

Nombre del proyecto: BCD-236

Estado: generado

Fecha creación: 2024-05-14

Última modificación: 2024-05-14

Información general

Solicitud actual

Número de solicitud: después

Oficina de PI: RU

Número de solicitud: 2023114863

Fecha de presentación: 2023-06-06

Referencia del expediente del solicitante: BCD-236

Solicitud prioritaria más temprana

Oficina de PI: RU

Número de solicitud: 2023114863

Fecha de presentación: 2023-06-06

Identificación de prioridades

Oficina de PI	Número de solicitud	Fecha de presentación
RU	2023114863	2023-06-06

Título de la invención

Idioma	Título de la invención
en	Anticuerpo monoclonal o fragmento de unión a antígeno del mismo que se une específicamente a AXL, y uso del mismo

Solicitante e inventor:

Nombre del solicitante: Joint Stock Company "BIOCAD"

Idioma: en

Nombre en latín: Joint Stock Company "BIOCAD"

Dirección de residencia: Russian Federation, 198515, g. Saint Petersburg, vn. ter. g. poselokStrelna, ul. Svyazi, d. 38, str. 1, pomeshch. 89

Dirección para correspondencia: Russian Federation, 198515, g. Saint Petersburg, vn. ter. g. poselok Strelna, ul. Svyazi, d. 38, str. 1, pomeshch. 89

Secuencias

Secuencia 1: "RU2023114863_seq_1"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
17	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
--------------------------	-----------------------------	---------------

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..17	mol_type = proteína organism = construcción sintética

Residuos

KSSQSVLLSA NQKNYLA

17

Secuencia 2: "RU2023114863_seq_2"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
7	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..7	mol_type = proteína organism = construcción sintética

Residuos

WASTRES

7

Secuencia 3: "RU2023114863_seq_3"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
9	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..9	mol_type = proteína organism = construcción sintética

Residuos

HQGYTLPWT

9

Secuencia 4: "RU2023114863_seq_4"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
17	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..17	mol_type = proteína

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
		organismo = construcción sintética

Residuos

KSSQSVLLSA NQKNYLA

17

Secuencia 5: "RU2023114863_seq_5"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
7	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..7	mol_type = proteína organism = construcción sintética

Residuos

WASTRES

7

Secuencia 6: "RU2023114863_seq_6"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
9	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..9	mol_type = proteína organism = construcción sintética

Residuos

HQGYTLPWT

9

Secuencia 7: "RU2023114863_seq_7"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
5	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..5	mol_type = proteína organism = construcción sintética

Residuos

FFGIH

5

Secuencia 8: "RU2023114863_seq_8"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
17	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..17	moltype = proteína organismo = construcción sintética

Residuos

FTSRDGNDKY YADSVKG

17

Secuencia 9: "RU2023114863_seq_9"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
7	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..7	moltype = proteína organismo = construcción sintética

Residuos

GNLAFDI

7

Secuencia 10: "RU2023114863_seq_10"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
7	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..7	moltype = proteína organismo = construcción sintética

Residuos

GFSFSFF

7

Secuencia 11: "RU2023114863_seq_11"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
6	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..6	mol_type = proteína organismo = construcción sintética

Residuos

SRDGND6

Secuencia 12: "RU2023114863_seq_12"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
7	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..7	mol_type = proteína organism = construcción sintética

Residuos

GNLAFDI7

Secuencia 13: "RU2023114863_seq_13"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
113	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..113	mol_type = proteína organism = construcción sintética

Residuos

DIVMTQSPDS LTASAGERAT INCKSSQSVL LSAHQKNYLA WYQKPGQSP RLLIYWASTR 60
ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISNLQPEDAA VYYCHQGYTL PWTFGSGTKV EIK 113

Secuencia 14: "RU2023114863_seq_14"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
116	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..116	mol_type = proteína organismo = construcción sintética

Residuos

QVQLVQSGGG VVQPGRSLRL SCAASGFSFS FFGIHWIRQA PGKGLEWVAF TSRDGN DKYY 60

ADSVKGRFTI SKDNSKNTVY LQMNSLRAED TAVYYCGRGN LAFDIWEGT LTVVSS 116

Secuencia 15: "RU2023114863_seq_15"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
220	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..220	mol_type = proteína organismo - construcción sintética

Residuos

DIVMTQSPDS LTASAGERAT INCKSSQSVL LSAHQKNYLA WYQKPGQSP RLLIYWASTR 60

ESGVPDFRFSG SSGTDFTLT ISNLQPEDAA VYYCHQGYTL PWTFGSGTKV EIKRTVAAPS 120

VFIFFPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSTYS 180

LSSTLTLSKA DYEKKHYAC EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Secuencia 16: "RU2023114863_seq_16"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
444	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..444	mol_type = proteína organism = construcción sintética

Residuos

QVQLVQSGGG VVQPGRSLRL SCAASGFSFS FFGIHWIRQA PGKGLEWVAF TSRDGN DKYY 60

ADSVKGRFTI SKDNSKNTVY LQMNSLRAED TAVYYCGRGN LAFDIWEGT LTVVSSASTK 120

GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS 180

LSSVVTVPSS SLGTQTYICN VNHKPSNTKVD KRVEPKSCD KTHTCPPCPA PELGGPSVF 240

LFPPKPKDTL MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300

VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNAKPAP IEKTISKAKG QPREPQVYTL PPSRDELTKN 360

QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPVLDSG GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN 420

VFSCSVMHEA LHHYHTQKSL SLSP 444

Secuencia 17: "RU2023114863_seq_17"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
444	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..444	mol_type = proteína organism = construcción sintética

Residuos

QVQLVQSGGG	VVQPGRLRL	SCAASGFSFS	FFGIHWIRQA	PGKGLEWVAF	TSRDGNDKYY	60
ADSVKGRFTI	SKDNSKNTVY	LQMNSLRAED	TAVYYCGRGN	LAFDIWGEGT	LVTVSSASTK	120
GPSVFPLAPS	SKSTSGGTAA	LGCLVKDYFP	EPVTVSWNSG	ALTSGVHTFP	AVLQSSGLYS	180
LSSVVTVPSS	SLGTQTYICN	VNHKPSNTKV	DKRVEPKSCD	KHTCPCPPCA	PELLGGPDVF	240
LFPPKPKDTL	MISRTPEVTC	VVDVSHEDP	EVKFNWYVDG	VEVHNAKTKP	REEQYNSTYR	300
VVSVLTVLHQ	DWLNGKEYKC	KVSNKALPAP	EEKTISKAKG	QPREPQVYTL	PPSRDELTKN	360
QVSLTCLVKG	FYPSDIAVEW	ESNGQPENNY	KTTPPVLDSD	GSFFLYSKLT	VDKSRWQQGN	420
VFSCSVMEHA	LHNHYTQKSL	SLSP				444

Secuencia 18: "RU2023114863_seq_18"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
339	ADN	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..339	mol_type = otro ADN organism = construcción sintética

Residuos

gatatgtgta	tgactcagag	ccccgactcc	ctgactgcat	ctgcaggaga	gagggccacc	60
atcaattgta	agtcagcca	gagtgtgtta	ttgagtgcc	accagaaaaa	ctacttagct	120
tggtaccagc	agaaacctgg	acagtctcct	aggctgctca	tctactgggc	atccaccgga	180
gaatcggggg	ttcctgatcg	attcagcggc	agtgggtccg	gaacagattt	cactcttacc	240
atcagcaacc	tccagccgga	agacgcggca	gtgtattact	gccaccaggg	atatactctt	300
ccatggacat	tcggcagtg	gaccaaggtg	gagatcaaa			339

Secuencia 19: "RU2023114863_seq_19"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
348	ADN	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..348	mol_type = otro ADN organismo = construcción sintética

Residuos

cagggtgcagc	tgggtgcaatc	tgggggagggc	gtggtccagc	ctggaaggtc	cctcagactc	60
tctctgtgcag	cctctggatt	cagctttttcc	ttcttcggca	ttcactggat	ccgccaggct	120
ccaggcaagg	gcctggagtg	ggtggcattt	acatcaagag	atggaaatga	caaatactat	180
gcagactcag	tgaagggccg	attcacaatc	tccaaagaca	actccaagaa	cactgtgtat	240
ctgcaaata	acagcctgag	agctgaggac	acggcggtct	attactgtgg	aaggggaaat	300
ttggcttttg	acatctgggg	cgaagggacc	ctggtcaccg	tctcgagt		348

Secuencia 20: "RU2023114863_seq_20"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
660	ADN	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..660	mol_type = otro ADN organismo = construcción sintética

Residuos

gatattgtga	tgactcagag	ccccgactcc	ctgactgcat	ctgcaggaga	gagggccacc	60
atcaatttga	agtccagcca	gagtggttta	ttgagtgcca	accagaaaaa	ctacttagct	120
tggtaccagc	agaaacctgg	acaggtctct	aggtctgctca	tctactgggc	atccaccgga	180
gaatcggggg	ttctctgatcg	attcagcggc	agtggtgtccg	gaacagattt	cactcttaac	240
atcagcaaac	tccagccgga	agacgcggca	gtgtattact	gccaccaggg	atatactctt	300
ccatggacat	tggcgattgg	gaccaaagggtg	gagatcaaac	gtacgggtggc	tgaccatctt	360
gtcttcatct	ttccgcctatc	tgatgagcag	ttgaaatcttg	gaactgcctc	tgtttgtgtgc	420
ctgctgaata	actttctatcc	cagagagggcc	aaagtacagt	ggaagdtgga	taacgcccctc	480
caatcgggta	actcccagga	gagtggtcaca	gagcaggaca	gcaaggacag	cacctacagc	540
ctcagcagca	ccctgacgct	gagcaaaagca	gactacggaga	aaacacaaagt	ctacgcctgc	600
gaagtcaccc	atcagggcct	gagctcgccc	gtcacaaaaga	gcttcaacag	gggagagtggt	660

Secuencia 21: "RU2023114863_seq_21"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
1332	ADN	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..1332	mol_type = otro ADN organism = construcción sintética

Residuos

cagggtgcagc	tgggtgcaatc	tgggggagggc	gtggtccagc	ctggaaggtc	cctcagactc	60
tctctgtgcag	cctctggatt	cagctttttcc	ttcttcggca	ttcactggat	ccgccaggct	120
ccaggcaagg	gcctggagtg	ggtggcattt	acatcaagag	atggaaatga	caaatactat	180
gcagactcag	tgaagggccg	attcacaatc	tccaaagaca	actccaagaa	cactgtgtat	240
ctgcaaata	acagcctgag	agctgaggac	acggcggtct	attactgtgg	aaggggaaat	300
ttggcttttg	acatctgggg	cgaagggacc	ctggtcaccg	tctcgagtgc	tagcaccgaag	360
tggtcctgttg	ttcttcgggg	ggaacgggca	ctcttggggg	cactctgagga	gaggggagga	420
ctggtcctgtc	tgggtcgaagg	ctacttccccc	gaaccgggtg	cgggtgtctgtg	gaactcagggc	480
gctctgaccca	gctggcgtgca	caccttccccc	gctgttcttac	agtcctcagg	actctactctc	540
ctcagcagcg	tggtgacccgt	gccccccagc	agcttggggca	cccagacctfa	catctgcaac	600
gtgaatcacca	agccccagcaa	caccaaagggtg	gacaaagagag	ttgaagcccaa	atcttctgac	660
aaacttcacca	catggcccacc	gtgcccagcc	ctctgaactcc	tgggggggacc	gtcagtcttcc	720
ctcttccccc	caaaaaccccaa	ggacacccctc	atgatcttccc	ggacccctga	ggtcacatgc	780
gtggtggtgg	acgtgagcca	cgaagaccctt	gaggtcaagt	tcaactgtgta	cgtggacggc	840
gtcagtcagcg	ataaatgcca	gacaaaagccg	cgggaggagag	agtacaacag	cacgttacogt	900
gtgaatcacca	tccttcacccgt	octgacccaag	gactctggctga	atgggcaagg	gtacaagtgc	960
aaacttcacca	caaaaaccccaa	ggaaccccttc	atctgaactcc	ccatcttccaa	agcccaagggg	1020
caagccccag	aaaccaaggt	gtcacccctg	cccccatccc	gggacagagct	gaccaagagac	1080
cagggtcagcg	tgacctgctct	ggtcaaaagg	ttctatcccca	gctgacatcgc	cgtggagtggt	1140
gagagcaaatg	ggcagccggga	gaacaaactac	aagaccacgc	ctcccggtgct	ggactccgac	1200
ggctcctctct	ttctctcatag	caagctcacc	gtggacaaaga	gcaggtgggca	gcagggggaac	1260
gtcttctcat	gctccgtgat	gcatgaggct	ctgcacaaac	actacacgca	gaaaagcctc	1320
tcctgtccc	cg					1332

Secuencia 22: "RU2023114863_seq_22"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
1332	ADN	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..1332	mol_type = otro ADN organism = construcción sintética

Residuos

ctcaggtcgaac	tgggtgcaatc	tggggggaggg	gtggtccagc	ctggaagggtc	cctcagactc	50
tctgttcgacg	ccctctggatt	cagctcttttcc	ttcttctggc	ttcacttggtg	cgcccgaggct	51
cagggtcaagc	gcctgtgagtg	gtgtggcatttt	acatccaagag	attggaaatga	caaatatctat	52
gcagactcagc	tgaagagccgc	attcacaatcc	tccaaaagata	actcccaagaa	cactgtgtgat	53
ctgtcaaatgc	acagcctgagc	agcttgaggac	acggcggtgct	attactgtgtg	aagggggaat	54
ttgggtctttt	acatctcggcg	cgaaaggacc	ctgtgacacgc	tctcggagtgc	tagcacccaag	55
gtgcccattgc	ttcttcccctc	ggcacaacctc	tcccaagagcg	ccctctggggc	cacagcgggc	56
gtggggctgt	tgggtcaagga	ttaacttcccc	gaaccgggtga	cggtgtctcgt	gaactctgggc	57
gtccctgacac	gcggcgtctca	gcaccttcccc	gctgttctctac	agctccctcag	actctactctc	58
gtccagcagcc	tgggtgacccg	ccctctccagc	agctttggggc	cccgagacctg	catctgtcaac	59
gttgaaatcac	agcccgaccaa	cgcaaaaggtg	gacaaagcag	tggagcccaa	atctttctgac	60
aaagaaactcac	catgcccacc	gtgcccacag	ctggaactctc	gtgggggaacc	ggacgctcttc	61
ctcttcccccc	caaaaacccaa	cgacaaccttc	atgatctctcc	ggaaacctgta	ggtcacatgc	62
gttggttggtg	acgtgagccca	cgaaagacctc	gaggtccaagt	tcaactggta	ctgtggagcgc	63
gttgagggtgc	ataaatgcmaa	cgcaaaagccg	cggggaggagc	agtaacaacag	cacgtaccgtg	64
gttggttcagc	tctctcacctg	ctgtgaccacg	gacttgcttga	atggcaagga	gtacaagtgc	65
gtgtgtctctc	acaaaagccct	cccagccccct	gaggtagaaaa	ccatctctcaa	agccaaaagg	66
caggtcccccc	tgaaccaaggt	gtacacacctc	ttctctctccc	gggacagagct	gcaccaagaac	67
caggttcagcgc	taacctgttgt	gctgtcaaaag	tctctatccca	gtcacatagtc	cgtggagtgtg	68
gcagagcaaat	ggcagccggga	gacacaactca	aagacacacgc	ctcccgtgtct	ggactctccag	69
ggtctctctct	tctctctatag	caagctctcac	gtggacaagga	caggtgtggca	gcagggggaac	70
ttctctctctc	gtctccgtgat	gcattgagggt	ctgcacaaac	actacacgcga	gaaaaagctc	71
tccctgtccc	cg					72

Secuencia 23: "RU2023114863 seq 23"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
417	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..417	mol_type = proteína organism = construcción sintética

Residuos

AFRGTOAREE	RFVGNFGNIT	GARGLTGTLR	COIYVOGEPP	EVHWLRDGOI	LELADSTOTO	60
VFLGEDOOD	WIVVSOLRIT	SLQSDTGOY	COVFLFGHGT	FVSGQYGVGL	HGLFYFLEEF	120
EDRTVAANPT	FNLSCQAQGP	FEFVDLLWLO	DAVPLATAFG	HGSPGRLHWL	GLNKTSFSEFC	180
EAHNKGVTTI	SRATITITVP	QQRPNHLHLS	RQPTHEFVAV	TPGLGNGIYPL	THCTLOAVLS	240
DDMGXICAGE	PDPEEPLTS	QASVPEHLVS	LSGLHFTHTY	HIRVACTSSQ	GPSSWTHWLS	300
VETFEFVFLG	PKKNISATIS	GSOAEVHWHE	EPFLQGLTLE	WYRLAYOGSD	TFEVLNIDIGL	360
QOEVLTELOG	DGVSVNLTVC	VARYITAAGDG	EWSLVPLELA	GRVPEKSETP	AFSWEFWW	420

Secuencia 24: "RU2023114863 seq 24"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
426	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..426	molType = proteína organismo = construcción sintética

Residuos

APRGTOAEES	PFVGNPGNIT	GARGLTGTLR	COLOVOGEPP	EVHWLRDGOI	LELADSTOTO	60
VPLGEDEODD	WIVVSOLRIT	SIQLSDTGQY	QCLVFLGHOT	FVSOPGYVGL	EGLPYFLEEP	120
EDRTVAANTP	FNLSGQAOGP	PEFVDLLWLO	DAVPLATAPG	HGFORS LHVP	GLNKTSSFSC	180
EAHNAKGVT	SRTATITVLP	QOPRNHLVLS	ROPTLEVAVW	TPGLSGIYPL	THCTLOAVLS	240
DDGMGLOAGE	PDPFEEPLTS	QASVPPHOLR	LSSLHPHTPY	HIRVACTSSO	GFSSWTHWLP	300
VETPEGVPLG	PPKNISATRN	GSQAFVHWCE	FRAPLOGTLL	GYRLAYOGOD	TPEVLMDIGL	360
ROEVTLELQG	DGSVSNLTVC	VAAYTAAGDG	FWSLPVPLEA	WREPVKEPSTP	AFSWEWWGGG	420
HHHHHH						426

Secuencia 25: "RU2023114863_seq_25"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
363	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..363	molType = proteína organismo = construcción sintética

Residuos

APRGTOAEES	PFVGNPGNIT	GARGLTGTLR	COLOVOGEPP	EVHWLRDGOI	LELADSTOTO	60
VPLGEDEODD	WIVVSOLRIT	SIQLSDTGQY	QCLVFLGHOT	FVSOPGYVGL	EGLGGGGSGG	120
GGSGGGGGSGG	GGSAATAATC	POCPAPELPG	GPSVFVFPFK	PKDVLSISGR	FEVTCVVVDV	180
GKEDPEVNFN	WYIDGVEVRT	ANTKPKKEEQF	NSTYRVVSVL	PIQHODWLTG	KEFKCKVNNK	240
ALPAPIERTI	SKAKGQOTREP	QVYTLAPHRE	ELAKDTVSVT	CLVKGFYPAD	INVEWQORNGO	300
PESEGTYANT	PPQLDNDGT	FLYSKLSVGK	NTWQRGETLT	CVVMHEALHN	HYTQKSSISQS	360
PGK						363

Secuencia 26: "RU2023114863_seq_26"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
335	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..335	molType = proteína organismo = construcción sintética

Residuos

PYFLEEPEDR	TVAANTPFNL	SCQAOGPPEP	VDLLWLQDAV	PLATAPGHGP	ORSLHVPGLN	60
KTSSFSCEAH	NAKGVTTSRT	ATITVGGGGG	GGGGSGGGGS	GGGGSAAAAA	TCPOCPAPEL	120
PGGFSVFVFP	PKPKDVLSIS	GRPEVTCVVV	DVGKEDPEVN	FNWYIDGVEV	RTANTKPKKEE	180
QFNSTYRVVS	VLPQHODWL	TGKEFKCKVN	NKALPAPIER	TISKAKGQTR	EPOVYTLAPH	240
REELAKDTVS	VTCLVKGFYP	ADINVEWQRN	GQPESEGTYA	NTFPQLDNDG	TYFLYSKLSV	300
GKNTWQRGET	LTCVVMHEAL	HNHYTQKSSIS	QSPGK			335

Secuencia 27: "RU2023114863_seq_27"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
448	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..448	mol_type = proteína organism = construcción sintética

Residuos

APRGTOAEES	PFVGNPGNIT	GARGLTGTLR	COLOVOGEPP	EVHWLRDGOI	LELADSTOTO	60
VPLGEDEQDD	WIVVSQLRIT	SLQSDTGOY	QCLVFLGHOT	FVSOPGYVGL	EGLPYFLEEP	120
EDRTVAANTP	FNLSCQAQGP	PEFVDLLWLO	DAVPLATAPG	HGPORS LHVP	GLNKTSSFSC	180
EAHNAKGVTI	SRTATITVGG	GGSGGGGSGG	GGSGGGGSAA	AAATCPOCEA	PELPGGESVF	240
VFFPKPKDVL	SISGRPEVTC	VVVDVGKEDP	EVNFNWIYDG	VEVRTANTKP	KEEQFNSTYR	300
VVSVLPIQHO	DWLTGKEFKC	KVNNKALPAP	IERTISKAKG	QTRPEQVYTL	APHREELAKD	360
TVSITCLVKG	FYPADINVEW	QKNGQFESEG	TYANTPPQLD	NDGTIFLYSK	LSVGKNTWQR	420
GETLTCVVMH	EALHNHYTQK	SISQSPGK				448

Secuencia 28: "RU2023114863_seq_28"

Longitud	Tipo de molécula	Organismo	Contiene fragmentos de ADN y ARN	Secuencia omitida
472	AA	construcción sintética	No	No

Características

Clave de caracterización	Ubicación de característica	Calificadores
fuelle	1..472	mol_type = proteína organism = construcción sintética

Residuos

EESPFVGNPG	NITGARGLTG	TLRCOLOVOG	EPPEVHWLRD	GOILELADST	QTOVPLGEDE	60
QDDWIVVSOL	RIASLQLSDA	GOYQCLVFLG	HONFVSOPGY	VGLEGLPYFL	EEFEDRTVAA	120
NTPFNLSQOA	OGPPEFVDLL	WLQDAVPLAT	AFGHGPORNH	HVPGLNKTSS	FSCEAHNAKG	180
VTTSTRATIT	VLPOQPRNLH	LVSROPTETE	VANTPGLSGI	YPLTHCTLOA	MLSDNEVGIO	240
AGEPDSPPEP	LTLOASVPPH	QLRLGSLHPH	TFYHIRVACT	SSQGPSSWTH	WLPVETPEGV	300
PLGPPENISA	TRNGSQAFVH	WOEPRAPLOG	TLLGYRLAYQ	GODTPEVLMD	IGLROEVTLE	360
LOGDGSVSNL	TVCVAAYTAA	GDGPWSLPVP	LEAWRPGQAO	PVHOLESWIQ	GLIHDLFLLP	420
PVKETSAPA	FSWPEGGGSL	VFRGSAAAGG	GESHHHHHHG	DILLYKDDDD	KV	472