitud: 109

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..109
  - > mol_type, proteína
  - > organismo, constructo sintético
- VARIANT, 26
  - > note, X can be T or N
- VARIANT, 31
  - > note, X can be T or S
- VARIANT, 95
  - > note, X can be S or P
- VARIANT, 87
  - > note, X can be E or V

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSXGAVT XSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAXYYC ALWYXNLWVF GGGTKLTVL 109

Número de secuencia (ID): 9002

Longitud: 125

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..125
  - > mol_type, proteína
  - > organismo, constructo sintético
- VARIANT, 5
  - > note, X can be V or L
- VARIANT, 19
  - > note, X can be R or K
- VARIANT, 30
  - > note, X can be S or N
- VARIANT, 49
  - > note, X can be G or A

- VARIANT, 53

> note, X can be T or S

- VARIANT, 55

> note, X can be R or Y

- VARIANT, 68

> note, X can be G or D

- VARIANT, 81

> note, X can be V or A

- VARIANT, 87

> note, X can be S or N

- VARIANT, 102

> note, X can be E or G

- VARIANT, 114

> note, X can be H or Y

Residuos:

EVQLXESGGG JVQPGGSLXL SCAASGFTFX TYAMNWVRQA PGKGLEWVXR IRXKXNNYAT 60

YYADSVKXRF TISRDDSKNT XYLQMNXLKT EDTAVYYCVR HXNFGNSYVS WFAXWGQGTL 120

VTVSS 125

Número de secuencia (ID): 9003

Longitud: 10

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..10

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GRTFGIYVWG 10

Número de secuencia (ID): 9004

Longitud: 17

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..17

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

AMSWSGSNRK VSDSVKG 17

Número de secuencia (ID): 9005

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

AASNKEYGRT WYDFNESDY 19

Número de secuencia (ID): 9006

Longitud: 14

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..14

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 4

> note, X can be T or N

- VARIANT, 9

> note, X can be T or S

Residuos:

RSSXGAVTXS NYAN 14

Número de secuencia (ID): 9007

Longitud: 9

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..9

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5

> note, X can be S or P

Residuos:

ALWYXNLWV 9

Número de secuencia (ID): 9008

Longitud: 10

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..10

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5

> note, X can be S or N

Residuos:

GFTFXTYAMN 10

Número de secuencia (ID): 9009

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 4

> note, X can be T or S

- VARIANT, 6

> note, X can be R or Y

- VARIANT, 19

> note, X can be G or D

Residuos:

RIRXKXNNYA TYYADSVKX 19

Número de secuencia (ID): 9010

Longitud: 14

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..14
  - > mol_type, proteína
  - > organismo, constructo sintético
- VARIANT, 2
  - > note, X can be E or G
- VARIANT, 14
  - > note, X can be H or Y

Residuos:

HXNFGNSYVS WFAX 14

Número de secuencia (ID): 9011

Longitud: 25

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..25
  - > mol_type, proteína
  - > organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAAS 25

Número de secuencia (ID): 9012

Longitud: 14

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..14
  - > mol_type, proteína
  - > organismo, constructo sintético

Residuos:

WFRQAPGKER EFVG 14

Número de secuencia (ID): 9013

Longitud: 30

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..30

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RFTISRDNSK NTLYLQMNSL RAEDTAVYYC 30

Número de secuencia (ID): 9014

Longitud: 11

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..11

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

WGQGTQVTVS S 11

Número de secuencia (ID): 9015

Longitud: 10

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..10

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

AMSWSGSNRK 10

Número de secuencia (ID): 9016

Longitud: 37

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..37

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

VSDSVKGRFT ISRDNSKNTL YLQMNSLRAE DTAVYYC 37

Número de secuencia (ID): 9017

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 34

> note, X can be M or W

- VARIANT, 51

> note, X can be M or I

- VARIANT, 95

> note, X can be F or Y

- VARIANT, 97..98

> note, X can be A or G

- VARIANT, 102

> note, X can be L, W, R, D, E, or G

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVXGWFRQA PGKEREFVGA XSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYXCXXSN KXYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9018

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSGPGTSESA TP 12

Número de secuencia (ID): 9019

Longitud: 12

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..12

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSPSATPES GP 12

Número de secuencia (ID): 9020

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGPG 8

Número de secuencia (ID): 9021

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGSETPGT 8

Número de secuencia (ID): 9022

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTSESATP 8

Número de secuencia (ID): 9023

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9024

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXAT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9025

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9026

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXTT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9027

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXST 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9028

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9029

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PETPGS 66

Número de secuencia (ID): 9030

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

SETGTP 66

Número de secuencia (ID): 9031

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PEGSAP 66

Número de secuencia (ID): 9032

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXEP 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9033

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9034

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXAT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9035

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9036

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXTT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9037

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXST 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9038

Longitud: 46

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..46

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..38

> nota, hasta 30 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..38

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXAT PESGPG 46

Número de secuencia (ID): 9039

Longitud: 46

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..46

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..38

> nota, hasta 30 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..38

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXAT PESGPG 46

Número de secuencia (ID): 9040

Longitud: 46

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..46

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..38

> nota, hasta 30 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..38

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT SESATP 46

Número de secuencia (ID): 9041

Longitud: 46

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..46

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..38

> nota, hasta 30 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..38

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXTT PESGPG 46

Número de secuencia (ID): 9042

Longitud: 46

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..46

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..38

> nota, hasta 30 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..38

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXST PESGPG 46

Número de secuencia (ID): 9043

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9044

Longitud: 46

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..46

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..38

> nota, hasta 30 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..38

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT PESGPG 46

Número de secuencia (ID): 9045

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PETPGS 66

Número de secuencia (ID): 9046

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

SETGTP 66

Número de secuencia (ID): 9047

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PEGSAP 66

Número de secuencia (ID): 9048

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

ATPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXEP 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9049

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9050

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXAT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9051

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9052

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXTT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9053

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXST 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9054

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9055

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PETPGS 66

Número de secuencia (ID): 9056

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

SETGTP 66

Número de secuencia (ID): 9057

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PEGSAP 66

Número de secuencia (ID): 9058

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXEP 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9059

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

TTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9060

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

TTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXAT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9061

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

TTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9062

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

TTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXTT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9063

Longitud: 46

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..46

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..38

> nota, hasta 30 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..38

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

TTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXTT PESGPG 46

Número de secuencia (ID): 9064

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

TTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXST 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9065

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

TTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9066

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

TTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PETPGS 66

Número de secuencia (ID): 9067

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

TTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

SETGTP 66

Número de secuencia (ID): 9068

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

TTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PEGSAP 66

Número de secuencia (ID): 9069

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

TTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXEP 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9070

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

STPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9071

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

STPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXAT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9072

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

STPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9073

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

STPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXTT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9074

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

STPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXST 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9075

Longitud: 46

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..46

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..38

> nota, hasta 30 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..38

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

STPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXST PESGPG 46

Número de secuencia (ID): 9076

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

STPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9077

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

STPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PETPGS 66

Número de secuencia (ID): 9078

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

STPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

SETGTP 66

Número de secuencia (ID): 9079

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

STPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PEGSAP 66

Número de secuencia (ID): 9080

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

STPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXEP 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9081

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9082

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXAT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9083

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9084

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXTT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9085

Longitud: 46

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..46

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..38

> nota, hasta 30 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..38

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXTT PESGPG 46

Número de secuencia (ID): 9086

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXST 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9087

Longitud: 46

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..46

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..38

> nota, hasta 30 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..38

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXST PESGPG 46

Número de secuencia (ID): 9088

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9089

Longitud: 46

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..46

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..38

> nota, hasta 30 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..38

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT PESGPG 46

Número de secuencia (ID): 9090

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PETPGS 66

Número de secuencia (ID): 9091

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

SETGTP 66

Número de secuencia (ID): 9092

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PEGSAP 66

Número de secuencia (ID): 9093

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXEP 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9094

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPETPGSXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9095

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPETPGSXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXAT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9096

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPETPGSXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9097

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPETPGSXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXTT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9098

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPETPGSXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXST 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9099

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPETPGSXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9100

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPETPGSXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PETPGS 66

Número de secuencia (ID): 9101

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPETPGSXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

SETGTP 66

Número de secuencia (ID): 9102

Longitud: 46

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..46

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..38

> nota, hasta 30 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..38

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPETPGSXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG SETGTP 46

Número de secuencia (ID): 9103

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPETPGSXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PEGSAP 66

Número de secuencia (ID): 9104

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPETPGSXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXEP 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9105

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGSETGTPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9106

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGSETGTPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXAT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9107

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66
  - > mol_type, proteína
  - > organismo, constructo sintético
- VARIANT, 9..58
  - > nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos
- VARIANT, 9..58
  - > nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGSETGTPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9108

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66
  - > mol_type, proteína
  - > organismo, constructo sintético
- VARIANT, 9..58
  - > nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos
- VARIANT, 9..58
  - > nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGSETGTPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXTT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9109

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGSETGTPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXST 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9110

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGSETGTPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9111

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGSETGTPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PETPGS 66

Número de secuencia (ID): 9112

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGSETGTPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

SETGTP 66

Número de secuencia (ID): 9113

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGSETGTPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PEGSAP 66

Número de secuencia (ID): 9114

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

SGSETGTPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXEP 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9115

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPEGSAPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9116

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPEGSAPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXAT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9117

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPEGSAPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9118

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPEGSAPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXTT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9119

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPEGSAPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXST 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9120

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPEGSAPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9121

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPEGSAPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PETPGS 66

Número de secuencia (ID): 9122

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPEGSAPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

SETGTP 66

Número de secuencia (ID): 9123

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPEGSAPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PEGSAP 66

Número de secuencia (ID): 9124

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPEGSAPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXEP 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9125

Longitud: 46

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..46

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..38

> nota, hasta 30 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..38

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

GTPEGSAPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXEP SESATP 46

Número de secuencia (ID): 9126

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

EPSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9127

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

EPSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXAT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9128

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

EPSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9129

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

EPSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXTT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9130

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

EPSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXST 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9131

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

EPSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PESGPG 66

Número de secuencia (ID): 9132

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

EPSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PETPGS 66

Número de secuencia (ID): 9133

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

EPSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXSG 60

SETGTP 66

Número de secuencia (ID): 9134

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

EPSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXGT 60

PEGSAP 66

Número de secuencia (ID): 9135

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

EPSESATPXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXEP 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9136

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTGTSAT 8

Número de secuencia (ID): 9137

Longitud: 7

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..7

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGSGPGT 7

Número de secuencia (ID): 9138

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTTPGTT 8

Número de secuencia (ID): 9139

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTPPTST 8

Número de secuencia (ID): 9140

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTSPSAT 8

Número de secuencia (ID): 9141

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTGSAGT 8

Número de secuencia (ID): 9142

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTGGAGT 8

Número de secuencia (ID): 9143

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTSPGAT 8

Número de secuencia (ID): 9144

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTSGSGT 8

Número de secuencia (ID): 9145

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTSSAST 8

Número de secuencia (ID): 9146

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTGAGTT 8

Número de secuencia (ID): 9147

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTGSTST 8

Número de secuencia (ID): 9148

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GSEPATSG 8

Número de secuencia (ID): 9149

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

APGTSTEP 8

Número de secuencia (ID): 9150

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTAGSGT 8

Número de secuencia (ID): 9151

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTSSGGT 8

Número de secuencia (ID): 9152

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTAGPAT 8

Número de secuencia (ID): 9153

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTPGTGT 8

Número de secuencia (ID): 9154

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTGGPTT 8

Número de secuencia (ID): 9155

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PGTGSGST 8

Número de secuencia (ID): 9156

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TGTS 4

Número de secuencia (ID): 9157

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTPG 4

Número de secuencia (ID): 9158

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TPPT 4

Número de secuencia (ID): 9159

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSPS 4

Número de secuencia (ID): 9160

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TGSA 4

Número de secuencia (ID): 9161

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TGGA 4

Número de secuencia (ID): 9162

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSPG 4

Número de secuencia (ID): 9163

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSGS 4

Número de secuencia (ID): 9164

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSSA 4

Número de secuencia (ID): 9165

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TGAG 4

Número de secuencia (ID): 9166

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TGST 4

Número de secuencia (ID): 9167

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EPAT 4

Número de secuencia (ID): 9168

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTST 4

Número de secuencia (ID): 9169

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TAGS 4

Número de secuencia (ID): 9170

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TSSG 4

Número de secuencia (ID): 9171

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TAGP 4

Número de secuencia (ID): 9172

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TPGT 4

Número de secuencia (ID): 9173

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TGGP 4

Número de secuencia (ID): 9174

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TGSG 4

Número de secuencia (ID): 9175

Longitud: 66

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..66

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 9..58

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 9..58

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

STPESGPGXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXEP 60

SESATP 66

Número de secuencia (ID): 9176

Longitud: 10

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..10

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASSATPESGP 10

Número de secuencia (ID): 9177

Longitud: 7

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..7

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGP 7

Número de secuencia (ID): 9178

Longitud: 11

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..11

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GPGGQHHHHH H 11

Número de secuencia (ID): 9179

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVSA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9180

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVSA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9181

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9182

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

LVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9183

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAEG TAVYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

MVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9184

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

TVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9185

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAVSGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVSA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TASYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

LVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9186

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG VVQPGRSLRI SCAASGRTFG IYVMAWFRQA PGKEREFVAV ISWSGSNKLV 60

TDSVKGRFTI SRDNSKNTVY LQMNSLRPED TANYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

LVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9187

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMAWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRPED TAVYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

LVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9188

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQAGGSLSL SCVASGRTFG IYVMAWFRQA PGKEREFLTV ISWSGSNKLV 60

TDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TGLYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

LLTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9189

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVKLVESGGG LVQPGRSLRL SCVASGRTFG IYVMGWVRQV PGKSRQFVSA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNAKNSLF LQMNSLRPED TALYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9190

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVSA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAIYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

LVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9191

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

TVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9192

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG SVQPGGSLRL SCAASGRTFG IYVMAWFRQA PGKEREFVAV ISWSGSNRLV 60

TDSVKGRFTI SRENSKNTLY LQMNSLRAED TANYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9193

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVSV ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRENAKNSLY LQMNSLRAED TANYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9194

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGRTFG IYVMAWFRQA PGKEREFVSA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9195

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAVSGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVSA ITWSGTNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TASYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

LVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9196

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAVSGRTFG IYVLGWFRQA PGKEREFVSA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TASYFCAGSN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9197

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAVSGRTFG IYVLGWFRQA PGKEREFVSA ITWSGTNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TASYFCAGSN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9198

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAVSGRTFG IYVLGWFRQA PGKEREFVSA ITWSGTNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TASYFCGASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9199

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGRTFG IYVLGWFRQA PGKEREFVSA ISYSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAIYFCGASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9200

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVSA ISWSGSDRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAIYFCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

LVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9201

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVSA ITWSGTNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAIYFCGASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

LVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9202

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG SVQPGGSLRL SCAASGRTFG IYVMAWFRQA PGKEREFVAV ISWSGTNRLV 60

TDSVKGRFTI SRENSKNTLY LQMNSLRAED TANYFCAGSN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9203

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG SVQPGGSLRL SCAASGRTFG IYVMAWFRQA PGKEREFVAV ISWSGTNRLV 60

TDSVKGRFTI SRENSKNTLY LQMNSLRAED TANYFCGASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9204

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG SVQPGGSLRL SCAASGRTFG IYVMAWFRQA PGKEREFVAV ITWSGTNRLV 60

TDSVKGRFTI SRENSKNTLY LQMNSLRAED TANYFCGASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9205

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFD VYAMGWFRQA PGKERELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9206

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGRTFD VYAMGWFRQA PGKERELVSA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9207

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGRTFD VYAMSWVRQA PGKERELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9208

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCSASGRTFD VYAMGWVRQA PGKERELVSA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9209

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLEESGGG VVQPGRSLRL SCVVSGRTFD VYAMGWVRQA PGKERELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLN LQMNSLRPED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9210

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFD VYAMAWFRQA PGKERELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLF LQMNSLRPED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9211

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVQSGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFD VYAMGWFRQA PGKERELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLS LQMNSLRAED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9212

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFD VYAMGWFRQA PGKERELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSRNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9213

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFD VYAMGWFRQA PGKGRELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRPED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9214

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFD VYAMGWFRQA PGKERELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKKTLY LQMNSLRAED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9215

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGRTFD VYAMGWFRQA PGKGRELVSA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9216

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFD VYAMGWFRQA PGKERELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLF LQMNSLRADD TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9217

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQVIESGGG VVQSGKSLRL ACTTSGRTFD VYAMGWFRQA PGKGRELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9218

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFD VYAMGWVRQA PGKERELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLKTED TAMYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9219

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG LVQSGDSLRL SCATSGRTFD VYAMSWFRQA PGKERELVSA IDWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSWKTLY LQMNSLRPED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9220

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG LVQPGRSLRL SCATSGFTFD VYAMGWFRQA PGKERELVSA INWGGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNAWKTLY LQMNSLRAED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9221

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGDSLRL SCATSGRTFD VYAMGWFRQA PGKERELVAA INWAGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLS LQMNSLRAED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9222

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGDSLRL SCATSGRTFD VYAMSWFRQA PGKERELVAA INWAGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLS LQMNSLRPED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9223

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGDSLRL SCATSGRTFD VYAMAWFRQA PGKERELVAA INWAGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLS LQMNSLRPED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9224

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGDSLRL SCATSGRTFD VYAMAWFRQA PGKERELVAA INWGGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLS LQMNSLRPED TAVYFCAAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9225

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG LVQSGDSLRL SCATSGRTFD VYAMSWFRQA PGKERELVSA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSWKTLY LQMNSLRPED TAVYFCGATS RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9226

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG LVQPGRSLRL SCATSGFTFD VYAMGWFRQA PGKERELVSA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNAWKTLY LQMNSLRAED TAVYFCAGST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9227

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGDSLRL SCATSGRTFD VYAMGWFRQA PGKERELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLS LQMNSLRAED TAVYFCGAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9228

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGDSLRL SCATSGRTFD VYAMSWFRQA PGKERELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLS LQMNSLRPED TAVYFCAGTS RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9229

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGDSLRL SCATSGRTFD VYAMAWFRQA PGKERELVAA INWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLS LQMNSLRPED TAVYFCAGTT RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9230

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG LVQSGDSLRL SCATSGRTFD VYAMSWFRQA PGKERELVSA IDWSGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSWKTLY LQMNSLRPED TAVYFCGATS RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9231

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG LVQPGRSLRL SCATSGFTFD VYAMGWFRQA PGKERELVSA INWGGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNAWKTLY LQMNSLRAED TAVYFCAGST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9232

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGDSLRL SCATSGRTFD VYAMGWFRQA PGKERELVAA INWAGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLS LQMNSLRAED TAVYFCGAST RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9233

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGDSLRL SCATSGRTFD VYAMSWFRQA PGKERELVAA INWAGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLS LQMNSLRPED TAVYFCAGTS RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9234

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGDSLRL SCATSGRTFD VYAMAWFRQA PGKERELVAA INWAGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLS LQMNSLRPED TAVYFCAGTT RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9235

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGDSLRL SCATSGRTFD VYALAWFRQA PGKERELVAA INWGGSNKFH 60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTLS LQMNSLRPED TAVYFCAGTS RLYGTTWYEF NDSDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9236

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVFGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9237

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWARQA PGKEREFVAA ISWTGSNRYV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RTYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9238

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IKVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9239

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYAMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9240

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYHMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9241

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYPMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9242

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYWMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9243

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYYMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9244

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9245

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWARQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9246

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWIRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9247

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9248

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWPRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9249

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWYRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9250

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVQQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9251

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVKQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9252

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVSQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9253

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKERELVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9254

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREWVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9255

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREYVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9256

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFWAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9257

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9258

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ASWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9259

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA RSWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9260

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ESWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9261

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA QSWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9262

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA GSWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9263

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA HSWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9264

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9265

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA PSWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9266

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA SSWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9267

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA WSWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9268

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA VSWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9269

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA IAWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9270

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA IDWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9271

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA IEWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9272

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA IHWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9273

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA IPWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9274

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ITWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9275

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA IWWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9276

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA IYWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9277

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RYYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9278

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWWGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9279

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGLNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9280

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGPNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9281

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGTNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9282

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSDRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9283

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSQRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9284

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSGRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9285

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSHRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9286

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSFRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9287

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSPRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9288

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNALV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9289

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNQLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9290

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNILV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9291

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNTLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9292

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRAV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9293

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRNV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9294

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNREV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9295

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRQV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9296

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRGV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9297

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRHV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9298

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9299

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRMV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9300

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRPV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9301

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRSV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9302

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRTV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9303

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRYV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9304

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLY 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9305

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGQFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9306

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAAEN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9307

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAAHN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9308

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAAYN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9309

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAAQN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9310

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASE RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9311

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9312

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RAYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9313

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RQYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9314

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RHYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9315

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RKYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9316

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RMYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9317

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RFYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9318

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RPYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9319

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RTYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9320

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWVRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRLV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RWYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9321

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9322

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWYRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9323

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWYRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9324

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWYRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RWYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9325

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWYRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RWYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9326

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWYRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RYYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9327

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWYRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RYYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9328

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWYRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9329

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWYRQA PGKEREFVAA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9330

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYAMGWVRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9331

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVFGWVRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9332

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWVRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9333

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9334

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYAMGWVRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9335

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVFGWVRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9336

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWVRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9337

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN KLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9338

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYAMGWVRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RTYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9339

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVFGWVRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RTYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9340

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWVRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RTYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9341

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RTYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9342

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYAMGWVRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RTYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9343

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVFGWVRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RTYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9344

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWVRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RTYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9345

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RTYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9346

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYAMGWVRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RMYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9347

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVFGWVRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RMYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9348

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWVRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RMYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9349

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RMYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9350

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYAMGWVRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RMYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9351

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVFGWVRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RMYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9352

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWVRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RMYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9353

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RMYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9354

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYAMGWVRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9355

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVFGWVRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9356

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWVRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9357

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVMGWFRQA PGKEREFVGA ISWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9358

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYAMGWVRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9359

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVFGWVRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9360

Longitud: 126

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..126

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGRTFG IYVWGWVRQA PGKEREFVAA MSWSGSNRKV 60

SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAASN RLYGRTWYDF NESDYWGQGT 120

QVTVSS 126

Número de secuencia (ID): 9361

Longitud: 8

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..8

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ASHHHHHH 8

Número de secuencia (ID): 9362

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

SGPESGPGTG TSATPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9363

Longitud: 19

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..19

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGPGSG PGTSESATP 19

Número de secuencia (ID): 9364

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGPGTT PGTTPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9365

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGPGTP PTSTPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9366

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGPGTS PSATPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9367

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGPGTG SAGTPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9368

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGPGTG GAGTPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9369

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGPGTS PGATPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9370

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTPESGPGTS GSGTPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9371

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTPESGPGTS SASTPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9372

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTPESGPGTG AGTTPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9373

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTPESGPGTG STSTPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9374

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTPETPGSEP ATSGSETGTP 20

Número de secuencia (ID): 9375

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GTPEGSAPGT STEPSESATP 20

Número de secuencia (ID): 9376

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGPGTA GSGTPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9377

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGPGTS SGGTPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9378

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGPGTA GPATPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9379

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ATPESGPGTP GTGTPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9380

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TTPESGPGTG GPTTPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9381

Longitud: 20

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..20

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

STPESGPGTG SGSTPESGPG 20

Número de secuencia (ID): 9382

Longitud: 60

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..60

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

Número de secuencia (ID): 9383

Longitud: 60

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..60

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSNGAVT SSNYANWVQQ KPGQAPRGLI GGTNKRAPGT 60

Número de secuencia (ID): 9384

Longitud: 49

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..49

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAEYYC ALWYSNLWVF GGGTKLTVL 49

Número de secuencia (ID): 9385

Longitud: 49

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..49

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAVYYC ALWYPNLWVF GGGTKLTVL 49

Número de secuencia (ID): 9386

Longitud: 60

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..60

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG LVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

Número de secuencia (ID): 9387

Longitud: 60

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..60

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLLESGGG IVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 60

Número de secuencia (ID): 9388

Longitud: 60

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..60

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EVQLVESGGG IVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR IRTKRNNYAT 60

Número de secuencia (ID): 9389

Longitud: 60

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..60

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

YYADSVKDRF TISRDDSKNT AYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HGNFGNSYVS WFAYWGQGTL 60

Número de secuencia (ID): 9390

Longitud: 60

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..60

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

YYADSVKDRF TISRDDSKNT VYLQMNNLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 60

Número de secuencia (ID): 9391

Longitud: 60

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..60

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

YYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLKT EDTAVYYCVR HENFGNSYVS WFAHWGQGTL 60

Número de secuencia (ID): 9392

Longitud: 58

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..58

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..54

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..54

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PEGSXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXPESG 58

Número de secuencia (ID): 9393

Longitud: 58

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..58

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..54

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..54

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PEGSXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXSEGG 58

Número de secuencia (ID): 9394

Longitud: 28

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..28

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..24

> nota, hasta 19 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..24

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PEGSXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXSEGG 28

Número de secuencia (ID): 9395

Longitud: 58

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..58

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..54

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..54

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PEGSXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXSETG 58

Número de secuencia (ID): 9396

Longitud: 58

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..58

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..54

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..54

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PEGSXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXSESA 58

Número de secuencia (ID): 9397

Longitud: 58

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..58

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..54

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..54

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PESGXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXPESG 58

Número de secuencia (ID): 9398

Longitud: 28

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..28

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..24

> nota, hasta 19 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..24

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PESGXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXPESG 28

Número de secuencia (ID): 9399

Longitud: 58

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..58

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..54

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..54

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PESGXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXSEGG 58

Número de secuencia (ID): 9400

Longitud: 58

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..58

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..54

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..54

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PESGXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXSETG 58

Número de secuencia (ID): 9401

Longitud: 58

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..58

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..54

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..54

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PESGXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXSESA 58

Número de secuencia (ID): 9402

Longitud: 28

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..28
  > mol_type, proteína
  > organismo, constructo sintético
- VARIANT, 5..24
  > nota, hasta 19 X residuos pueden ser suprimidos
- VARIANT, 5..24
  > nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PESGXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXSESA 28

Número de secuencia (ID): 9403

Longitud: 58

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..58
  > mol_type, proteína
  > organismo, constructo sintético
- VARIANT, 5..54
  > nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos
- VARIANT, 5..54
  > nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PETPXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXPESG 58

Número de secuencia (ID): 9404

Longitud: 58

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..58

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..54

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..54

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PETPXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXSEGG 58

Número de secuencia (ID): 9405

Longitud: 58

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..58

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..54

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..54

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PETPXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXSETG 58

Número de secuencia (ID): 9406

Longitud: 28

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..28

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..24

> nota, hasta 19 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..24

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PETPXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXSETG 28

Número de secuencia (ID): 9407

Longitud: 58

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..58

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

- VARIANT, 5..54

> nota, hasta 50 X residuos pueden ser suprimidos

- VARIANT, 5..54

> nota, X puede ser cualquier aminoácido

Residuos:

PETPXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXXXXXXX XXXXSESA 58

Número de secuencia (ID): 9408

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KERE 4

Número de secuencia (ID): 9409

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KQRE 4

Número de secuencia (ID): 9410

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GLEW 4

Número de secuencia (ID): 9411

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KEREL 5

Número de secuencia (ID): 9412

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KEREF 5

Número de secuencia (ID): 9413

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KQREL 5

Número de secuencia (ID): 9414

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KQREF 5

Número de secuencia (ID): 9415

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KEREG 5

Número de secuencia (ID): 9416

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KQREW 5

Número de secuencia (ID): 9417

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KQREG 5

Número de secuencia (ID): 9418

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TERE 4

Número de secuencia (ID): 9419

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TEREL 5

Número de secuencia (ID): 9420

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TQRE 4

Número de secuencia (ID): 9421

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

TQREL 5

Número de secuencia (ID): 9422

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KECE 4

Número de secuencia (ID): 9423

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KECEL 5

Número de secuencia (ID): 9424

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KECER 5

Número de secuencia (ID): 9425

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KQCE 4

Número de secuencia (ID): 9426

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KQCEL 5

Número de secuencia (ID): 9427

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RERE 4

Número de secuencia (ID): 9428

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

REREG 5

Número de secuencia (ID): 9429

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RQRE 4

Número de secuencia (ID): 9430

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RQREL 5

Número de secuencia (ID): 9431

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RQREF 5

Número de secuencia (ID): 9432

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

RQREW 5

Número de secuencia (ID): 9433

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QERE 4

Número de secuencia (ID): 9434

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QEREG 5

Número de secuencia (ID): 9435

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QQRE 4

Número de secuencia (ID): 9436

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QQREW 5

Número de secuencia (ID): 9437

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QQREL 5

Número de secuencia (ID): 9438

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

QQREF 5

Número de secuencia (ID): 9439

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KGRE 4

Número de secuencia (ID): 9440

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KGREG 5

Número de secuencia (ID): 9441

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KDRE 4

Número de secuencia (ID): 9442

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

KDREV 5

Número de secuencia (ID): 9443

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DECKL 5

Número de secuencia (ID): 9444

Longitud: 5

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..5

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

NVCEL 5

Número de secuencia (ID): 9445

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GVEW 4

Número de secuencia (ID): 9446

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EPEW 4

Número de secuencia (ID): 9447

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GLER 4

Número de secuencia (ID): 9448

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DQEW 4

Número de secuencia (ID): 9449

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

DLEW 4

Número de secuencia (ID): 9450

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GIEW 4

Número de secuencia (ID): 9451

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

ELEW 4

Número de secuencia (ID): 9452

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GPEW 4

Número de secuencia (ID): 9453

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

EWLP 4

Número de secuencia (ID): 9454

Longitud: 4

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/cualificadores:

- fuente, 1..4

> mol_type, proteína

> organismo, constructo sintético

Residuos:

GPER 4

FIN