

INFORMACIÓN SOBRE LA LISTA DE SECUENCIAS:
 VERSIÓN DE LA DTD: V1_3
 NOMBRE DEL FICHERO: 220703-010509_AR_SL.XML
 NOMBRE DEL SOFTWARE: WIPO SEQUENCE
 VERSIÓN DEL SOFTWARE: 2.3.0
 FECHA DE PRODUCCIÓN: 2024-08-12

INFORMACIÓN GENERAL:
 SOLICITUD ACTUAL / REFERENCIA AL EXPEDIENTE DEL SOLICITANTE: 220703-010509/AR
 SOLICITUD DE PRIORIDAD MÁS ANTIGUA / OFICINA DE PI: US
 SOLICITUD DE PRIORIDAD MÁS ANTIGUA / NÚMERO DE SOLICITUD: 63/519,056
 SOLICITUD DE PRIORIDAD MÁS ANTIGUA / FECHA DE PRESENTACIÓN: 2023-08-11
 NOMBRE DEL SOLICITANTE: PARAGON THERAPEUTICS, INC.
 NOMBRE DEL SOLICITANTE / IDIOMA: EN
 TÍTULO DE LA INVENCIÓN: PROTEÍNAS DE UNIÓN A TL1A Y MÉTODOS DE USO (EN)
 NÚMERO TOTAL DE SECUENCIAS: 2595

SECUENCIAS:
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1
 EXTENSIÓN: 5
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..5
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 SYAMH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2
 EXTENSIÓN: 5
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..5
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 SYYWS

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 3
 EXTENSIÓN: 5
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..5
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 TYNMN

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 4
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 SNSATWN

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 5
 EXTENSIÓN: 5
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..5
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 NVWMN

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 6
 EXTENSIÓN: 5
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..5
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 NVWMN

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 7
 EXTENSIÓN: 5
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..5
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 NAWMS

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 8
 EXTENSIÓN: 5
 TIPO DE MOLÉCULA: AA

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: NAWMS	5
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 9 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: NAWMT	5
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 10 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: NAWMT	5
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 11 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: VVSYESQNY YADSVKG	17
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 12 EXTENSIÓN: 16 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..16 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: LIYYSGSTNY NPSLKS	16
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 13 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: SIHSSNYLY YADSVKG	17
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 14 EXTENSIÓN: 18 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..18 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: RTYYRSKWYN DYAVSVKS	18
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 15 EXTENSIÓN: 19 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..19 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: LIKSKTDAGT TDYAAPVKG	19
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 16 EXTENSIÓN: 19 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..19 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: RIKSKIDAGT TDYVAPVKG	19
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 17 EXTENSIÓN: 19	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..19	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RIKSKIDAGT TDYAAPVKG	19
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 18	
	EXTENSIÓN: 19	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..19	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RIKSKIDAGT TDYAAPVKG	19
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 19	
	EXTENSIÓN: 19	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..19	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RIKSKIDAGT TDYAAPVKG	19
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 20	
	EXTENSIÓN: 19	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..19	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RIKSKIDAGT TDYAAPVKG	19
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 21	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	LESAYYFDY	9
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 22	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ADVVTIDY	8
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 23	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	DRAMVDFDY	9
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 24	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	EAVGPTKDFD Y	11
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 25	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	DRGWGENY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 26	

	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
5	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	DRGWGENY	8
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 27	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
15	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	DLGWGENY	8
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 28	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
25	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	DLGWGENY	8
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 29	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
35	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	DLGWGENY	8
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 30	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
45	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	DLGWGENY	8
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 31	
	EXTENSIÓN: 16	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
55	- FUENTE, 1..16	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RSSQSLLYSN GYNSLD	16
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 32	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
65	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQTISSYF N	11
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 33	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
75	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISTYL N	11
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 34	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
85	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSFSSYL N	11

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 35 EXTENSIÓN: 12 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..12 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: RASQIFSSSY LV	12
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 36 EXTENSIÓN: 12 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..12 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: RASQSVSSSY LV	12
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 37 EXTENSIÓN: 12 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..12 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: RASQSISRSY LV	12
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 38 EXTENSIÓN: 12 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..12 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: RASQRVSSSY LV	12
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 39 EXTENSIÓN: 12 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..12 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: RASQRVSSSY LV	12
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 40 EXTENSIÓN: 12 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..12 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: RASQRVSSSY LV	12
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 41 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: LGSNRAS	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 42 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: AASSLQS	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 43 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: AASSLQS	7

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 44 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: AASSLQS	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 45 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: GASSRAT	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 46 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GASSRAT	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 47 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: GASSRAT	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 48 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GASSRAT	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 49 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GASSRAT	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 50 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GASSRAT	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 51 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: MQALQTPYT	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 52 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	

	QSYSTPIT	9
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 53 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: QSYSTPLT	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 54 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: QSYFTPRT	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 55 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: QQYGNPPT	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 56 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: QQYGGSPYT	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 57 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: HQYGGSPYT	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 58 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: QQYGGSPYT	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 59 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: QQYGGSPYT	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 60 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: QQYGGSPYT	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 61 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: GFTFSSY	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 62 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSISY	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 63 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GFTFSTY	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 64 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GDSVSSNSA	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 65 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GFTFSNV	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 66 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GFIFSNV	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 67 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GFTFSNA	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 68 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GFTFSNA	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 69 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GFTFSNA	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 70 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GFTFSNA	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 71 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SYEGSQ	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 72 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: YYSGS	5
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 73 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: HSSSNY	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 74 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: YYRSKWY	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 75 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: KSKTDAGT	8
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 76 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: KSKIDAGT	8
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 77 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: KSKIDAGT	8
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 78 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: KSKIDAGT	8
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 79 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: KSKIDAGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 80	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: KSKIDAGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 81	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: ESAYYFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 82	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: DVVTID	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 83	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: RAMVDFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 84	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: AVGPTKDFD	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 85	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: RGWGEN	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 86	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: RGWGEN	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 87	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: LGWGEN	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 88	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: LGWGEN	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 89 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: LGWGEN	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 90 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: LGWGEN	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 91 EXTENSIÓN: 12 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..12 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: SQSLLYSNGY NS	12
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 92 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: SQTISSY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 93 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: SQSISTY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 94 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: SQSFSSY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 95 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: SQIFSSSY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 96 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: SQSVSSSY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 97 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	
	SQISRSY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 98	
10	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	
	SQRVSSSY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 99	
20	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	
	SQRVSSSY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 100	
30	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	
	SQRVSSSY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 101	
40	RESIDUOS:	
	000	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 102	
45	RESIDUOS:	
	000	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 103	
50	RESIDUOS:	
	000	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 104	
55	RESIDUOS:	
	000	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 105	
60	RESIDUOS:	
	000	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 106	
65	RESIDUOS:	
	000	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 107	
70	RESIDUOS:	
	000	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 108	
75	RESIDUOS:	
	000	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 109	
80	RESIDUOS:	
	000	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 110	
85	RESIDUOS:	
	000	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 111	
	EXTENSIÓN: 6	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	ALQTPY	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 112	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	SYSTPI	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 113	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	SYSTPL	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 114	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	SYFTR	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 115	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	YGNSPY	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 116	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	YGGSPY	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 117	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	YGSSPY	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 118	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	YGSSPY	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 119	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	YGSSPY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 120	

5	EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: YGSSPY	6
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 121 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GFTFSSYA	8
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 122 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GGSISYY	8
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 123 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GFTFSTYN	8
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 124 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GDSVSSNSAT	10
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 125 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GFTFSNVW	8
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 126 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GFIFSNVW	8
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 127 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GFTFSNAW	8
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 128 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GFTFSNAW	8

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 129 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GFTFSNAW	8
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 130 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GFTFSNAW	8
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 131 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GFTFSNAW	8
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 132 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: IYYSGST	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 133 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: IHSSSNYL	8
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 134 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: TYRSKWYN	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 135 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: IKSKTDAGTT	10
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 136 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: IKSKIDAGTT	10
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 137 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: IKSKIDAGTT	10

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 138 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: IKSKIDAGTT	10
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 139 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: IKSKIDAGTT	10
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 140 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: IKSKIDAGTT	10
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 141 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: ANLESAYYFD Y	11
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 142 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: ARADVVTIDY	10
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 143 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: ATDRAMVDFD Y	11
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 144 EXTENSIÓN: 13 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..13 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: AREAVGPTKD FDY	13
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 145 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: TTDRGWGENY	10
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 146 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	

	ITDRGWGENY	10
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 147 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: TTDLGWGENY	10
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 148 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: TTDLGWGENY	10
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 149 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: TTDLGWGENY	10
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 150 EXTENSIÓN: 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..10 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: TTDLGWGENY	10
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 151 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: QSLYSNGYN S	11
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 152 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: QTISSY	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 153 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: QSISTY	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 154 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: QSFSSY	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 155 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: QIFSSSY	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 156 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QSVSSSY	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 157 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QSISSSY	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 158 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QRVSSSY	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 159 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QRVSSSY	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 160 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QRVSSSY	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 161 RESIDUOS: 000	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 162 RESIDUOS: 000	
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 163 RESIDUOS: 000	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 164 RESIDUOS: 000	
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 165 RESIDUOS: 000	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 166 RESIDUOS: 000	
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 167 RESIDUOS: 000	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 168	

	RESIDUOS: 000	
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 169 RESIDUOS: 000	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 170 RESIDUOS: 000	
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 171 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
20	- FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: MQALQTPYT	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 172 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
30	- FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQSYSTPIT	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 173 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
40	- FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQSYSTPLT	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 174 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
50	- FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQSYFTPRT	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 175 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
60	- FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQYGNSPYT	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 176 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
70	- FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQYGGSPYT	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 177 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
80	- FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: HQYGSSPYT	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 178 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQYGSSPYT 9

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 179
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 10 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQYGSSPYT 9

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 180
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 20 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQYGSSPYT 9

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 181
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 30 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QVKLVESGGG VVQPGSLRL SCAASGFTFS SYAMHWVRQA PGKGLEWVAV VSYEGSQNY 60
 35 ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCANLE SAYYFDYWGQ GTLTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 182
 EXTENSIÓN: 116
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 40 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..116
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 45 QVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGGSIS SYYWSWIRQP PGKGLEWIGL IYYSGSTNYN 60
 PSLKSRVTIS VDTSKNQFSL KLSSVTAADT AVYYCARADV VTIDYWGQGT LTVSS 116

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 183
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 50 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 55 EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS TYNMNVWRQA PGKGLEWISS IHSSSNLYLY 60
 ADSVKGRFTI SRADNKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCATDR AMVDFDYWGQ GTLTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 184
 EXTENSIÓN: 123
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 60 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..123
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 65 QVQLQSGPG LVKPSQTLSTL TCAISGDSVS SNSATWNWIR QSPSRGLEWL GRYYRSKWY 60
 NDYAVSVKSR LTINPDTSKN QFSLQLNSVT PEDTAVYYCA REAVGPTKDF DYWGQGTLPV 120
 VSS 123

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 185
 EXTENSIÓN: 119
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 75 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..119
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 80 EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAAFGFTFS NVWMNVWRQA PGKGLEWVGL IKSKTDA GTT 60
 DYAAPVKGRF TISRDDSKNM LYLQMNSLKT EDTAVYYCTT DRGWGENYWG QGTLTVSS 119

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 186
 EXTENSIÓN: 119
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 85 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..119
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

	EVQLVESGGG	LVKPGGSLRL	SCAASGFIFS	NVWMNWVRQA	PGKGLEWVGR	IKSKIDAGTT	60
	DYAAPVKGRF	TISRDDSKNT	LSLQMNSLKT	EDTAVYYCIT	DRGWGENYWG	QGTLVTVSS	119
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 187						
	EXTENSIÓN: 119						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..119						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
10	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	EVQLVESGGG	LVKPGGSLRL	SCAASGFIFS	NAWMSWVRQA	PGKGLEWVGR	IKSKIDAGTT	60
	DYAAPVKGRF	TISRDDSKNT	LYLQMNSLKT	EDTADYYCTT	DLGWGENYWG	QGTLVTVSS	119
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 188						
	EXTENSIÓN: 119						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..119						
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	EVQLVESGGG	LVKPGGSLRL	SCAASGFIFS	NAWMSWVRQA	PGKGLEWVGR	IKSKIDAGTT	60
25	DYAAPVKGRF	TISRDDSKNT	LYLQMNSLKT	EDTADYYCTT	DLGWGENYWG	QGTLVTVSS	119
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 189						
	EXTENSIÓN: 119						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
30	- FUENTE, 1..119						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
35	EVQLVESGGG	LVKPGGSLRL	SCAASGFIFS	NAWMTWVRQA	PGKGLEWVGR	IKSKIDAGTT	60
	DYAAPVKGRF	TISRYDSKNT	LYLQMNSLKT	EDTAVYYCTT	DLGWGENYWG	QGTLVTVSS	119
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 190						
	EXTENSIÓN: 119						
40	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..119						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
45	EVQLVESGGG	LVKPGGSLRL	SCAASGFIFS	NAWMTWVRQA	PGKGLEWVGR	IKSKIDAGTT	60
	DYAAPVKGRF	TISRDDSKNT	LYLQMNSLKT	EDTAVYYCTT	DLGWGENYWG	QGTLVTVSS	119
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 191						
50	EXTENSIÓN: 112						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..112						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
55	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIVMTQSPLS	LPVTPGPAS	ISCRSSQSL	YSNGYNSLDW	YLQKTGQSPQ	LLIYLGSNRA	60
	SGVPDRFSGS	GSQTDFTLKI	SRVEAEDVGV	YYCMQALQTP	YTFGQGTKLE	IK	112
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 192						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQTIS	SYFNWYQKKA	GEAPKLLIYA	ASSLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQ	EDFATYYCQ	SYSTPITFGQ	GTRLEIK		107
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 193						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQSIS	TYLNWYQKQP	GKAPKLLIYA	ASSLQSGVPS	60
80	RFSGSGSGTD	FTLTISLQ	EDFAAYYCQ	SYSTPLTFGG	GTRVEIK		107
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 194						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
85	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQSFS	SYLNWYQQTP	GKAPKLLIYA	ASSLQSGVPS	60

	RFSGSGSGTY	FTLTISLQP	EDLATYYCQ	SYFTPRTFGQ	GTKVEIK		107
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 195 EXTENSIÓN: 108 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..108 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
10	RESIDUOS:						
	ENVLTQSPGT	LSLSPGERAT	LSCRASQIFS	SSYLWVYQKK	PGQAPRLLIY	GASSRATGIP	60
	DRFSGSGSGT	DFTLTISRLE	PEDFAVYYCQ	QYGNSPYTFG	QGTKLEIK		108
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 196 EXTENSIÓN: 108 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..108 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
20	RESIDUOS:						
	EIVLTQSPGT	LSLSPGERAT	LSCRASQSVS	SSYLWVYQKK	PGQAPRLLIY	GASSRATGIP	60
	DRFSGSGSGT	DFTFTISRLE	PEDFAVYYCQ	QYGGSPYTFG	QGTKLEIK		108
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 197 EXTENSIÓN: 108 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..108 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
30	RESIDUOS:						
	EIVLTQSPGT	LSLSPGERAT	LSCRASQIS	RSYLWVYEQK	PGQAPRLLIY	GASSRATGIP	60
35	DRFSGSGSGT	DFTLTISRLE	PEDFAVYYCH	QYGGSPYTFG	QGTKLEIK		108
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 198 EXTENSIÓN: 108 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..108 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
45	RESIDUOS:						
	ENVLTQSPGT	LSLSPGERAT	LSCRASQSVS	SSYLWVYQKK	PGQAPRLLIY	GASSRATGIP	60
	DRFSGSGSGT	DFTLTISRLE	PEDFAVYYCQ	QYGGSPYTFG	QGTKLESK		108
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 199 EXTENSIÓN: 108 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..108 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
55	RESIDUOS:						
	ENVLTQSPGT	LSLSPGERAT	LSCRASQSVS	SSYLWVYQKK	PGQAPRLLIY	GASSRATGIP	60
	DRFSGSGSGT	DFTLTISRLE	PEDFAVYYCQ	QYGGSPYTFG	QGTKLEIK		108
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 200 EXTENSIÓN: 108 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..108 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
65	RESIDUOS:						
	ENVLTQSPGT	LSLSPGERAT	LSCRASQSVS	SSYLWVYQKK	PGQAPRLLIY	GASSRATGIP	60
	DRFSGSGSGT	DFTLTISRLE	PEDFAVYYCQ	QYGGSPYTFG	QGTKLEIK		108
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 201 EXTENSIÓN: 329 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..329 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, HOMO SAPIENS						
75	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHKPS	NTKVDDKVEP	KSCDKHTHCP	PCPAPELLGG	120
80	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 202 EXTENSIÓN: 327 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..327 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						

	> ORGANISMO, HOMO SAPIENS						
	RESIDUOS:						
5	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVDHKPS	NTKVDKRVES	KYGPPCPSCP	APEFLGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSDQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
	NVFSCSVMHE	ALHNHYTQKS	LSLSLGG				327
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 203						
	EXTENSIÓN: 324						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
15	- FUENTE, 1..324						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, NO IDENTIFICADO						
	RESIDUOS:						
20	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSNFGTQT	YTCNVDHKPS	NTKVDKTVER	KCCVECPSCP	APPVAGPSVF	120
	LFPPKPKDTL	MISRTPEVTC	VVVDVSHEDP	EVQFNWYVDG	VEVHNAKTKP	REEQFNSTFR	180
	VVSVLTVVHQ	DWLNGKEYKC	KVSNKGLPAP	IEKTISKTKG	QPREPQVYTL	PPSREEMTKN	240
	QVSLTCLVKG	FYPSDIAVEW	ESNGQPENNY	KTTTPMLDSD	GSFFLYSKLT	VDKSRWQGN	300
	VFSCSVMHEA	LHNHYTQKSL	SLSP				324
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 204						
	EXTENSIÓN: 327						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
30	- FUENTE, 1..327						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
35	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVDHKPS	NTKVDKRVES	KYGPPCPSCP	APEFLGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSDQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
	NVFSCSVMHE	ALHNHYTQKS	LSLSLGG				327
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 205						
	EXTENSIÓN: 327						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
45	- FUENTE, 1..327						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
50	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YTCNVDHKPS	NTKVDKRVES	KYGPPCPSCP	APEELGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSDQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
	NVFSCSVMHE	ALHNHYTQKS	LSLSLGG				327
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 206						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
60	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
65	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTPT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYA	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 207						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
75	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
80	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTPT	EYTCVVAVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 208						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

5	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
10	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 209
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

20	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
25	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 210
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

35	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
40	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 211
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

50	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
55	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 212
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

65	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYITREP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
70	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 213
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

80	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYITREP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
85	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 214
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
5	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYITREP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
10	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 215						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
15	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
20	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYITREP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
25	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 216						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
35	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYITREP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
40	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 217						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
45	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
50	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYITREP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
55	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 218						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
65	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYITREP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
70	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 219						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
75	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
80	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMIS RTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
85	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 220						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYA	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 221

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 222

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 223

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 224

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 225

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 226

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 227
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYA	180
STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 228
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 229
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 230
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 231
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 232

	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
5	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
10	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPKP	KDTLMISRT	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVSVLT	VDHHDWLNK	EYCKCKVSKA	LGAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPG				329
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 233						
	EXTENSIÓN: 327						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
20	- FUENTE, 1..327						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
25	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVNHPKS	NTKVDDKRVES	KYGPPCPSCP	APEFLGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LYITREPEVT	CVVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
	NVFSCSVMHE	ALHNHYTQKS	LSLSLGK				327
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 234						
	EXTENSIÓN: 327						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
35	- FUENTE, 1..327						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
40	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVNHPKS	NTKVDDKRVES	KYGPPCPSCP	APEFLGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LYITREPEVT	CVVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
	NVFSCSVMHE	ALHNHYTQKS	LSLSLGK				327
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 235						
	EXTENSIÓN: 327						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
50	- FUENTE, 1..327						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
55	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVNHPKS	NTKVDDKRVES	KYGPPCPSCP	APEFLGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LYITREPEVT	CVVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
	NVFSCSVMHE	ALHNHYTQKS	LSLSLGK				327
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 236						
	EXTENSIÓN: 326						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
65	- FUENTE, 1..326						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
70	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVNHPKS	NTKVDDKRVES	KYGPPCPSCP	APEFLGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
	NVFSCSVLHE	ALHSYTQKSL	SLSLGK				326
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 237						
	EXTENSIÓN: 327						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
80	- FUENTE, 1..327						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
85	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVNHPKS	NTKVDDKRVES	KYGPPCPSCP	APEFLGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
	NVFSCSVLHE	ALHSYTQKSL	LSLSLGK				327

	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 238						
	EXTENSIÓN: 327						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
5	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..327						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
10	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVDPKPS	NTKVDKRVES	KYGPPCPPCP	APEELGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
15	NVFSCSVLHE	ALHSHYTQKS	LSLSLGLK				327
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 239						
	EXTENSIÓN: 327						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..327						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
25	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVDPKPS	NTKVDKRVES	KYGPPCPPCP	APEFLGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVDH	HDWLNKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
30	NVFSCSVMHE	ALHSHYTQKS	LSLSLGLK				327
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 240						
	EXTENSIÓN: 327						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
35	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..327						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
40	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVDPKPS	NTKVDKRVES	KYGPPCPPCP	APEFLGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVDH	HDWLNKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
45	NVFSCSVMHE	ALHSHYTQKS	LSLSLGLK				327
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 241						
	EXTENSIÓN: 327						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..327						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
55	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVDPKPS	NTKVDKRVES	KYGPPCPPCP	APEELGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVDH	HDWLNKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
60	NVFSCSVMHE	ALHSHYTQKS	LSLSLGLK				327
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 242						
	EXTENSIÓN: 324						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
65	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..324						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
70	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSNFGTQT	YTCNVDPKPS	NTKVDKTVR	KCCVECPPCP	APPVAGPSVF	120
	LFPPKPKDTL	YITREPEVTC	VVDVSHEDP	EVQFNWYVDG	VEVHNAKTKP	REEQFNSTFR	180
	VVSVLTVVHQ	DWLNGKEYKC	KVSNKGLPAP	IEKTISKTKG	QPREPQVYTL	PPSREEMTKN	240
	QVSLTCLVKG	FYPSDIAVEW	ESNGQPENNY	KTTTPMLDSD	GSFFLYSKLT	VDKSRWQQGN	300
75	VFSCSVLHEA	LHSHYTQKSL	SLSP				324
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 243						
	EXTENSIÓN: 324						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..324						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
85	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSNFGTQT	YTCNVDPKPS	NTKVDKTVR	KCCVECPPCP	APPVAGPSVF	120
	LFPPKPKDTL	MISRTPEVTC	VVDVSHEDP	EVQFNWYVDG	VEVHNAKTKP	REEQFNSTFR	180
	VVSVLTVVHQ	DWLNGKEYKC	KVSNKGLPAP	IEKTISKTKG	QPREPQVYTL	PPSREEMTKN	240
	QVSLTCLVKG	FYPSDIAVEW	ESNGQPENNY	KTTTPMLDSD	GSFFLYSKLT	VDKSRWQQGN	300
	VFSCSVMHEA	LHNHYTQKSL	SLSP				324

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 244
EXTENSIÓN: 324
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..324
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YTCNVNHHKPS	NTKVDKTVR	KCCVECPVCP	APPVAGPSVF	120
LFPPKPKDTL	MISRTPEVTC	VVDVSHEDP	EVQFNWYVDG	VEVHNAKTKP	REEQFNSTFR	180
VVSVLTVDDH	DWLNGKEYKC	KVSNKGLPAP	IEKTISKTKG	QPREPQVYTL	PPSREEMTKN	240
QVSLTCLVKG	FYPSDIAVEW	ESNGQPENNY	KTTTPMLDSD	GSFFLYSKLT	VDKSRWQGN	300
VFSCSVMHEA	LHSHYTQKSL	SLSP				324

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 245
EXTENSIÓN: 327
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..327
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YTCNVNHHKPS	NTKVDKRVES	KYGPPCPCPC	APFELGGPSV	120
FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
RVSVLTVLH	QWLNGKEYKC	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
NVFCSCVMHE	ALHNHYTQKS	LSLSLKG				327

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 246
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFCSCV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 247
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFCSCV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 248
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFCSCV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 249
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300

	QQGNVFSCSV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 250						
5	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
10	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
15	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 251						
20	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
25	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
30	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 252						
35	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
40	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
45	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 253						
50	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
55	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
60	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 254						
65	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
70	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
75	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 255						
80	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
85	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240

	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 256						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
15	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 257						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
30	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 258						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
45	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 259						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
60	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPG				329
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 260						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
75	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPG				329
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 261						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYA	180

	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKKVSNA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPG				329
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 262						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
10	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
15	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKKVSNA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPG				329
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 263						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
25	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
30	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKKVSNA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPG				329
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 264						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
40	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
45	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKKVSNA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPG				329
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 265						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
55	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
60	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKKVSNA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPG				329
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 266						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
70	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
75	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKKVSNA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPG				329
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 267						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
85	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120

5

PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLQ	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

10

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 268

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA

> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

15

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKHTTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYA	180
STYRVVSVLQ	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

20

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 269

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA

> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

30

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKHTTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLQ	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

35

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 270

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA

> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

45

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKHTTCP	PCPAPEAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLQ	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

50

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 271

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA

> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

60

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKHTTCP	PCPAPELAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLQ	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

65

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 272

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA

> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

75

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKHTTCP	PCPAPEAAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLQ	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

80

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 273

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA

> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

85

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
------------	------------	------------	------------	------------	------------	----

5
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPEAAGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRDP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVSVLW VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 329

10
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 274
 EXTENSIÓN: 329
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

15
 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRDP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVSVLW VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 329

20
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 275
 EXTENSIÓN: 329
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

30
 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRDP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVSVLW VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 329

35
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 276
 EXTENSIÓN: 329
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

40
 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRDP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVSVLW VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 329

45
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 277
 EXTENSIÓN: 329
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

50
 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPEAAGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRDP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVSVLW VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 329

55
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 278
 EXTENSIÓN: 329
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

60
 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELAGA 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRDP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVSVLW VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 329

65
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 279
 EXTENSIÓN: 329
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

70
 RESIDUOS:

5
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPEAAGA 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRDP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLW VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 329

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 280
 EXTENSIÓN: 329
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

15 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPEAAGA 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRDP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLW VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LGAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 329

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 281
 EXTENSIÓN: 329
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

30 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLYISRDP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 329

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 282
 EXTENSIÓN: 329
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

40 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLYISRDP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 329

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 283
 EXTENSIÓN: 329
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

50 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLYISRDP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 329

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 284
 EXTENSIÓN: 329
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

60 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLYISRDP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 329

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 285
 EXTENSIÓN: 329
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..329
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

70 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLYISRDP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 329

5	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNPKPS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYISRDP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
10	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 286						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
15	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
20	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNPKPS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYISRDP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
25	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 287						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
30	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
35	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNPKPS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYISRDP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LGAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 288						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNPKPS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
50	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLQ	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 289						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNPKPS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
65	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLQ	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 290						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNPKPS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
80	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVAVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLQ	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 291						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
5	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLQ	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 292						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
15	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
20	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLQ	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 293						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
30	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
35	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLQ	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 294						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
45	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
50	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLQ	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 295						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
60	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
65	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVADN	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLR	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 296						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
75	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
80	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVADN	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLR	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 297						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

5	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVAVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVADN	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLR	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
10	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 298
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

20	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVAVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVADN	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLR	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
25	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 299
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

35	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVAVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVADN	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLR	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
40	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 300
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

50	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVAVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVADN	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLR	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
55	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 301
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

65	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVAVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVADN	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLR	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
70	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 302
EXTENSIÓN: 329
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..329
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

80	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVAVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLR	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
85	QQGNVFSCSV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 303
EXTENSIÓN: 327
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

	- FUENTE, 1..327						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
5	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVDPKPS	NTKVDKRVES	KYGPPCPSCP	APEFLGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVLH	RDWLNKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
10	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
	NVFSCSVLHE	ALHNHYTQKS	LSLSLGK				327
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 304						
	EXTENSIÓN: 327						
15	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..327						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
20	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVDPKPS	NTKVDKRVES	KYGPPCPSCP	APEFLGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVLH	RDWLNKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
25	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
	NVFSCSVLHE	ALHNHYTQKS	LSLSLGK				327
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 305						
	EXTENSIÓN: 327						
30	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..327						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
35	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTKT	YTCNVDPKPS	NTKVDKRVES	KYGPPCPSCP	APEELGGPSV	120
	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY	180
	RVVSVLTVLH	RDWLNKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSQEEMTK	240
40	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	300
	NVFSCSVLHE	ALHNHYTQKS	LSLSLGK				327
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 306						
	EXTENSIÓN: 324						
45	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..324						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
50	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSNFGTQT	YTCNVDPKPS	NTKVDKTVES	KCCVECPSCP	APPVAGPSVF	120
	LFPPKPKDTL	MISRTPEVTC	VVVDVSHEDP	EVQFNWYVDG	VEVHNAKTKP	REEQFNSTFR	180
	VVSVLTVVHR	DWLNKEYK	KVSNKGLPAP	IEKTISKTKG	QPREPQVYTL	PPSREEMTKN	240
55	QVSLTCLVKG	FYPSDIAVEW	ESNGQPENNY	KTTTPMLDSD	GSFFLYSKLT	VDKSRWQQGN	300
	VFSCSVLHEA	LHNHYTQKSL	SLSP				324
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 307						
	EXTENSIÓN: 329						
60	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
65	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTVCVVDS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYA	180
	STYRVVSVLT	VLHRDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
70	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSVCSV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 308						
	EXTENSIÓN: 329						
75	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..329						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
80	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTVCVVAVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHRDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
85	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSVCSV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 309						
	EXTENSIÓN: 329						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHRDWLNGK	EYCKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 310

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHRDWLNGK	EYCKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 311

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHRDWLNGK	EYCKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 312

EXTENSIÓN: 329

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..329
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHRDWLNGK	EYCKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPG				329

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 313

EXTENSIÓN: 5

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..5
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

GYMH						5
------	--	--	--	--	--	---

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 314

EXTENSIÓN: 5

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..5
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

GYWS						5
------	--	--	--	--	--	---

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 315

EXTENSIÓN: 5

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..5
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

GYMH						5
------	--	--	--	--	--	---

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 316

EXTENSIÓN: 5

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	GYMH	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 317	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	GYMH	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 318	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	AYMH	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 319	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	AYMH	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 320	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	AYMH	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 321	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	AYMH	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 322	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	AYIH	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 323	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	AYIH	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 324	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	GYLH	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 325	

EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYLH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 326
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYMH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 327
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYMH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 328
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYLH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 329
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYLH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 330
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYMH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 331
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYMH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 332
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYMH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 333
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYMH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 334
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
AYYIH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 335
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
AYYIH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 336
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYMH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 337
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYMH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 338
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYMH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 339
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
AYMH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 340
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
AYMH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 341
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
AYYLH

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 342
EXTENSIÓN: 5
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..5
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
AYYLH

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 343 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: GYFIH	5
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 344 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: AYYMH	5
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 345 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: AYYMH	5
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 346 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: AYYIH	5
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 347 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: AYYIH	5
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 348 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: AYYIH	5
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 349 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: AYYIH	5
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 350 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: AYYMH	5
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 351 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	

	AYYMH	5
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 352 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: GYIHH	5
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 353 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: GYMH	5
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 354 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GYMH	5
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 355 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: GYMH	5
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 356 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GYMH	5
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 357 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GYFIH	5
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 358 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GYMH	5
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 359 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: GYMH	5
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 360 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: GYMH	5
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 361 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYMH	5
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 362 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYFMH	5
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 363 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYFMH	5
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 364 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYMH	5
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 365 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYMH	5
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 366 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYMQ	5
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 367 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYMQ	5
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 368 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYLH	5
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 369 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYLH	5
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 370 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: AYYMH	5
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 371 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: AYYMH	5
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 372 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYMH	5
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 373 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYMH	5
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 374 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYMH	5
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 375 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYMH	5
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 376 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYMH	5
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 377 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYMH	5
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 378 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GYIYH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 379	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: GYIYH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 380	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: AAYMH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 381	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: AAYMH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 382	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: GYMH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 383	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: GYMH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 384	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: GYMH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 385	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: GYMH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 386	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: GYMH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 387	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: AYYLH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 388 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: AYYLH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 389 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: AYYMH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 390 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: AYYMH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 391 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: GYMH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 392 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: GYMH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 393 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: AYYLH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 394 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: AYYLH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 395 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: GYMH	5
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 396 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	5
	GYMH	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 397	
10	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	5
	GYIH	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 398	
20	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	5
	GYMH	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 399	
30	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	5
	AYIH	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 400	
40	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	5
	GYFMH	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 401	
50	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	5
	GYMH	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 402	
60	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	5
	GYMH	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 403	
70	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	5
	GYMH	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 404	
80	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	5
	GYMH	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 405	
	EXTENSIÓN: 5	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	GYMH	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 406	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	AYMH	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 407	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	AYIH	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 408	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	GYIH	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 409	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	GYMH	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 410	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	GYMH	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 411	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	AYIH	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 412	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	GYMH	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 413	
	EXTENSIÓN: 5	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..5	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	5
	AYIH	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 414	

5	EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GYYMH	5
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 415 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GYYMH	5
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 416 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GYYMH	5
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 417 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GYYMH	5
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 418 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RYGMN	5
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 419 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RYGMN	5
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 420 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GYYMH	5
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 421 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: VYYMH	5
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 422 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RYGMN	5
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 423 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RYGMN	5
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 424 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RYGMN	5
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 425 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RYGMN	5
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 426 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RYGMN	5
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 427 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RYGMN	5
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 428 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: WINPKSGGTI YAQKFQG	17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 423
EXTENSIÓN: 16
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..16
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
EITHSGITNY NPSLES

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 424
EXTENSIÓN: 17
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..17
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
WINPNSGGTN YAQNFQG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 425
EXTENSIÓN: 17
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..17
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
WINPKSGGTN YAQNFQG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 426
EXTENSIÓN: 17
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..17
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
WINPNSGGTN YAQKFQG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 427
EXTENSIÓN: 17
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..17
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
WINPNSGGTN YAQSFQG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 428
EXTENSIÓN: 17
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..17
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
WINPKSGGTN YAQSFQG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 429
EXTENSIÓN: 17
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..17
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
WINPNSGGTN YAQQFQG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 430
EXTENSIÓN: 17
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..17
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
WINPKSGGTN YAQQFQG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 431
EXTENSIÓN: 17
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..17
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
WINPNSGGTN YAQKFQG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 432
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPKSGGTN YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 433
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPNSGGTN FAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 434
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPKSGGTN FAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 435
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPNSGGTN YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 436
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPKSGGTN YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 437
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPNSGGTN YAQRFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 438
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPKSGGTN YAQRFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 439
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPKSGGTI YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 440
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:

	WINPKSGGTN YAQKFQG	17
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 441 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: WINPKSGGTS YAQKFQG	17
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 442 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQKFQG	17
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 443 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: WINPNSGGTN YAQNFQG	17
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 444 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQNFQG	17
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 445 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQNFQG	17
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 446 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: WINPNSGGTN YAQKFQG	17
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 447 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQKFQG	17
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 448 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: WINPNSGGTK YAQKFQG	17
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 449 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: WINPKSGGTK YAQKFQG	17
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 450 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WINPNSGGTN YAQKFQG	17
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 451 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQKFQG	17
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 452 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQKFQD	17
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 453 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WINPNSGGTK YAQKFQG	17
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 454 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WINPKSGGTK YAQKFQG	17
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 455 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WINPNSGGTS SAQKFQG	17
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 456 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WINPKSGGTS SAQKFQG	17
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 457 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WVNPNSGGTN YAQSFQG	17
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 458 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WVNPKSGGTN YAQSFQG	17
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 459 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WINPNSGGTK YAQKFQG	17
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 460 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WINPKSGGTK YAQKFQG	17
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 461 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQKFQG	17
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 462 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WINPNSGGTN YAQKFQG	17
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 463 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQKFQG	17
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 464 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WIHPNSGGTN SAQKFQG	17
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 465 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WIHPKSGGTN TAQKFQG	17
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 466 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQKFQG	17
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 467 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: WINPNSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 468 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 469 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: WINPNSGGPN YAQKFQD	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 470 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: WINPKSGGPN YAQKFQD	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 471 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: WINPNSGGTN YAQRFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 472 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQRFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 473 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: WINPNSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 474 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 475 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: WINPNSGGTI YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 476 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: WINPKSGGTI YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 477 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: WIKPNSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 478 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: WIKPNSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 479 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: WVNPNSGGTN YAQNFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 480 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: WVNPNSGGTN YAQNFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 481 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: WINPNSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 482 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 483 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: WINPNSGGTN YAQRFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 484 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: WINPKSGGTN YAQRFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 485 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	
	WIKPNSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 486	
10	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	
	WIKPKSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 487	
20	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	
	WINPNSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 488	
30	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	
	WINPKSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 489	
40	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	
	WINPNSGGTK YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 490	
50	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	
	WINPKSGGTK YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 491	
60	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	
	WINPNSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 492	
70	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	
	WINPNSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 493	
80	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	
	WINPKSGGTN YAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 494	
	EXTENSIÓN: 17	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPNSGATN FAQKFQG	17
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 495	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPKSGATN FAQKFQG	17
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 496	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPNSGGTN YAQKFQD	17
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 497	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPKSGGTN YAQKFQD	17
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 498	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPNSGGTK YAQKFQG	17
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 499	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPKSGGTN YAQKFQG	17
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 500	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPKSGGTN YAQKFQG	17
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 501	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPKSGGTN YAQKFQG	17
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 502	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPNSGGTS SAQKFQG	17
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 503	

	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
5	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPKSGGTS SAQKFQG	17
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 504	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
15	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPNSGGTH YAQKFQG	17
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 505	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
25	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPKSGGTH YAQKFQG	17
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 506	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
35	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPNSGGTN YAQRFQG	17
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 507	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
45	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPKSGGTI YAQKFQG	17
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 508	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
55	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPNSGGTN YAQKFQG	17
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 509	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
65	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPKSGGTN YAQKFQG	17
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 510	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
75	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPNSGGTK YAQKFQG	17
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 511	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
85	- FUENTE, 1..17	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	WINPNSGGTN YAQKFQG	17

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 512
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPNSGGTN YAQKFQG 17

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 513
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 15 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 20 WINPNSGGTK YSQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 514
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 25 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 30 WINPNSGGTN YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 515
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 35 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 40 WINPNSGGTN YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 516
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 45 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 50 WINPNSGGTN YAQKFQD 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 517
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 55 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 60 WINPNSGGTK YAQKFHG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 518
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 65 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 70 WINPNSGGTN YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 519
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 75 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 80 WINPNSGGTN YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 520
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 85 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPNSGGTN YAQRFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 521
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPKSGGTN YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 522
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPNSGGTS SAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 523
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPNSGGTN YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 524
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPNSGGTK YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 525
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPKSGGTN YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 526
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINTNTGNPT YAQDFTG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 527
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPKSGGTI YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 528
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 WINPNSGGTN YAQKFQG 17

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 529
 EXTENSIÓN: 17
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..17
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:

	WINTNTGNPT YAQFTG	17
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 530 EXTENSIÓN: 17 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..17 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: WINTNTGNPT YAQFTG	17
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 531 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: GGSFADFID	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 532 EXTENSIÓN: 15 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..15 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GQVGTDDYYY FYMDV	15
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 533 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: GGSFADFID	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 534 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GGSFADFID	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 535 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GGSFADFID	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 536 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GGSFADFID	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 537 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: GGSFADFID	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 538 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 539 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 540 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 541 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 542 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 543 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 544 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 545 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 546 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 547 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 548 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 549 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 550 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 551 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 552 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 553 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 554 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 555 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 556 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 557	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 558	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 559	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 560	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 561	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 562	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 563	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 564	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 565	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 566 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 567 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 568 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 569 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 570 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 571 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 572 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 573 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 574 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	
	GGSYDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 575	
10	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	
	GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 576	
20	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	
	GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 577	
30	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	
	GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 578	
40	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	
	GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 579	
50	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	
	GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 580	
60	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	
	GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 581	
70	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	
	GGSFDAFDI	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 582	
80	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	
	GGSFDAFDV	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 583	
	EXTENSIÓN: 9	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	9
	GGSFDAFDV	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 584	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	9
	GGSFDAFDI	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 585	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	9
	GGSFDAFDI	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 586	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	9
	GGSYDAFDI	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 587	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	9
	GGSYDAFDI	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 588	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	9
	GGSFDAFDI	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 589	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	9
	GGSFDAFDI	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 590	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	9
	GGSFDAFDI	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 591	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	9
	GGSFDAFDI	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 592	

EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSFADFID

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 593
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSFADFID

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 594
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSYADFID

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 595
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSYADFID

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 596
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSFADFID

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 597
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSFADFID

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 598
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSYADFID

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 599
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSYADFID

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 600
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSFADFID

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 601
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSYDAFDI

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 602
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSYDAFDI

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 603
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSFDAFDI

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 604
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSFDAFDI

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 605
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSYDAFDI

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 606
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSYDAFDI

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 607
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSYDAFDI

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 608
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSYDAFDI

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 609
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GGSYDAFDI

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 610 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 611 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 612 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 613 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 614 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 615 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 616 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 617 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 618 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS:	

	GGSFDAFDI	9
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 619 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 620 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 621 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 622 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 623 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 624 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GGSIDAFDI	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 625 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 626 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 627 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: GGSFDAFDV	9
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 628 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 629 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 630 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 631 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 632 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 633 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSYDAFDI	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 634 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 635 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: DNWNYVSDY	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 636 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 637 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFDAFDI	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 638 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: DNWNYDFDY	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 639 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: DNWNYDL DY	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 640 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQISRYL Y	11
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 641 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQSIRRYL N	11
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 642 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQISRYL N	11
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 643 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQISRYL N	11
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 644 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQISSYL N	11
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 645 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: RASQISRYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 646	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: RASQISRYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 647	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: RASQISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 648	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: RASQISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 649	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: RASQISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 650	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: RASQISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 651	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: RASQISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 652	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: RASQISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 653	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: RASQISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 654	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

- FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 5 RESIDUOS: 11
 RASQSISSYL N

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 655
 EXTENSIÓN: 11
 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 15 RESIDUOS: 11
 RASQSISSYL N

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 656
 EXTENSIÓN: 11
 20 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 25 RESIDUOS: 11
 RASQSISSYL N

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 657
 EXTENSIÓN: 11
 30 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 35 RESIDUOS: 11
 RASQSISSYL N

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 658
 EXTENSIÓN: 11
 40 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 45 RESIDUOS: 11
 RASQSISSYL N

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 659
 EXTENSIÓN: 11
 50 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 55 RESIDUOS: 11
 RASQSISSYL N

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 660
 EXTENSIÓN: 11
 60 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 65 RESIDUOS: 11
 RASQSISSYL N

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 661
 EXTENSIÓN: 11
 70 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 75 RESIDUOS: 11
 QASQDISNYL N

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 662
 EXTENSIÓN: 11
 80 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 85 RESIDUOS: 11
 QASQDISNYL N

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 663
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	
	RASQGISRYL H	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 664	
10	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 665	
20	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 666	
30	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 667	
40	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 668	
50	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 669	
60	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 670	
70	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 671	
80	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 672	
	EXTENSIÓN: 11	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 673	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 674	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 675	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 676	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 677	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 678	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 679	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 680	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 681	

	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
5	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 682	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
15	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 683	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
25	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 684	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
35	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 685	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
45	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 686	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
55	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 687	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
65	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 688	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
75	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 689	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
85	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	RASQSISSYL N	11

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 690
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 10 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 691
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 15 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 20 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 692
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 25 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 30 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 693
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 35 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 40 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 694
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 45 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 50 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 695
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 55 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 60 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 696
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 65 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 70 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 697
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 75 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 80 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 698
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 85 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 RASQSISSYL N 11

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 699
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 10 RESIDUOS:
 RASQTISSYL N 11

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 700
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 20 RESIDUOS:
 RASQTISSYL N 11

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 701
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 30 RESIDUOS:
 RASQSISKYL I 11

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 702
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 40 RESIDUOS:
 RASQSISKYL I 11

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 703
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 50 RESIDUOS:
 RASQSISSYL N 11

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 704
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 60 RESIDUOS:
 RASQSISSYL N 11

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 705
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 70 RESIDUOS:
 RASQSISSYL N 11

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 706
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 80 RESIDUOS:
 RASQSISSYL N 11

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 707
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:

	RASLSISSYL N	11
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 708 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: RASLSISSYL N	11
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 709 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 710 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: RSSQSISSYL N	11
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 711 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: RSSQSISSYL N	11
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 712 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: RASRSISSYL N	11
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 713 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: RASRSISSYL N	11
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 714 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: RASQSINSYL N	11
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 715 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: RASQSIQSYL N	11
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 716 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 717 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 718 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RASQSINSYL Y	11
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 719 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RASQSIQSYL Y	11
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 720 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 721 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 722 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RASLSISSYL N	11
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 723 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RASLSISSYL N	11
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 724 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 725 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQTISRYL N	11
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 726 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQTISRYL N	11
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 727 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 728 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 729 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 730 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 731 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 732 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 733 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 734 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 5 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 735
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 10 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 15 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 736
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 20 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 25 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 737
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 30 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 35 RASQSISSFL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 738
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 40 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 45 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 739
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 50 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 55 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 740
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 60 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 65 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 741
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 70 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 75 RASQSISSYL N 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 742
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 80 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 85 RASQSISSYL Y 11
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 743
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

	- FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: QASQDISNYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 744 EXTENSIÓN: 12 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..12 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: RASQSVSDSY LA	12
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 745 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 746 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: RASQSISSYL N	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 747 EXTENSIÓN: 16 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..16 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: KSSQSLVHSD GNTYLS	16
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 748 EXTENSIÓN: 16 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..16 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: RSSQSLVHSD GNTYLS	16
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 749 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: GASSLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 750 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: AASSLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 751 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: GASSVQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 752 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	7
	GASSVQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 753	
10	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	7
	GASSLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 754	
20	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	7
	GASSVQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 755	
30	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	7
	GASSVQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 756	
40	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 757	
50	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 758	
60	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	7
	GASSLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 759	
70	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	7
	GASSLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 760	
80	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 761	
	EXTENSIÓN: 7	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 762	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 763	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 764	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 765	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 766	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 767	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 768	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 769	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 770	

	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
5	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GASSLQS	7
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 771	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
15	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GASSLQS	7
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 772	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
25	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GASSLQS	7
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 773	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
35	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GASRLQS	7
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 774	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
45	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GASRLQS	7
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 775	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
55	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GASRLQS	7
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 776	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
65	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GASRLQS	7
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 777	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
75	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GASSVQS	7
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 778	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
85	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GASSVQS	7

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 779
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GASRLQS

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 780
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GASRLQS

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 781
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GASRLQS

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 782
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GASRLQS

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 783
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GASRLQS

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 784
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GASSLQS

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 785
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GASSLQS

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 786
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GASSLQS

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 787
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GASSLQS

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 788
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 10 RESIDUOS:
 GASSLQS 7

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 789
 EXTENSIÓN: 7
 15 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 20 RESIDUOS:
 GASSLQS 7

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 790
 EXTENSIÓN: 7
 25 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 30 RESIDUOS:
 GASSLQS 7

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 791
 EXTENSIÓN: 7
 35 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 40 RESIDUOS:
 GASRLQS 7

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 792
 EXTENSIÓN: 7
 45 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 50 RESIDUOS:
 GASRLQS 7

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 793
 EXTENSIÓN: 7
 55 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 60 RESIDUOS:
 GASSVQS 7

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 794
 EXTENSIÓN: 7
 65 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 70 RESIDUOS:
 GASRLQS 7

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 795
 EXTENSIÓN: 7
 75 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 80 RESIDUOS:
 GASRLQS 7

 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 796
 EXTENSIÓN: 7
 85 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:

	GTSRLQS	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 797 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: GTSRLQS	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 798 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: GASRLQS	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 799 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GASRLQS	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 800 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: GASRLQS	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 801 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GASRLQS	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 802 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GASRLQS	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 803 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GASRLQS	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 804 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: GASRLQS	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 805 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: GASRLQS	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 806 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASSLQS	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 807 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASSLQS	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 808 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASSLQS	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 809 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASSLQS	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 810 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASSLQS	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 811 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASSLQS	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 812 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASRLQS	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 813 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASRLQS	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 814 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASRLQS	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 815 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASRLQS	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 816 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASSLQS	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 817 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASSLQS	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 818 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASSLQS	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 819 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASSLQS	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 820 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASSLQS	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 821 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASRLQT	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 822 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GASRLQT	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 823 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GASSLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 824 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: GASSLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 825 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: GASRLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 826 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: GASRLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 827 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: GASSLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 828 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: GASSLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 829 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: GASSLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 830 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: GASSLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 831 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: GASSLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 832 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GASSLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 833 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: GASRLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 834 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: GASSLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 835 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: GASSLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 836 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: GASRLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 837 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: GASRLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 838 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: GASSVQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 839 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: GASSLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 840 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: GASRLQS	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 841 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 842	
10	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 843	
20	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 844	
30	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 845	
40	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 846	
50	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 847	
60	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 848	
70	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 849	
80	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 850	
	EXTENSIÓN: 7	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 851	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	AASSLQS	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 852	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	AASSLQT	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 853	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GASSRAT	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 854	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GASSLQS	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 855	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GASRLQS	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 856	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	KISNRFS	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 857	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	KISNRFS	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 858	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	9
	QQGFSAPLT	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 859	

5	EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQSYRTIT	8
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 860 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGDSSPFT	9
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 861 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGDSSPFT	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 862 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 863 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 864 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGDSSPFT	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 865 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGDSSPFT	9
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 866 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGDSSPFT	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 867 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 868 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 869 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 870 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 871 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 872 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 873 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: QQGDSTPFT	9

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 868
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 869
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 870
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 871
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 872
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 873
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
QQGDSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 874
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
QQGDSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 875
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
QQGHSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 876
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
QQGDSTPFT

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 877 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 878 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 879 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 880 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 881 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: QQGFSTPFT	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 882 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: QQGSPPFT	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 883 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: QQGSPPFT	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 884 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 885 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS:	

	QQGYSSPFT	9
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 886 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: QQGDSSPFT	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 887 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: QQGDSSPFT	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 888 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 889 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 890 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 891 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 892 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 893 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 894 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 895 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 896 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 897 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 898 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 899 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 900 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSPFT	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 901 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSPFT	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 902 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSPFT	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 903 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 904 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 905 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 906 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 907 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 908 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 909 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDNTPFT	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 910 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDNTPFT	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 911 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 912 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 913	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 914	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 915	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 916	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 917	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 918	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 919	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 920	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 921	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 922 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 923 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 924 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 925 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 926 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 927 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 928 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 929 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 930 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	
	QQGYSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 931	
10	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
15	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	QQGYSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 932	
20	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
25	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	QQGYSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 933	
30	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
35	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	QQGYSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 934	
40	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
45	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	QQGDNPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 935	
50	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
55	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	QQGDNPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 936	
60	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
65	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	QQGYSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 937	
70	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
75	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	QQGYSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 938	
80	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
85	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 939	
	EXTENSIÓN: 9	

TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 940
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGHSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 941
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGHSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 942
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGYSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 943
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQSYSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 944
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGYSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 945
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 946
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGYSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 947
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGDSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 948

EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGYSTLFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 949
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGYSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 950
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGYSNPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 951
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGFSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 952
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGYSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 953
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGYSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 954
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 955
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 956
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QOGHSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 957
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGHSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 958
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGHSTPIT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 959
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGYSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 960
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGYDTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 961
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 962
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQYGTSPIT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 963
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQAQSFPLT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 964
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGYSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 965
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
MQVTQFPIT

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 966
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 10 RESIDUOS:
 MQATQFPIT 7

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 967
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 20 RESIDUOS:
 GYTFTGY 7

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 968
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 30 RESIDUOS:
 GGSFSGY 7

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 969
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 40 RESIDUOS:
 GYTFTGY 7

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 970
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 50 RESIDUOS:
 GYTFTGY 7

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 971
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 60 RESIDUOS:
 GYTFTGY 7

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 972
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 70 RESIDUOS:
 GYTFTAY 7

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 973
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 80 RESIDUOS:
 GYTFTAY 7

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 974
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:

	GYTFTAY	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 975 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: GYTFTAY	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 976 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: GYTFTAY	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 977 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GYTFTAY	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 978 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: GYTFTGY	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 979 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GYTFTGY	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 980 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GYTFTGY	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 981 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GYTFTGY	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 982 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: GYTFTGY	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 983 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: GYTFTGY	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 984 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 985 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 986 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 987 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 988 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 989 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 990 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 991 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 992 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 993 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 994 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 995 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 996 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 997 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 998 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 999 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1000 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1001 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GYTFTAY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1002	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: GYTFTAY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1003	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: GYTFTAY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1004	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: GYTFTAY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1005	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: GYTFTAY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1006	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: GYTFTGY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1007	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: GYTFTGY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1008	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: GYTFTGY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1009	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: GYTFTGY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1010	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GYTFTGY	7
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1011 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: GYTFTGY	7
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1012 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: GYTFTGY	7
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1013 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: GYTFTGY	7
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1014 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: GYTFTGY	7
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1015 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: GYTFTGY	7
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1016 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: GYTFTGY	7
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1017 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: GYTFTGY	7
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1018 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: GYTFTGY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1019 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1020	
10	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1021	
20	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1022	
30	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1023	
40	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1024	
50	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	7
	GYTFTAY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1025	
60	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	7
	GYTFTAY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1026	
70	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1027	
80	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1028	
	EXTENSIÓN: 7	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1029	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1030	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1031	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1032	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1033	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1034	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GYTFTAY	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1035	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GYTFTAY	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1036	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GYTFTGY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1037	

EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1038
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1039
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1040
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1041
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTAY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1042
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTAY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1043
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTAY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1044
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTAY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1045
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1046
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1047
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTAY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1048
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTAY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1049
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1050
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1051
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1052
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1053
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTAY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1054
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGY

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1055
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 10 RESIDUOS:
 GYTFTGY 7

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1056
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 20 RESIDUOS:
 GYTFTGY 7

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1057
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 30 RESIDUOS:
 GYTFTGY 7

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1058
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 40 RESIDUOS:
 GYTFNGY 7

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1059
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 50 RESIDUOS:
 GYTFTGY 7

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1060
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 60 RESIDUOS:
 GYTFTAY 7

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1061
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 70 RESIDUOS:
 GYTFTAY 7

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1062
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 80 RESIDUOS:
 GYTFTGY 7

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1063
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:

	GYTFTGY	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1064 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: GYTFTGY	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1065 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: GYTFTAY	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1066 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GYTFTGY	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1067 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: GYTFTAY	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1068 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GYTFTGY	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1069 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GYTFTGY	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1070 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GYTFTGY	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1071 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: GYTFTRY	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1072 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: GYTFTGY	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1073 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTVY	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1074 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTRY	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1075 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTTY	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1076 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPKSGG	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1077 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: THSGI	5
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1078 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1079 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPKSGG	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1080 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1081 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1082 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPKSGG	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1083 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1084 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPKSGG	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1085 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1086 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPKSGG	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1087 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1088 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPKSGG	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1089 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1090 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: NPKSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1091	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: NPNSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1092	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: NPKSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1093	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: NPKSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1094	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: NPKSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1095	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: NPKSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1096	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: NPKSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1097	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: NPNSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1098	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: NPKSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1099	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: NPKSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1100 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: NPNSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1101 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: NPKSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1102 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: NPNSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1103 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: NPKSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1104 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: NPNSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1105 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: NPKSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1106 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: NPKSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1107 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: NPNSGG	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1108 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	6
	NPKSGG	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1109	
10	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
15	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	6
	RESIDUOS:	
	NPNSGG	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1110	
20	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
25	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	6
	RESIDUOS:	
	NPKSGG	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1111	
30	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
35	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	6
	RESIDUOS:	
	NPNSGG	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1112	
40	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
45	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	6
	RESIDUOS:	
	NPKSGG	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1113	
50	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
55	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	6
	RESIDUOS:	
	NPNSGG	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1114	
60	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
65	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	6
	RESIDUOS:	
	NPKSGG	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1115	
70	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
75	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	6
	RESIDUOS:	
	NPKSGG	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1116	
80	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
85	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	6
	RESIDUOS:	
	NPNSGG	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1117	
	EXTENSIÓN: 6	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	NPKSGG	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1118	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	HPNSGG	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1119	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	HPKSGG	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1120	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	NPKSGG	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1121	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	NPNSGG	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1122	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	NPKSGG	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1123	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	NPNSGG	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1124	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	NPKSGG	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1125	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	NPNSGG	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1126	

EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 NPKSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1127
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 NPNSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1128
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 NPKSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1129
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 NPNSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1130
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 NPKSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1131
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 KPNSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1132
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 KPKSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1133
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 NPNSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1134
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 NPKSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1135
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
NPNSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1136
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
NPKSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1137
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
NPNSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1138
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
NPKSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1139
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
KPNSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1140
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
KPKSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1141
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
NPNSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1142
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
NPKSGG

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1143
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
NPNSGG

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1144 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: NPKSGG	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1145 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: NPNSGG	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1146 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: NPNSGG	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1147 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: NPKSGG	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1148 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: NPNSGA	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1149 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: NPKSGA	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1150 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: NPNSGG	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1151 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: NPKSGG	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1152 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	

	NPNSGG	6
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1153 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: NPKSGG	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1154 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: NPKSGG	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1155 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: NPKSGG	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1156 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: NPNSGG	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1157 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: NPKSGG	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1158 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: NPNSGG	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1159 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: NPKSGG	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1160 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: NPNSGG	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1161 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: NPKSGG	6
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1162 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: NPNSGG	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1163 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: NPKSGG	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1164 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: NPNSGG	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1165 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: NPNSGG	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1166 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: NPNSGG	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1167 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: NPNSGG	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1168 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: NPNSGG	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1169 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: NPNSGG	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1170 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1171 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1172 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1173 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1174 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1175 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPKSGG	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1176 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1177 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1178 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: NPNSGG	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1179 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: NPKSGG	6
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1180 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: NTNTGN	6
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1181 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: NPKSGG	6
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1182 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: NPNSGG	6
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1183 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: NTNTGN	6
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1184 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: NTNTGN	6
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1185 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: GSFADF	7
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1186 EXTENSIÓN: 13 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..13 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: QVGTTDYYYF YMD	13
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1187 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: GSFADF	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1188 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1189 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1190 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1191 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1192 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1193 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1194 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1195 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1196 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1197 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	
	GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1198	
10	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	
	GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1199	
20	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	
	GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1200	
30	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	
	GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1201	
40	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	
	GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1202	
50	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	
	GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1203	
60	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	
	GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1204	
70	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	
	GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1205	
80	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	
	GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1206	
	EXTENSIÓN: 7	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GSFDAFD	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1207	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GSFDAFD	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1208	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GSFDAFD	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1209	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GSYDAFD	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1210	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GSYDAFD	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1211	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GSYDAFD	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1212	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GSYDAFD	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1213	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GSFDAFD	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1214	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	GSFDAFD	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1215	

	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
5	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GSYDAFD	7
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1216	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
15	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GSYDAFD	7
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1217	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
25	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GSYDAFD	7
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1218	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
35	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GSFDAFD	7
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1219	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
45	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GSFDAFD	7
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1220	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
55	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GSFDAFD	7
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1221	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
65	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GSFDAFD	7
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1222	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
75	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GSFDAFD	7
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1223	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
85	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GSFDAFD	7

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1224
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
GSYDAFD

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1225
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
GSYDAFD

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1226
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
GSYDAFD

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1227
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
GSYDAFD

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1228
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
GSYDAFD

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1229
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
GSFDAFD

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1230
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
GSFDAFD

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1231
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
GSFDAFD

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1232
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
GSFDAFD

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1233
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 10 RESIDUOS:
 GSFDAFD 7

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1234
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 20 RESIDUOS:
 GSFDAFD 7

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1235
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 30 RESIDUOS:
 GSFDAFD 7

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1236
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 40 RESIDUOS:
 GSFDAFD 7

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1237
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 50 RESIDUOS:
 GSFDAFD 7

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1238
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 60 RESIDUOS:
 GSFDAFD 7

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1239
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 70 RESIDUOS:
 GSFDAFD 7

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1240
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 80 RESIDUOS:
 GSYDAFD 7

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1241
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:

	GSYDAFD	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1242 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: GSFDAFD	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1243 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: GSFDAFD	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1244 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GSFDAFD	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1245 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: GSFDAFD	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1246 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GSFDAFD	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1247 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GSFDAFD	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1248 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GSYDAFD	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1249 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: GSYDAFD	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1250 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: GSFDAFD	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1251 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSFDAFD	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1252 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSYDAFD	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1253 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSYDAFD	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1254 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSFDAFD	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1255 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSYDAFD	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1256 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSYDAFD	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1257 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSFDAFD	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1258 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSFDAFD	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1259 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSYDAFD	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1260 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSYDAFD	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1261 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSYDAFD	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1262 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSYDAFD	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1263 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSYDAFD	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1264 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSYDAFD	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1265 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSFDAFD	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1266 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSFDAFD	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1267 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSFDAFD	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1268 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1269	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1270	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1271	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1272	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1273	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1274	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1275	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1276	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1277	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1278 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: GSIDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1279 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1280 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1281 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1282 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1283 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1284 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1285 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1286 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	
	GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1287	
	EXTENSIÓN: 7	
10	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	
	GSYDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1288	
	EXTENSIÓN: 7	
20	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	
	GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1289	
	EXTENSIÓN: 7	
30	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	
	NWNYVSD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1290	
	EXTENSIÓN: 7	
40	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	
	GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1291	
	EXTENSIÓN: 7	
50	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	
	GSFDAFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1292	
	EXTENSIÓN: 7	
60	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	
	NWNYDFD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1293	
	EXTENSIÓN: 7	
70	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	
	NWNYDLD	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1294	
	EXTENSIÓN: 7	
80	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	
	SQ\$ISRY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1295	
	EXTENSIÓN: 7	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSIRRY	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1296	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSIERY	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1297	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSIERY	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1298	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSIERY	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1299	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSIERY	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1300	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSIERY	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1301	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSIERY	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1302	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSIERY	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1303	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSIERY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1304	

EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1305
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1306
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1307
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1308
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1309
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1310
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1311
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1312
 EXTENSIÓN: 7
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..7
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1313
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1314
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1315
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
SQDISNY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1316
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
SQDISNY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1317
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
SQGISRY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1318
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1319
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1320
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
SQSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1321
EXTENSIÓN: 7
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..7
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
SQSISSY

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1322 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: SQSISRY	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1323 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: SQSISRY	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1324 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: SQSISSY	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1325 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: SQSISSY	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1326 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: SQSISSY	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1327 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: SQSISSY	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1328 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: SQSISSY	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1329 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: SQSISSY	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1330 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	

	SQSISSY	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1331 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: SQSISSY	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1332 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: SQSISSY	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1333 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: SQSISSY	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1334 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: SQSISSY	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1335 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: SQSISSY	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1336 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: SQSISSY	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1337 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: SQSISSY	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1338 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: SQSISRY	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1339 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: SQSISSY	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1340 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISSY	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1341 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISNY	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1342 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISNY	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1343 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISSY	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1344 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISSY	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1345 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISSY	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1346 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISSY	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1347 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISSY	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1348 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISSY	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1349 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISSY	7
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1350 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISSY	7
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1351 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISSY	7
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1352 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISSY	7
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1353 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQTISSY	7
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1354 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQTISSY	7
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1355 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISKY	7
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1356 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: SQSISKY	7
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1357 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: SQSISSY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1358	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: SQSISSY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1359	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: SQSISSY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1360	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: SQSISSY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1361	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: SLSISSY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1362	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: SLSISSY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1363	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: SQSISSY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1364	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: SQSISSY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1365	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: SQSISSY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1366	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: SRSISSY	7
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1367 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: SRSISSY	7
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1368 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: SQSINSY	7
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1369 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: SQSIQSY	7
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1370 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: SQSISSY	7
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1371 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: SQSISSY	7
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1372 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: SQSINSY	7
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1373 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: SQSIQSY	7
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1374 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: SQSISSY	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1375 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	7
	SQSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1376	
10	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	7
	SLSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1377	
20	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	7
	SLSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1378	
30	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	7
	SQSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1379	
40	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	7
	SQTISRY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1380	
50	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	7
	SQTISRY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1381	
60	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	7
	SQSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1382	
70	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	7
	SQSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1383	
80	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	7
	SQSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1384	
	EXTENSIÓN: 7	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQISRY	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1385	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQISSY	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1386	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQISSY	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1387	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQISSY	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1388	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQISSY	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1389	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQISRY	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1390	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQISSY	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1391	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQISSF	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1392	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..7	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1393	

	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
5	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSISSY	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1394	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
15	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSISSY	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1395	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
25	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSISSY	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1396	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
35	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSISSY	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1397	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
45	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQDISNY	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1398	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
55	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	SQSVSDSY	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1399	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
65	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSISSY	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1400	
	EXTENSIÓN: 7	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
75	- FUENTE, 1..7	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	7
	SQSISSY	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1401	
	EXTENSIÓN: 12	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
85	- FUENTE, 1..12	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	SQSLVHSDGN TY	

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1402
EXTENSIÓN: 12
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..12
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
RESIDUOS:
10 SQLVHSDGN TY 12
IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1403
RESIDUOS:
000
15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1404
RESIDUOS:
000
20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1405
RESIDUOS:
000
25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1406
RESIDUOS:
000
30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1407
RESIDUOS:
000
35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1408
RESIDUOS:
000
40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1409
RESIDUOS:
000
45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1410
RESIDUOS:
000
50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1411
RESIDUOS:
000
55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1412
RESIDUOS:
000
60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1413
RESIDUOS:
000
65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1414
RESIDUOS:
000
70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1415
RESIDUOS:
000
75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1416
RESIDUOS:
000
80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1417
RESIDUOS:
000
85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1418
RESIDUOS:
000

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1419
RESIDUOS:
000

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1420
RESIDUOS:
000

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1421
RESIDUOS:
000

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1422
RESIDUOS:
000

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1423
RESIDUOS:
000

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1424
RESIDUOS:
000

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1425
RESIDUOS:
000

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1426
RESIDUOS:
000

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1427
RESIDUOS:
000

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1428
RESIDUOS:
000

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1429
RESIDUOS:
000

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1430
RESIDUOS:
000

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1431
RESIDUOS:
000

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1432
RESIDUOS:
000

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1433
RESIDUOS:
000

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1434
RESIDUOS:
000

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1435
RESIDUOS:
000

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1436
RESIDUOS:
000

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1437
RESIDUOS:
000

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1438
RESIDUOS:
000

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1439
RESIDUOS:
000

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1440
RESIDUOS:
000

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1441
RESIDUOS:
000

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1442
RESIDUOS:
000

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1443
RESIDUOS:
000

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1444
RESIDUOS:
000

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1445
RESIDUOS:
000

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1446
RESIDUOS:
000

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1447
RESIDUOS:
000

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1448
RESIDUOS:
000

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1449
RESIDUOS:
000

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1450
RESIDUOS:
000

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1451
RESIDUOS:
000

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1452
RESIDUOS:
000

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1453
RESIDUOS:
000

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1454
RESIDUOS:

000

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1455
RESIDUOS:
000

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1456
RESIDUOS:
000

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1457
RESIDUOS:
000

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1458
RESIDUOS:
000

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1459
RESIDUOS:
000

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1460
RESIDUOS:
000

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1461
RESIDUOS:
000

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1462
RESIDUOS:
000

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1463
RESIDUOS:
000

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1464
RESIDUOS:
000

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1465
RESIDUOS:
000

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1466
RESIDUOS:
000

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1467
RESIDUOS:
000

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1468
RESIDUOS:
000

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1469
RESIDUOS:
000

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1470
RESIDUOS:
000

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1471
RESIDUOS:
000

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1472

RESIDUOS:
000

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1473
RESIDUOS:
000

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1474
RESIDUOS:
000

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1475
RESIDUOS:
000

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1476
RESIDUOS:
000

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1477
RESIDUOS:
000

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1478
RESIDUOS:
000

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1479
RESIDUOS:
000

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1480
RESIDUOS:
000

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1481
RESIDUOS:
000

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1482
RESIDUOS:
000

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1483
RESIDUOS:
000

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1484
RESIDUOS:
000

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1485
RESIDUOS:
000

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1486
RESIDUOS:
000

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1487
RESIDUOS:
000

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1488
RESIDUOS:
000

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1489
RESIDUOS:
000

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1490
RESIDUOS:
000

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1491
RESIDUOS:
000

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1492
RESIDUOS:
000

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1493
RESIDUOS:
000

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1494
RESIDUOS:
000

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1495
RESIDUOS:
000

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1496
RESIDUOS:
000

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1497
RESIDUOS:
000

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1498
RESIDUOS:
000

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1499
RESIDUOS:
000

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1500
RESIDUOS:
000

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1501
RESIDUOS:
000

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1502
RESIDUOS:
000

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1503
RESIDUOS:
000

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1504
RESIDUOS:
000

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1505
RESIDUOS:
000

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1506
RESIDUOS:
000

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1507
RESIDUOS:
000

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1508 RESIDUOS: 000	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1509 RESIDUOS: 000	
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1510 RESIDUOS: 000	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1511 RESIDUOS: 000	
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1512 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GFSAPL	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1513 EXTENSIÓN: 5 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..5 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: SYRTI	5
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1514 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GDSSPF	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1515 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GDSSPF	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1516 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GHSTPF	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1517 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: GDSSPF	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1518 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS:	

	GDSSPF	6
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1519 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: GHSTPF	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1520 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: GHSTPF	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1521 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GDSTPF	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1522 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: GDSTPF	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1523 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GDSTPF	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1524 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GDSTPF	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1525 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GDSTPF	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1526 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: GDSTPF	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1527 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: GDSSPF	6
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1528 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GDSSPF	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1529 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GHSTPF	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1530 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GDSTPF	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1531 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GHSTPF	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1532 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GYSSPF	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1533 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GDSTPF	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1534 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GDSTPF	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1535 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA RESIDUOS: GFSTPF	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1536 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSSPPF	6
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1537 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GSSPPF	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1538 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYSPF	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1539 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYSPF	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1540 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GDSPF	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1541 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GDSPF	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1542 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GHSTPF	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1543 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GDSTPF	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1544 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GDSTPF	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1545 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GYSSPF	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1546 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: GYSSPF	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1547 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: GHSTPF	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1548 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: GHSTPF	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1549 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: GDSTPF	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1550 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: GDSTPF	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1551 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: GDSTPF	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1552 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: GDSTPF	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1553 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: GDSTPF	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1554 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GYSSPF	6
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1555 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: GYSSPF	6
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1556 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: GDSSPF	6
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1557 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: GYSSPF	6
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1558 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: GYSSPF	6
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1559 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: GYSSPF	6
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1560 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: GYSSPF	6
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1561 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: GYSSPF	6
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1562 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: GYSSPF	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1563 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	6
	GDNTPF	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1564	
10	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	6
	GDNTPF	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1565	
20	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	6
	GHSTPF	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1566	
30	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	6
	GHSTPF	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1567	
40	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	6
	GYSSPF	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1568	
50	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	6
	GYSSPF	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1569	
60	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	6
	GHSTPF	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1570	
70	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	6
	GHSTPF	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1571	
80	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	6
	GDSTPF	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1572	
	EXTENSIÓN: 6	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	GDSTPF	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1573	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	GHSTPF	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1574	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	GHSTPF	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1575	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	GDSTPF	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1576	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	GDSTPF	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1577	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	GYSSPF	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1578	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	GYSSPF	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1579	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	GHSTPF	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1580	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	GHSTPF	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1581	

EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GDSTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1582
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GDSTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1583
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GDSTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1584
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYSSPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1585
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYSSPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1586
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYSTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1587
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYSTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1588
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GDNTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1589
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GDNTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1590
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYSTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1591
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYSTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1592
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GDSTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1593
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GDSTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1594
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GHSTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1595
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GHSTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1596
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYSSPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1597
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
SYSTPF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1598
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYSTPF

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1599 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: GDSTPF	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1600 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: GYSSPF	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1601 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GDSSPF	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1602 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: GYSTLF	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1603 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GYSSPF	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1604 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GYSNPF	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1605 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GFSTPF	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1606 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: GYSSPF	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1607 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	

	GYSSPF	6
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1608 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: GDSTPF	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1609 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: GDSTPF	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1610 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GHSTPF	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1611 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: GHSTPF	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1612 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GHSTPI	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1613 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GYSSPF	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1614 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GYDTPF	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1615 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: GDSTPF	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1616 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: YGTSPI	6
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1617 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: AKSFPL	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1618 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYSSPF	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1619 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: VTQFPI	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1620 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATQFPI	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1621 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGYY	8
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1622 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GGSFSGYY	8
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1623 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGYY	8
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1624 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGYY	8
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1625 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	8
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1626 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	8
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1627 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	8
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1628 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	8
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1629 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	8
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1630 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	8
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1631 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	8
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1632 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	8
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1633 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	8
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1634 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GYTFTGY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1635	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: GYTFTGY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1636	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: GYTFTGY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1637	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: GYTFTGY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1638	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: GYTFTGY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1639	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: GYTFTGY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1640	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: GYTFTGY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1641	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: GYTFTGY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1642	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: GYTFTAY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1643	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GYTFTAYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1644 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: GYTFTGYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1645 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: GYTFTGYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1646 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: GYTFTGYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1647 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: GYTFTAYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1648 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: GYTFTAYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1649 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: GYTFTAYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1650 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: GYTFTAYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1651 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: GYTFTGYF	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1652 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	
	GYTFTAYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1653	
	EXTENSIÓN: 8	
10	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	
	GYTFTAYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1654	
	EXTENSIÓN: 8	
20	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	
	GYTFTAYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1655	
	EXTENSIÓN: 8	
30	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	
	GYTFTAYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1656	
	EXTENSIÓN: 8	
40	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	
	GYTFTAYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1657	
	EXTENSIÓN: 8	
50	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	
	GYTFTAYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1658	
	EXTENSIÓN: 8	
60	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	
	GYTFTAYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1659	
	EXTENSIÓN: 8	
70	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	
	GYTFTAYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1660	
	EXTENSIÓN: 8	
80	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	
	GYTFTGY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1661	
	EXTENSIÓN: 8	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GYTFTGYY	8
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1662	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GYTFTGYY	8
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1663	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GYTFTGYY	8
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1664	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GYTFTGYY	8
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1665	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GYTFTGYF	8
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1666	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GYTFTGYY	8
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1667	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GYTFTGYY	8
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1668	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GYTFTGYY	8
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1669	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	GYTFTGYY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1670	

EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTGYF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1671
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTGYF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1672
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTGYF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1673
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTGYF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1674
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTGYF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1675
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTGYF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1676
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTGYF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1677
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTGYF

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1678
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 GYTFTAYY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1679
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTAYY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1680
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1681
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1682
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1683
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1684
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1685
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1686
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGGY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1687
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
GYTFTGGY

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1688
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 10 RESIDUOS:
 GYTFTAYY 8

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1689
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 20 RESIDUOS:
 GYTFTAYY 8

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1690
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 30 RESIDUOS:
 GYTFTGY 8

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1691
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 40 RESIDUOS:
 GYTFTGY 8

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1692
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 50 RESIDUOS:
 GYTFTGY 8

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1693
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 60 RESIDUOS:
 GYTFTGY 8

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1694
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 70 RESIDUOS:
 GYTFTGY 8

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1695
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 80 RESIDUOS:
 GYTFTAYY 8

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1696
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:

	GYTFTAYY	8
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1697 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: GYTFTAYY	8
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1698 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: GYTFTAYY	8
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1699 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: GYTFTGY	8
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1700 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: GYTFTGY	8
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1701 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: GYTFTAYY	8
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1702 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: GYTFTAYY	8
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1703 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: GYTFTGY	8
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1704 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: GYTFTGY	8
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1705 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: GYTFTGY	8
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1706 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	8
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1707 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAY	8
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1708 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGYF	8
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1709 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	8
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1710 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	8
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1711 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	8
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1712 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFNGY	8
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1713 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	8
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1714 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAYY	8
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1715 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAYY	8
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1716 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	8
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1717 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	8
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1718 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	8
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1719 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAYY	8
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1720 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	8
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1721 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTAYY	8
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1722 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: GYTFTGY	8
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1723 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: GYTFTGY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1724 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: GYTFTGY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1725 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: GYTFTRYG	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1726 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: GYTFTGY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1727 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: GYTFTVY	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1728 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: GYTFTRYG	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1729 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: GYTFTTYG	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1730 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: INPKSGGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1731 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: ITHSGIT	7
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1732 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1733 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: INPKSGGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1734 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1735 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1736 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: INPKSGGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1737 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1738 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: INPKSGGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1739 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1740 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: INPKSGGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1741 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	8
	INPNSSGT	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1742	
10	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
15	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPKSGGT	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1743	
20	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
25	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPNSSGT	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1744	
30	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
35	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPKSGGT	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1745	
40	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
45	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPNSSGT	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1746	
50	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
55	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPKSGGT	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1747	
60	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
65	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPKSGGT	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1748	
70	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
75	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPKSGGT	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1749	
80	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
85	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPKSGGT	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1750	
	EXTENSIÓN: 8	

5	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPKSGGT	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1751	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPNSSGT	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1752	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPKSGGT	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1753	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPKSGGT	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1754	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPNSSGT	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1755	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPKSGGT	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1756	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPNSSGT	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1757	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPKSGGT	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1758	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPNSSGT	
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1759	
	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	8
	INPNSSGT	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1759	

EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 INPKSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1760
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 INPKSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1761
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 INPNSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1762
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 INPKSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1763
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 INPNSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1764
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 INPKSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1765
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 VNPNSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1766
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 VNPKSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1767
 EXTENSIÓN: 8
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 INPNSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1768
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
INPKSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1769
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
INPKSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1770
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
INPNSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1771
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
INPKSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1772
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
IHPNSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1773
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
IHPKSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1774
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
INPKSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1775
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
INPNSGGT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1776
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
INPKSGGT

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1777 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: INPNSGGP	8
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1778 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: INPKSGGP	8
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1779 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: INPNSGGT	8
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1780 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: INPKSGGT	8
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1781 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: INPNSGGT	8
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1782 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: INPKSGGT	8
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1783 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: INPNSGGT	8
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1784 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: INPKSGGT	8
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1785 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	

	IKPNSGGT	8
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1786 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: IKPKSGGT	8
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1787 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: VNPNSGGT	8
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1788 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: VNPKSGGT	8
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1789 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: INPNSGGT	8
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1790 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: INPKSGGT	8
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1791 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: INPNSGGT	8
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1792 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: INPKSGGT	8
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1793 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: IKPNSGGT	8
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1794 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: IKPKSGGT	8
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1795 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPNSSGT	8
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1796 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPKSGGT	8
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1797 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPNSSGT	8
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1798 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPKSGGT	8
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1799 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPNSSGT	8
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1800 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPNSSGT	8
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1801 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPKSGGT	8
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1802 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPNSSGT	8
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1803 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPKSGAT	8
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1804 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPNSSGT	8
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1805 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPKSGGT	8
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1806 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPNSSGT	8
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1807 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPKSGGT	8
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1808 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPKSGGT	8
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1809 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPKSGGT	8
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1810 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPNSSGT	8
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1811 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: INPKSGGT	8
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1812 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1813 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: INPKSGGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1814 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1815 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: INPKSGGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1816 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1817 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: INPKSGGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1818 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1819 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1820 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1821 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: INPNSGGT	8
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1822 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: INPNSGGT	8
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1823 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: INPNSGGT	8
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1824 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: INPNSGGT	8
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1825 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: INPNSGGT	8
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1826 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: INPNSGGT	8
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1827 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: INPNSGGT	8
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1828 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: INPNSGGT	8
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1829 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..8 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: INPKSGGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1830 EXTENSIÓN: 8 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	
	INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1831	
10	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	
	INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1832	
20	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	
	INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1833	
30	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	
	INPKSGGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1834	
40	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	
	INTNTGNP	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1835	
50	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	
	INPKSGGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1836	
60	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	
	INPNSSGT	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1837	
70	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	
	INTNTGNP	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1838	
80	EXTENSIÓN: 8	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..8	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	
	INTNTGNP	8
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1839	
	EXTENSIÓN: 11	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ATGGSFDAFD I	11
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1840	
	EXTENSIÓN: 17	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..17	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ARGQVGTTDY YYFYMDV	17
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1841	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSFDAFD I	11
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1842	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSFDAFD I	11
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1843	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSFDAFD I	11
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1844	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ATGGSFDAFD I	11
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1845	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ATGGSFDAFD I	11
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1846	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSYDAFD I	11
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1847	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSYDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1848	

	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
5	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSFDAFD I	11
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1849	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
15	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSFDAFD I	11
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1850	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
25	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSYDAFD I	11
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1851	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
35	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSYDAFD I	11
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1852	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
45	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSYDAFD I	11
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1853	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
55	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSYDAFD I	11
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1854	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
65	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ATGGSFDAFD I	11
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1855	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
75	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ATGGSFDAFD I	11
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1856	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
85	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ATGGSFDAFD I	11

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1857
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 ATGGSFDAFD I 11

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1858
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 AVGGSYDAFD I 11

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1859
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 AVGGSYDAFD I 11

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1860
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 AVGGSFDAFD I 11

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1861
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 AVGGSFDAFD I 11

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1862
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 ATGGSFDAFD I 11

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1863
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 AVGGSYDAFD I 11

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1864
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 AVGGSYDAFD I 11

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1865
 EXTENSIÓN: 11
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..11
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 AVGGSYDAFD I 11

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1866 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1867 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: ASGGSFDAFD I	11
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1868 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: ASGGSFDAFD I	11
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1869 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1870 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1871 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1872 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: AVGGSFDAFD I	11
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1873 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: AVGGSFDAFD I	11
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1874 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	

	AVGGSFDAFD I	11
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1875 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: AVGGSFDAFD I	11
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1876 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1877 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1878 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1879 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1880 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1881 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1882 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1883 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: ASGGSFDAFD I	11
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1884 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1885 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1886 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1887 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1888 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1889 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1890 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATGGSFDAFD V	11
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1891 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATGGSFDAFD V	11
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1892 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1893 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1894 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1895 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1896 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: AVGGSFDAFD I	11
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1897 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: AVGGSFDAFD I	11
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1898 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1899 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1900 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1901 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1902	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1903	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1904	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1905	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1906	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1907	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1908	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1909	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1910	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1911 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1912 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: ATGGSFDAFD I	11
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1913 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1914 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1915 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1916 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: AVGGSYDAFD I	11
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1917 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: ATGGSYDAFD I	11
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1918 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: ATGGSYDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1919 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	
	AVGGSFDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1920	
10	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	
	AVGGSFDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1921	
20	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	
	AVGGSFDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1922	
30	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	
	AVGGSFDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1923	
40	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	
	ATGGSFDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1924	
50	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	
	ATGGSFDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1925	
60	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	
	AVGGSYDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1926	
70	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	
	ASGGSFDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1927	
80	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	
	ATGGSFDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1928	
	EXTENSIÓN: 11	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ASGGSFDAFD I	11
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1929	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSYDAFD I	11
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1930	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ATGGSFDAFD I	11
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1931	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSYDAFD I	11
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1932	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ASGGSIDAFD I	11
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1933	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSYDAFD I	11
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1934	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSFDAFD I	11
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1935	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	VTGGSFDAFD V	11
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1936	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	TSGGSFDAFD I	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1937	

	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
5	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ATGGSFDAFD I	11
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1938	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
15	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ASGGSFDAFD I	11
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1939	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
25	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	AVGGSFDAFD I	11
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1940	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
35	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ATGGSYDAFD I	11
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1941	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
45	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ATGGSYDAFD I	11
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1942	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
55	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ATGGSFDAFD I	11
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1943	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
65	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ARDNWNYSVD Y	11
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1944	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
75	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ATGGSFDAFD I	11
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1945	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
85	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ASGGSFDAFD I	11

	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1946	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
5	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	ARDNWNDFD Y	11
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1947	
	EXTENSIÓN: 11	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
15	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..11	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
20	ARDNWNDFD Y	11
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1948	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
25	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
30	QISRY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1949	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
35	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
40	QISRY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1950	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
45	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
50	QISRY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1951	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
55	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
60	QISRY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1952	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
65	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
70	QISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1953	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
75	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
80	QISRY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1954	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
85	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	
	QISRY	6

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1955 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: QSISSY	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1956 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: QSISSY	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1957 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: QSISSY	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1958 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: QSISSY	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1959 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: QSISSY	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1960 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: QSISSY	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1961 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: QSISSY	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1962 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: QSISSY	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1963 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	

	QSISSY	6
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1964 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: QSISSY	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1965 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: QSISSY	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1966 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: QSISSY	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1967 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: QSISSY	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1968 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: QSISSY	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1969 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: QDISNY	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1970 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: QDISNY	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1971 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: QGISRY	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1972 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: QSISSY	6
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1973 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1974 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1975 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1976 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1977 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1978 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1979 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1980 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1981 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1982 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1983 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1984 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1985 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1986 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1987 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1988 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1989 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QSISSY	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1990 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1991	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1992	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1993	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1994	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1995	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1996	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1997	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1998	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 1999	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2000 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2001 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2002 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2003 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2004 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2005 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2006 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: QSISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2007 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: QTISSY	6
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2008 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	6
	QTISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2009	
10	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
15	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	QSISKY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2010	
20	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
25	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	QSISKY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2011	
30	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
35	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	QSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2012	
40	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
45	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	QSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2013	
50	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
55	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	QSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2014	
60	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
65	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	QSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2015	
70	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
75	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	LSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2016	
80	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
85	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	LSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2017	
	EXTENSIÓN: 6	

	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	QSISSY	
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2018	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	QSISSY	
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2019	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	QSISSY	
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2020	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	RSISSY	
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2021	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	RSISSY	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2022	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	QSINSY	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2023	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	QSIQSY	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2024	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	QSISSY	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2025	
	EXTENSIÓN: 6	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..6	
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	6
	QSISSY	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2026	

EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QSINSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2027
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QSIQSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2028
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2029
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2030
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 LSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2031
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 LSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2032
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2033
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QTISRY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2034
 EXTENSIÓN: 6
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..6
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QTISRY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2035
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2036
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2037
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2038
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2039
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2040
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2041
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2042
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QSISSY

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2043
EXTENSIÓN: 6
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..6
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QSISSY

5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2044 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: QSISSY	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2045 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: QSISSF	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2046 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: QSISSY	6
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2047 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: QSISSY	6
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2048 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: QSISSY	6
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2049 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: QSISSY	6
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2050 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: QSISSY	6
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2051 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: QDISNY	6
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2052 EXTENSIÓN: 7 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..7 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS:	

	QSVSDSY	7
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2053 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: QSISSY	6
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2054 EXTENSIÓN: 6 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..6 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: QSISSY	6
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2055 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: QSLVHSDGNT Y	11
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2056 EXTENSIÓN: 11 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..11 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: QSLVHSDGNT Y	11
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2057 RESIDUOS: 000	
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2058 RESIDUOS: 000	
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2059 RESIDUOS: 000	
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2060 RESIDUOS: 000	
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2061 RESIDUOS: 000	
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2062 RESIDUOS: 000	
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2063 RESIDUOS: 000	
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2064 RESIDUOS: 000	
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2065 RESIDUOS: 000	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2066 RESIDUOS:	

000

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2067
RESIDUOS:
000

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2068
RESIDUOS:
000

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2069
RESIDUOS:
000

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2070
RESIDUOS:
000

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2071
RESIDUOS:
000

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2072
RESIDUOS:
000

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2073
RESIDUOS:
000

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2074
RESIDUOS:
000

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2075
RESIDUOS:
000

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2076
RESIDUOS:
000

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2077
RESIDUOS:
000

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2078
RESIDUOS:
000

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2079
RESIDUOS:
000

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2080
RESIDUOS:
000

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2081
RESIDUOS:
000

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2082
RESIDUOS:
000

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2083
RESIDUOS:
000

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2084

RESIDUOS:
000

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2085
RESIDUOS:
000

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2086
RESIDUOS:
000

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2087
RESIDUOS:
000

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2088
RESIDUOS:
000

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2089
RESIDUOS:
000

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2090
RESIDUOS:
000

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2091
RESIDUOS:
000

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2092
RESIDUOS:
000

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2093
RESIDUOS:
000

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2094
RESIDUOS:
000

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2095
RESIDUOS:
000

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2096
RESIDUOS:
000

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2097
RESIDUOS:
000

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2098
RESIDUOS:
000

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2099
RESIDUOS:
000

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2100
RESIDUOS:
000

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2101
RESIDUOS:
000

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2102
RESIDUOS:
000

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2103
RESIDUOS:
000

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2104
RESIDUOS:
000

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2105
RESIDUOS:
000

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2106
RESIDUOS:
000

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2107
RESIDUOS:
000

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2108
RESIDUOS:
000

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2109
RESIDUOS:
000

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2110
RESIDUOS:
000

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2111
RESIDUOS:
000

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2112
RESIDUOS:
000

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2113
RESIDUOS:
000

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2114
RESIDUOS:
000

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2115
RESIDUOS:
000

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2116
RESIDUOS:
000

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2117
RESIDUOS:
000

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2118
RESIDUOS:
000

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2119
RESIDUOS:
000

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2120
RESIDUOS:
000

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2121
RESIDUOS:
000

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2122
RESIDUOS:
000

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2123
RESIDUOS:
000

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2124
RESIDUOS:
000

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2125
RESIDUOS:
000

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2126
RESIDUOS:
000

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2127
RESIDUOS:
000

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2128
RESIDUOS:
000

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2129
RESIDUOS:
000

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2130
RESIDUOS:
000

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2131
RESIDUOS:
000

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2132
RESIDUOS:
000

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2133
RESIDUOS:
000

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2134
RESIDUOS:
000

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2135
RESIDUOS:
000

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2136
RESIDUOS:
000

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2137
RESIDUOS:
000

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2138
RESIDUOS:
000

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2139
RESIDUOS:
000

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2140
RESIDUOS:
000

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2141
RESIDUOS:
000

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2142
RESIDUOS:
000

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2143
RESIDUOS:
000

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2144
RESIDUOS:
000

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2145
RESIDUOS:
000

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2146
RESIDUOS:
000

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2147
RESIDUOS:
000

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2148
RESIDUOS:
000

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2149
RESIDUOS:
000

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2150
RESIDUOS:
000

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2151
RESIDUOS:
000

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2152
RESIDUOS:
000

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2153
RESIDUOS:
000

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2154
RESIDUOS:
000

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2155
RESIDUOS:

000

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2156
RESIDUOS:
000

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2157
RESIDUOS:
000

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2158
RESIDUOS:
000

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2159
RESIDUOS:
000

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2160
RESIDUOS:
000

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2161
RESIDUOS:
000

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2162
RESIDUOS:
000

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2163
RESIDUOS:
000

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2164
RESIDUOS:
000

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2165
RESIDUOS:
000

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2166
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

60 RESIDUOS:
QQGFSAPLT 9

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2167
EXTENSIÓN: 8
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..8
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

70 RESIDUOS:
QQSYRTIT 8

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2168
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

80 RESIDUOS:
QQGDSPFT 9

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2169
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSSPFT	9
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2170 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2171 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSSPFT	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2172 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSSPFT	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2173 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2174 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2175 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2176 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2177 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2178 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2179	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2180	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2181	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: QQGDSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2182	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: QQGDSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2183	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2184	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2185	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2186	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: QQGYSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2187	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	

	- FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2188 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10		
15	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2189 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20		
25	RESIDUOS: QQGFSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2190 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30		
35	RESIDUOS: QQGSSPPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2191 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40		
45	RESIDUOS: QQGSSPPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2192 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50		
55	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2193 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60		
65	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2194 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70		
75	RESIDUOS: QQGDSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2195 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80		
85	RESIDUOS: QQGDSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2196 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA	

	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS:	
	QQGHSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2197	
10	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS:	
	QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2198	
20	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS:	
	QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2199	
30	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS:	
	QQGYSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2200	
40	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS:	
	QQGYSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2201	
50	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS:	
	QQGHSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2202	
60	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS:	
	QQGHSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2203	
70	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS:	
	QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2204	
80	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS:	
	QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2205	
	EXTENSIÓN: 9	

TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2206
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2207
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2208
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGYSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2209
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGYSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2210
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGDSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2211
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGYSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2212
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGYSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2213
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QQGYSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2214

EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGYSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2215
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGYSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2216
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGYSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2217
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGDNTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2218
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGDNTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2219
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGHSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2220
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGHSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2221
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGYSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2222
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QQGYSSPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2223
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGHSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2224
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGHSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2225
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2226
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2227
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGHSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2228
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGHSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2229
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2230
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGDSTPFT

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2231
EXTENSIÓN: 9
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..9
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QQGYSPFT

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2232
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 10 RESIDUOS: QQGYSSPFT 9

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2233
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 20 RESIDUOS: QQGHSTPFT 9

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2234
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 30 RESIDUOS: QQGHSTPFT 9

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2235
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 40 RESIDUOS: QQGDSTPFT 9

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2236
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 50 RESIDUOS: QQGDSTPFT 9

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2237
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 60 RESIDUOS: QQGDSTPFT 9

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2238
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 70 RESIDUOS: QQGYSSPFT 9

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2239
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 80 RESIDUOS: QQGYSSPFT 9

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2240
 EXTENSIÓN: 9
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..9
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:

	QQGYSTPFT	9
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2241 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
10	RESIDUOS: QQGYSTPFT	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2242 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
20	RESIDUOS: QQDNTPTF	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2243 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
30	RESIDUOS: QQDNTPTF	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2244 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
40	RESIDUOS: QQGYSTPFT	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2245 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
50	RESIDUOS: QQGYSTPFT	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2246 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
60	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2247 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
70	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2248 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
80	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2249 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	

	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2250 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2251 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQSYSTPFT	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2252 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSTPFT	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2253 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2254 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2255 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSPFT	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2256 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSTLFT	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2257 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2258 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSNPFT	9
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2259 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGFSTPFT	9
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2260 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2261 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2262 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2263 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2264 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2265 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGHSTPFT	9
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2266 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
	RESIDUOS: QQGHSTPIT	9
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2267 EXTENSIÓN: 9 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..9	

	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
5	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2268	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
15	RESIDUOS: QQGYDTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2269	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
25	RESIDUOS: QQGDSTPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2270	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
35	RESIDUOS: QQYGTSPIT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2271	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
45	RESIDUOS: QQAKSFPLT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2272	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
55	RESIDUOS: QQGYSSPFT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2273	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
65	RESIDUOS: MQVTQFPIT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2274	
	EXTENSIÓN: 9	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..9	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
75	RESIDUOS: MQATQFPIT	9
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2275	
	EXTENSIÓN: 118	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	
80	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:	
	- FUENTE, 1..118	
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA	
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA	
85	RESIDUOS: EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTIY 60 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRSDD TAVYSCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118	
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2276	
	EXTENSIÓN: 123	
	TIPO DE MOLÉCULA: AA	

5 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..123
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QVQLQQWGAG LLKPSETLSL TCAVYGGSF S GYYWSWIRQP PGQGLEWIGE ITHSGITNYN 60
 PSLESRVMTS VDTSKNQFSL KLSSVTAADT AVYYCARGQV GTTDYFFYFYM DVWGKGTLLVT 120
 VSS 123

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2277
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 15 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 20 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQNFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2278
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 30 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQNFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2279
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 40 QVQLVQSGPE VEKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MDLSGLRSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2280
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 50 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWVRQA PGQGLEWIGW INPNSGGTNY 60
 AQSFQGRVTM TRDTSITTAY MDLSRLRSDD TAIYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2281
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 60 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWVRQA PGQGLEWIGW INPKSGGTNY 60
 AQSFQGRVTM TRDTSITTAY MDLSRLRSDD TAIYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2282
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 70 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKEPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQQFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLTSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2283
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 80 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKEPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQQFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLTSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2284
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA

5 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGVE VKKPGASVKV SCQASGYTFT AYYIHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDSSISTAY MELSRRLSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2285
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

15 RESIDUOS:
 EVQLVQSGVE VKKPGASVKV SCQASGYTFT AYYIHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDSSISTAY MELSRRLSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2286
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

25 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYLHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNF 60
 AQKFQGRVTM TRDTSINTAY MELSRRLSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2287
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

35 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYLHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNF 60
 AQKFQGRVTM TRDTSINTAY MELSRRLSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2288
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

45 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSINTAY MELSGRLSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2289
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

55 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSGRLSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2290
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

65 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKF SCKASGYTFT GYYLHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQRFFQGRVTM TRDTSINTAY MELSRRLSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2291
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

75 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKF SCKASGYTFT GYYLHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQRFFQGRVTM TRDTSINTAY MELSRRLSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2292
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

85 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKF SCKASGYTFT GYYLHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQRFFQGRVTM TRDTSINTAY MELSRRLSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

- FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

5 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTIY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYSCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2293
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

10

15 RESIDUOS:
 EVQLVESGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2294
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

20

25 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTSY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2295
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

30

35 RESIDUOS:
 EVQLVESGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2296
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

40

45 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VRKPGASVKV SCKASGYTFT AYYIHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQNFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRPDD TAVYFCVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2297
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

50

55 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VRKPGASVKV SCKASGYTFT AYYIHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQNFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRPDD TAVYFCVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2298
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

60

65 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VRKPGAAVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQNFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLTSDD TAMYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2299
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

70

75 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2300
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118

80

85

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRRLSDD TAVYYCAVG SYDAFDIWGQ GTMTVTSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2301
EXTENSIÓN: 118
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..118
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
EVQLVQSGAE VKSPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTKY 60
AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELNRLTSDD TAVYYCAVG SYDAFDIWGQ GTMTVTSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2302
EXTENSIÓN: 118
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..118
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
EVQLVQSGAE VKSPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTKY 60
AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELNRLTSDD TAVYYCAVG SYDAFDIWGQ GTMTVTSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2303
EXTENSIÓN: 118
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..118
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT AYYLHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRRLSDD TAVYYCASGG SFDAFDIWGQ GTMTVTSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2304
EXTENSIÓN: 118
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..118
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT AYYLHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRRLSDD TAVYYCASGG SFDAFDIWGQ GTMTVTSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2305
EXTENSIÓN: 118
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..118
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QVQLVESGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYFIHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
AQKFQDRVTM TRDTSISTAY MELSRRLSDD TAVYYCAVG SYDAFDIWGQ GTMTVTSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2306
EXTENSIÓN: 118
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..118
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QVQLVQSGAE VKSPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTKY 60
AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELNRLTSDD TAVYYCAVG SYDAFDIWGQ GTMTVTSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2307
EXTENSIÓN: 118
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..118
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
QVQLVQSGAE VKSPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTKY 60
AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELNRLTSDD TAVYYCAVG SYDAFDIWGQ GTMTVTSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2308
EXTENSIÓN: 118
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..118
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA

5 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVRV SCKASGYTFT AYYIHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSSGGTSS 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MDLSRLRSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2309
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

10

RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVRV SCKASGYTFT AYYIHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTSS 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MDLSRLRSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

15

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2310
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

20

RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT AYYIHWVRQA PGQGLEWMGW VNPNSGGTNY 60
 AQSFQGRVTM TGDTSITTAY MDLSELRSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

25

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2311
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

30

RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT AYYIHWVRQA PGQGLEWMGW VNPNSGGTNY 60
 AQSFQGRVTM TGDTSITTAY MDLSELRSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

35

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2312
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

40

RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT AYYIHWVRQA PGQGLEWMGW VNPNSGGTNY 60
 AQSFQGRVTM TGDTSITTAY MDLSELRSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

45

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2312
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

50

RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKSPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSSGGTKY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELNRLTSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

55

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2313
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

60

RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKSPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELNRLTSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

65

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2314
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

70

RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYIHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

75

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2315
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

80

RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

85

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2316
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2317
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

10 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW IHPNSGGTNS 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2318
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

20 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW IHPKSGGTNT 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2319
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

30 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYFIHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLSDD TAVYYCASGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2320
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

40 RESIDUOS:
 QVQLVQAGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2321
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

50 RESIDUOS:
 QVQLVQAGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2322
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

60 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKNPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSSGGPNY 60
 AQKFQDRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2323
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

70 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKNPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGPNY 60
 AQKFQDRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2324
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

80 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKNPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGPNY 60
 AQKFQDRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

85

	EVQLVESGAE	VKKPGASVKV	SCKASGYTFT	GYFMHWVRQA	PGQGLEWMGW	INPNSSGGTNY	60
	AQRFQGRVTM	TRDTSINTAY	MELSRLRSDD	TAVYYCATGG	SFDAFDIWGQ	GTMTVTSS	118
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2325						
	EXTENSIÓN: 118						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..118						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
10	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	EVQLVESGAE	VKKPGASVKV	SCKASGYTFT	GYFMHWVRQA	PGQGLEWMGW	INPKSGGTNY	60
	AQRFQGRVTM	TRDTSINTAY	MELSRLRSDD	TAVYYCATGG	SFDAFDIWGQ	GTMTVTSS	118
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2326						
	EXTENSIÓN: 118						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..118						
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	EVQLVQSGAE	VKKPGASVNV	SCKASGYTFT	GYFMHWVRQA	PGQGLEWMGW	INPNSSGGTNY	60
25	AQKFQGRVTM	TRDTSISTAY	MELSRLISDD	TAVYYCATGG	SFDAFDVWGQ	GTMTVTSS	118
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2327						
	EXTENSIÓN: 118						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
30	- FUENTE, 1..118						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
35	EVQLVQSGAE	VKKPGASVKV	SCKASGYTFT	GYFMHWVRQA	PGQGLEWMGW	INPKSGGTNY	60
	AQKFQGRVTM	TRDTSISTAY	MELSRLISDD	TAVYYCATGG	SFDAFDVWGQ	GTMTVTSS	118
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2328						
	EXTENSIÓN: 118						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..118						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
45	EVQLVQSGAE	VKKPGASVKV	SCKASGYTFT	GYMQWVRQA	PGQGLEWMGW	INPNSSGGTIY	60
	AQKFQGRVTM	TRDTSISTAY	MELSRLRSDD	TAVYSCATGG	SFDAFDIWGQ	GTMTVTSS	118
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2329						
	EXTENSIÓN: 118						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..118						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
55	RESIDUOS:						
	EVQLVQSGAE	VKKPGASVKV	SCKASGYTFT	GYMQWVRQA	PGQGLEWMGW	INPKSGGTIY	60
	AQKFQGRVTM	TRDTSISTAY	MELSRLRSDD	TAVYSCATGG	SFDAFDIWGQ	GTMTVTSS	118
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2330						
	EXTENSIÓN: 118						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..118						
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	EVQLVESGAE	VKNPGASVKV	SCKASGYTFT	GYLHWVRQA	PGQGLEWMGW	IKPNSSGGTNY	60
	AQKFQGRVTM	TRDTSISTAY	MELSRLRSDD	TAVYYCAVGG	SYDAFDIWGQ	GTMTVTSS	118
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2331						
	EXTENSIÓN: 118						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..118						
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	EVQLVESGAE	VKNPGASVKV	SCKASGYTFT	GYLHWVRQA	PGQGLEWMGW	IKPKSGGTNY	60
80	AQKFQGRVTM	TRDTSISTAY	MELSRLRSDD	TAVYYCAVGG	SYDAFDIWGQ	GTMTVTSS	118
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2332						
	EXTENSIÓN: 118						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
85	- FUENTE, 1..118						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	EVQLVQSGAE	VKKPGASVKV	SCKASGYTFT	AYMHWVRQA	PGQGLEWMGW	VNPNSGGTNY	60

	AQNFQGRVTM	TGDSITTAY	MDLSGLRSDD	TAVYYCAVGG	SFDAFDIWGQ	GTMVTVSS	118
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2333 EXTENSIÓN: 118 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..118 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
10	RESIDUOS: QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWRQA PGQGLEWMGW VNPKSGGTNY 60 AQNFQGRVTM TGDSITTAY MDLSGLRSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118						
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2334 EXTENSIÓN: 118 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..118 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
20	RESIDUOS: QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPNSSGGTNY 60 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118						
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2335 EXTENSIÓN: 118 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..118 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
30	RESIDUOS: QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118						
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2336 EXTENSIÓN: 118 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..118 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
40	RESIDUOS: QVQLVQSGAE VKKPGASMKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPNSSGGTNY 60 AQRFGGRVTM TRDTSVSTAY MDLSRLRSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118						
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2337 EXTENSIÓN: 118 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..118 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
50	RESIDUOS: QVQLVQSGAE VKKPGASMKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60 AQRFGGRVTM TRDTSVSTAY MDLSRLRSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118						
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2338 EXTENSIÓN: 118 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..118 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
60	RESIDUOS: EVQLVESGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW IKPNSSGGTNY 60 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118						
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2339 EXTENSIÓN: 118 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..118 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
70	RESIDUOS: EVQLVESGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW IKPKSGGTNY 60 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118						
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2340 EXTENSIÓN: 118 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..118 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
80	RESIDUOS: EVQLVESGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYIHWRQA PGQGLEWMGW INPNSSGGTNY 60 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MDLSRLRSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118						
85							

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2341
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVESGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYIHWRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MDLSRLRSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2342
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKSPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTKY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELNRLTSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2343
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKSPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELNRLTSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2344
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELNRLTSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2345
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGAPVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELNRLTSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2346
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGAPVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELNRLTSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2347
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPNSGATNF 60
 AQKFQGRVTM TRDTSITTAY MELNRLTSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2348
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPKSGATNF 60
 AQKFQGRVTM TRDTSITTAY MELNRLTSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2349
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKRPGASVKV SCKASGYTFT AYYLHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQDRVMT TGDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2350
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKRPGASVKV SCKASGYTFT AYYLHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQDRVMT TGDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2351
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKSPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTKY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELNRLTSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2352
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKSPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELNRLTSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2353
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCATGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2354
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCATGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2355
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKTSGYTFT AYYLHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTSS 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MDLTRLRSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2356
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKTSGYTFT AYYLHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTSS 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MDLTRLRSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2357

EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTHY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRSDS TAVYFCVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2358
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTHY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRSDS TAVYFCVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2359
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYIHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQRVQGRVTM TRDTSISTAY MDLSRLRSDS TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2360
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTIY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRSDS TAVYSCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2361
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKRPGASLTV SCKSSGYTFT AYYIHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSITTAY MELSLRSDS TAVYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2362
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYFMHWRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRFD S TAVYCASGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2363
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 EVQLVESGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGRGLEWMGW INPNSGGTKY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSINTAY MELSLRPPD TAVYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2364
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 EVQLVESGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRSDS TAVYCASGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2365
 EXTENSIÓN: 118

TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2366
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFN GYYMHWIRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTKY 60
 SQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2367
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2368
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVESGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT AYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSINTAY MELSLRSDD TAVYYCASGG SIDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2369
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QVQLVQSEAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT AYYIHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQDRVTM TGDTSISTAY MELRRLRSDD TAVYYCAVGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2370
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASMKV SCKASGYTFT GYYIHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTKY 60
 AQKFHGRVTL TRDTSVNTAY MDLSGLRSDD TAVYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2371
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRSDD TAVYYCVTGG SFDAFDVWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2372
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVRV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRSDD TAVYYCTSGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2373
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA

5 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKRPGASLTV SCKSSGYTFT AYYIHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQRFGQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRLSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2374
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

15 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQRFGQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRLSDD TAVYYCASGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2375
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

25 RESIDUOS:
 EVQLVESGAE VKKPGASVRV SCKASGYTFT AYYIHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTSS 60
 AQRFGQGRVTM TRDTSISTAY MDLNLRLSDD TAMYYCAVGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2376
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

35 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKRPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQRFGQGRVTM TRDTSISTAY LELSLRLSDD TAVYYCATGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2377
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

45 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTKY 60
 AQRFGQGRVTM TRDTSISTAY MELSSRLSDD TAVYYCATGG SYDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2378
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

55 RESIDUOS:
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQRFGQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRLSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2379
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

65 RESIDUOS:
 EVQLVESGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTNY 60
 AQRFGQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRLSDD TAVYYCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2380
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

75 RESIDUOS:
 QVQLVQSGSD LKKPGASVKV SCKASGYTFT RYGMNWRQA PGQGLEWMGW INTNTGNPTY 60
 AQDFTGRFVF SLDTSVSTAY LQISSLKAED TAVYYCARDN WNYVSDYWGQ GTLVTVSS 118

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2381
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

85 RESIDUOS:
 EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPKSGGTIY 60
 AQRFGQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRLSDD TAVYSCATGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2381
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

5 RESIDUOS:
 EVQLVESGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT VYYMHWVRQA PGQGLEWMGW INPNSGGTNY 60
 AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCASGG SFDAFDIWGQ GTMVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2382
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

15 RESIDUOS:
 QVQLVQSGSE LQKPGASVKV SCKTSGYTFT RYGMNHWVRQA PGQGLEWMGW INTNTGNPTY 60
 AQGFTGRFVF SLDTSVSTAY LQISSLKAED TAVYYCARDN WNYDFDYWGQ GTTDTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2383
 EXTENSIÓN: 118
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..118
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

25 RESIDUOS:
 QVQLVQSGSE LKRPASVKV SCKASGYTFT TYGMNHWVRQA PGQGLEWMGW INTNTGNPTY 60
 AQGFTGRFVF SLDTSVSTAY LQISSLKAED TAVYYCARDN WNYDLDYWGQ GTLTVTVSS 118

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2384
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

35 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGRVT ITCRASQIS RYLYWYQKPK GKAPKLLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTVSSMQP EDFATYYCQK GFSAPLTFGG GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2385
 EXTENSIÓN: 106
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..106
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

45 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGRVT ITCRASQIS RYLNWYQKPK GKAPKLLIYA ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFASYFCQK SYRTITFGQG TKLEIK 106

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2386
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

60 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGRVT ITCRASQIS RYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASSVQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYYCQK GDSSPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2387
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

70 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGRVT ITCRASQIS RYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASSVQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYYCQK GDSSPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2388
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

80 RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGRVT ITCRASQIS SYLNWYQKPK GKAPKFLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQK GHSTPFTFGP GTKVEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2389
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIG RYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASSVQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISLQPEDFATYYCQGDSSPFTFGPGTKVEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2390
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIG RYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASSVQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISLQPEDFATYYCQGDSSPFTFGPGTKVEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2391
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIG SYLNWYQKPK GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLSISLQPEDFATYYCQGHSTPFTFGPGTKLEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2392
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIG SYLNWYQKPK GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLSISLQPEDFATYYCQGHSTPFTFGPGTKLEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2393
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIG SYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISLQPEDFATYYCQGDSTPFTFGPGTKVVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2394
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIG SYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISLQPEDFATYYCQGDSTPFTFGPGTKVVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2395
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIG SYLNWYQKPK GKVPKILIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISLQPEDFATYYCQGDSTPFTFGPGTKVVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2396
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIG SYLNWYQKPK GKVPKILIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISLQPEDFATYYCQGDSTPFTFGPGTKVVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2397
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
5	RESIDUOS:						
	DIVMTQSPSS	LSASVGDVRT	ITCRASQSSIS	SYLNWYQKEP	GKAPKILIYG	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLAISLQP	EDFATYYCQQ	GDSTPFTFGP	GTKVEIK		107
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2398						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
15	RESIDUOS:						
	DIVMTQSPSS	LSASVGDVRT	ITCRASQSSIS	SYLNWYQKEP	GKAPKILIYG	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLAISLQP	EDFATYYCQQ	GDSTPFTFGP	GTKVEIK		107
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2399						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
25	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDVRT	ITCRASQSSIS	SYLNWYQQSP	GKAPKILIYG	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLAISLQP	EDFATYYCQQ	GDSSPFTFGP	GTKVEIK		107
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2400						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
35	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDVRT	ITCRASQSSIS	SYLNWYQQSP	GKAPKILIYG	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLAISLQP	EDFATYYCQQ	GDSSPFTFGP	GTKVEIK		107
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2401						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
45	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIVLTQSPSS	LSASVGDVRT	ITCRASQSSIS	SYLNWYQQKP	GKAPKFLIYG	ASSLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQP	EDFATYYCQQ	GHSTPFTFGP	GTKVDIK		107
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2402						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
55	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
60	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDVRT	ITCRASQSSIS	SYLNWYQQKP	GKAPKILIYG	ASSLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLAISLQP	EDFATYYCQQ	GDSTPFTFGP	GTKLEIK		107
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2403						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
65	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
70	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDVRT	ITCRASQSSIS	SYLNWYQQKP	GKAPKFLIYG	ASSLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQP	EDFATYYCQQ	GHSTPFTFGP	GTKLEIK		107
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2404						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
75	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
80	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDVRT	ITCRASQSSIS	SYLNWYQQKP	GKAPKFLIYG	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQP	EDFATYYCQQ	GYSPFTFGP	GTKVEIK		107
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2405						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
85	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						

RESIDUOS:
 DIQLTQSPSS LSASVGDRVT ITCQASQDIS NYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISSLQP EDYATYYCQQ GDSTPFTFGP GTKVEIK 107

5 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2406
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

10 RESIDUOS:
 DIQLTQSPSS LSASVGDRVT ITCQASQDIS NYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISSLQP EDYATYYCQQ GDSTPFTFGP GTKVEIK 107

15 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2407
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

20 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS VSASVGDRVT ITCRASQGIS RYLNWYQKPK GKAPNFLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GFSTPFTFGP GTKLEIK 107

25 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2408
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

30 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQGIS SYLNWYQKPK GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYHCQQ GSSPPFTFGP GTKLEIK 107

35 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2409
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

40 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQGIS SYLNWYQKPK GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYHCQQ GSSPPFTFGP GTKLEIK 107

45 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2410
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

50 RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQGIS SYLNWYQKPK GKAPNFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107

55 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2411
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

60 RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQGIS SYLNWYQKPK GKAPNFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107

65 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2412
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

70 RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQGIS SYLNWYQKPK GKAPNFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107

75 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2413
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

80 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQGIS RYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASSVQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYYCQQ GDSTPFTFGP GTKLEIK 107

85 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2413
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

	DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQSI	RYLNWYQKP	GKAPKILIYG	ASSVQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLAISLQP	EDFATYYCQ	GDSPFTFGP	GTKLEIK		107
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2414						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
10	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIVLTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQSI	SYLNWYQKP	GKAPKFLIYG	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQP	EDFVYYCQ	GHSTPFTFGP	GTKVDIK		107
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2415						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
20	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQSI	SYLNWYQSP	GKAPKILIYG	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLAISLQP	EDFATYYCQ	GDSTPFTFGP	GTKVEIK		107
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2416						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
30	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQSI	SYLNWYQSP	GKAPKILIYG	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLAISLQP	EDFATYYCQ	GDSTPFTFGP	GTKVEIK		107
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2417						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
40	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIVMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQSI	SYLNWYQKP	GKAPKFLIYG	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQP	EDFATYSCQ	GYSPFTFGP	GTKVDIK		107
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2418						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
50	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIVMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQSI	SYLNWYQKP	GKAPKFLIYG	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQP	EDFATYSCQ	GYSPFTFGP	GTKVDIK		107
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2419						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
60	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIVMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQSI	SYLNWYQKP	GKAPKFLIYG	ASSLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQP	EDFATYYCQ	GHSTPFTFGP	GTKVDIK		107
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2420						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
70	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIVMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQSI	SYLNWYQKP	GKAPKFLIYG	ASSLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQP	EDFATYYCQ	GHSTPFTFGP	GTKVDIK		107
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2421						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
80	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIVMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQSI	SYLNWYQKP	GKAPKFLIYG	ASSLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQP	EDFATYYCQ	GHSTPFTFGP	GTKVDIK		107
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2421						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQSI	SYLNWYQKP	GKAPKILIYG	ASSLQSGVPS	60

	RFSGSGSGTD	FTLAISLQ	EDFATYYCQ	GDSTPFTFGP	GTKVDIK		107
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2422 EXTENSIÓN: 107 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..107 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
10	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQ	SYLNWYQ	GKAPKILY	ASSLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLAISLQ	EDFATYYCQ	GDSTPFTFGP	GTKVDIK		107
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2423 EXTENSIÓN: 107 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..107 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
20	RESIDUOS:						
	DIVLTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQ	SYLNWYQ	GKAPKILY	ASSLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLAISLQ	EDFATYYCQ	GDSTPFTFGP	GTKVDIK		107
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2424 EXTENSIÓN: 107 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..107 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
30	RESIDUOS:						
	DIVLTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQ	SYLNWYQ	GKAPKILY	ASSLQSGVPS	60
35	RFSGSGSGTD	FTLAISLQ	EDFATYYCQ	GDSTPFTFGP	GTKVDIK		107
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2425 EXTENSIÓN: 107 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..107 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
45	RESIDUOS:						
	DIVLTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQ	SYLNWYQ	GKAPKILY	ASSLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLAISLQ	EDFATYYCQ	GDSTPFTFGP	GTKVDIK		107
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2426 EXTENSIÓN: 107 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..107 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
55	RESIDUOS:						
	DIVMTQSPSS	LSASEGDRVT	ITCRASQ	SYLNWYQ	GKAPKFLY	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQ	EDFATYYCQ	GYSSPFTFGP	GTKVEIK		107
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2427 EXTENSIÓN: 107 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..107 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
65	RESIDUOS:						
	DIVMTQSPSS	LSASEGDRVT	ITCRASQ	SYLNWYQ	GKAPKFLY	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQ	EDFATYYCQ	GYSSPFTFGP	GTKVEIK		107
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2428 EXTENSIÓN: 107 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..107 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
75	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQ	RYLNWYQ	GKAPKILY	ASSVQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLAISLQ	EDFATYYCQ	GDSSPFTFGP	GTKVEIK		107
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2429 EXTENSIÓN: 107 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..107 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
85	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQ	SYLNWYQ	GKAPKFLY	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQ	EDFATYYCQ	GYSSPFTFGP	GTKVEIK		107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2430
EXTENSIÓN: 107
5 TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..107
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
10 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GYSSPFTFGP GTKVEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2431
EXTENSIÓN: 107
15 TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..107
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
20 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI NYLNWYQKP GKAPKFLIYG TSRLQSGVPS 60
RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2432
EXTENSIÓN: 107
25 TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..107
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
30 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI NYLNWYQKP GKAPKFLIYG TSRLQSGVPS 60
RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2433
EXTENSIÓN: 107
35 TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..107
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
40 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2434
EXTENSIÓN: 107
45 TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..107
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
50 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2435
EXTENSIÓN: 107
60 TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..107
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
65 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQSP GKAPKILIYG ASRLQSGVPS 60
RFSGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYYCQ GDNTPTFTFGP GTKLEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2436
EXTENSIÓN: 107
70 TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..107
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
75 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQSP GKAPKILIYG ASRLQSGVPS 60
RFSGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYYCQ GDNTPTFTFGP GTKLEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2437
EXTENSIÓN: 107
80 TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..107
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
85 DIVLTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GHSTPTFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2438
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIVLTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYQCQ GHSTPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2439
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQQP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTINSLQP EDFATYFCQ GYSSPFTFGP GTKVEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2440
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQQP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTINSLQP EDFATYFCQ GYSSPFTFGP GTKVEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2441
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIVLTQSPAS LSASVGDRVA ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYQCQ GHSTPFTFGP GTKLEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2442
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIVLTQSPAS LSASVGDRVA ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYQCQ GHSTPFTFGP GTKLEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2443
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIVLTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQTI SYLNWYQKP GKAPKILIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYQCQ GDSTPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2444
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQTI SYLNWYQKP GKAPKILIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYQCQ GDSTPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2445
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIVLTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI KYLIWYQKP GKAPNLLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYQCQ GHSTPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2446

EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIVLTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI KYLIWYQKP GKAPNLLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GHSTPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2447
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIQLTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQSP GKAPKILIYG ASRLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLLAISSLQP EDFATYYCQ GDSTPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2448
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIQLTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQSP GKAPKILIYG ASRLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLLAISSLQP EDFATYYCQ GDSTPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2449
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2450
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2451
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIVLTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASLSIS SYLNWYQKP GKAPKLLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GHSTPFTFGP GTKLEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2452
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIVLTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASLSIS SYLNWYQKP GKAPKLLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GHSTPFTFGP GTKLEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2453
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKILIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLLAISSLQP EDFATYYCQ GDSTPFTFGP GTKVEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2454
 EXTENSIÓN: 107

TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRSSQSSIS SYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYYCQQ GDSTPFTFGP GTKVEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2455
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRSSQSSIS SYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYYCQQ GDSTPFTFGP GTKVEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2456
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASRSIS SYLNWYQKRP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2457
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASRSIS SYLNWYQKRP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2458
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIQ SYLNWYQKPK GKAPKFLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GYSTPFTFGP GTKVEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2459
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIQ SYLNWYQKPK GKAPKFLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GYSTPFTFGP GTKVEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2460
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIQMTQSPST LSASVGDRVT ITCRASQSSIS SYLNWYQQSP GKAPKILIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYYCQQ GDNTPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2461
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIQMTQSPST LSASVGDRVT ITCRASQSSIS SYLNWYQQSP GKAPKILIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYYCQQ GDNTPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2462
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA

5 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIN SYLYWYQKP GKAPKLLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDSATYYCQ GYSTPFTFGP GTKVEIK 107

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2463
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

15 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIQ SYLYWYQKP GKAPKLLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDSATYYCQ GYSTPFTFGP GTKVEIK 107

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2464
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

25 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIS SYLNWYQKP GKAPKILIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYYCQ GDSTPFTFGP GTKVDIK 107

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2465
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

35 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIS SYLNWYQKP GKAPKILIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYYCQ GDSTPFTFGP GTKVDIK 107

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2466
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

45 RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASLSIS SYLNWYQKP GKAPKLLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GHSTPFTFGP GTKLEIK 107

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2467
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

55 RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASLSIS SYLNWYQKP GKAPKLLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GHSTPFTFGP GTKLEIK 107

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2468
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

65 RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIS SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYFCQ GYSSPFTFGP GTKLEIK 107

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2469
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

75 RESIDUOS:
 EIVMTQSPAS LSASVGDRVT ITCRASQTIS RYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ SYSTPFTFGP GTKVDIK 107

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2470
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

85

- FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

5 RESIDUOS:
 EIVMTQSPAS LSASVGDRVT ITCRASQTIS RYLNWYQKPK GKAPKFLIYG ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GYSTPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2471
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

10

15 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASRLQSGVPS 60
 RFRGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYYCQQ GDSTPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2472
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

20

25 RESIDUOS:
 DIVLTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKPK GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GYSSPFTFGP GTKLEIK 107

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2473
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

35

40 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI RYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASSVQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLAISSLQP EDFATYYCQQ GDSSPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2474
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

45

50 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI RYLNWYQKPK GKAPKILIYG ASSLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GYSTLFTFGP GTKLEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2475
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

55

60 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKPK GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2476
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

65

70 RESIDUOS:
 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKPK GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GYSNPFTFGP GTKVDIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2477
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

75

80 RESIDUOS:
 DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKPK GKAPKLLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ GFSTPFTFGP GTKLEIK 107

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2478
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107

85

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 5 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2479
 EXTENSIÓN: 107
 10 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 15 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI RYLNWYQKP GKAPNFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2480
 EXTENSIÓN: 107
 20 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 25 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKILIYG ASSQLSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLAISLQP EDFATYYCQ GDSTPFTFGP GTKVDIK 107
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2481
 EXTENSIÓN: 107
 30 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 35 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SFLNWYQSP GKAPKILIYG ASRLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLAISLQP EDFATYYCQ GDSTPFTFGP GTKVDIK 107
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2482
 EXTENSIÓN: 107
 40 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 45 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASSQLSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GHSTPFTFGP GTKVDIK 107
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2483
 EXTENSIÓN: 107
 50 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 55 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASSQLSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GHSTPFTFGP GTKVDIK 107
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2484
 EXTENSIÓN: 107
 60 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 65 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASSQLSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GHSTPFTFGP GTKVDIK 107
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2485
 EXTENSIÓN: 107
 70 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 75 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKLLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFASYFCQ GHSTPITFGQ GTKLEIK 107
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2486
 EXTENSIÓN: 107
 80 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 85 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SYLNWYQKP GKAPKFLIYG ASRLQSGVPS 60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ GYSSPFTFGP GTKVDIK 107
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2486
 EXTENSIÓN: 107
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..107
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
5	RESIDUOS:						
	DIVLTQSPSS	LSASVGRVT	ITCRASQIS	RYLYWYQNP	GKAPKLLIYA	ASSLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQP	EDFATYYCQ	GYDTPFTFGP	GTKVDIK		107
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2487						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
15	RESIDUOS:						
	DIQLTQSPSS	LSASVGRVT	ITCQASQDIS	NYLNWYQKP	GKAPKLLIYA	ASSLQTGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLAISLQP	EDFATYYCQ	GDSTPFTFGP	GTKLEIK		107
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2488						
	EXTENSIÓN: 108						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
20	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..108						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
25	RESIDUOS:						
	EIVLTQSPGT	LSLSPGERAT	LSCRASQSVS	DSYLAWYQK	PGQAPRLLIY	GASSRATGIP	60
	DRFSGSGSGT	DFTLTISRLE	PEDFAVYYCQ	QYGTSPITFG	QGTKLEIK		108
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2489						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
35	RESIDUOS:						
	DIQMTQSPSS	LSASVGRVI	ITCRASQIS	SYLNWYQKP	GKAPKLLIYG	ASSLQSGVPS	60
	RFSGSGAGTE	FTLTISLQP	EDFATYYCQ	AKSFPLTFGG	GTKVEIK		107
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2490						
	EXTENSIÓN: 107						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..107						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
45	RESIDUOS:						
	DIVMTQSPSS	LSASVGRVT	ITCRASQIS	SYLNWYQKP	GKAPKFLIYG	ASRLQSGVPS	60
	RFSGSGSGTD	FTLTISLQP	EDFATYYCQ	GYSSPFTFGG	GTKVDIK		107
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2491						
	EXTENSIÓN: 112						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
50	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..112						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
55	RESIDUOS:						
	DIVMTQTPLS	SPVPLGQPAS	ISCKSSQSLV	HSDGNTYLSW	LQQRPGQPPR	LLIYKISNRF	60
	SGVPDRFSGS	GAGTDFTLKI	SRVEAEDVGV	YYCMQVTQFP	ITLGQGTKLE	IK	112
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2492						
	EXTENSIÓN: 112						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..112						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
65	RESIDUOS:						
	DIVMTQTPLS	SPVTLGQPAS	ISCRSSQSLV	HSDGNTYLSW	LQQRPGQPPR	LLIYKISNRF	60
	SGVPDRFSGS	GAGTDFTLKI	SRVEAEDVGV	YYCMQATQFP	ITLGQGTKLE	IK	112
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2493						
	EXTENSIÓN: 251						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..251						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, HOMO SAPIENS						
75	RESIDUOS:						
	MAEDLGLSFG	ETASVEMLPE	HGSCRPKARS	SSARWALTCC	LVLLPFLAGL	TTYLLVSQLR	60
	AQGEACVQFQ	ALKGQEFAPS	HQVYAPLRA	DGDKPRAHLT	VVRQTPTQHF	KNQFPALHWE	120
	HELGLAFTKN	RMNYTNKFL	IPESGDYFIY	SQVTFRGMTS	ECSEIRQAGR	PNKPDSITVV	180
	ITKVTDSYPE	PTQLMGTKS	VCEVGSNWFQ	PIYLAMFSL	QEGDKLMVNV	SDISLVDYTK	240
	EDKTFGAF	L					251
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2494						
	EXTENSIÓN: 192						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
85	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						

- FUENTE, 1..192
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, HOMO SAPIENS

5 RESIDUOS:
 MQLTKGRLHF SHPLSHTKHI SPFVTDAPLR ADGDKPRAHL TVVRQTPTQH FKNQFPALHW 60
 EHELGLAFTK NRMNYTNKFL LIPESGDYFI YSQVTFRGMT SECSEIRQAG RPNKPDSITV 120
 VITKVTDSSYP EPTQLLMGTH SVCEVGSNWF QPIYLGAMFS LQEGDKLMVN VSDISLVDYT 180
 KEDKTFFGAF LL 192

10 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2495
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

15 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

20 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2496
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

25 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

30 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2497
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

35 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

40 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2498
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

45 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

50 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2499
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

55 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

60 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2500
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

65 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

70 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2501
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

75 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

80 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2502
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

85 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 5 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPEAAGA 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 10 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2501
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 15 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 20 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPEAAGA 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LGAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 25 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2502
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 30 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 35 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLYITREP EVTCVVVDVSHEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 40 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2503
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 45 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 50 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLYITREP EVTCVVVDVSHEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 55 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2504
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 60 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 65 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLYITREP EVTCVVVDVSHEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 70 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2505
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 75 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA
 RESIDUOS:
 80 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPEAAGA 120
 PSVFLFPPKP KDTLYITREP EVTCVVVDVSHEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 85 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2506
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
5	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYITREP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
10	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2507						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
15	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
20	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYITREP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
25	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2508						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
30	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
35	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYITREP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
40	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2509						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
45	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
50	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
55	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2510						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
60	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
65	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
70	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2511						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
75	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
80	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
85	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2512						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..330
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

5

RESIDUOS:

10

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2513

EXTENSIÓN: 330

15

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..330
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

20

RESIDUOS:

25

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2514

EXTENSIÓN: 330

30

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..330
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

35

RESIDUOS:

40

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2515

EXTENSIÓN: 330

45

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..330
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

50

RESIDUOS:

55

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2516

EXTENSIÓN: 330

60

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..330
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

65

RESIDUOS:

70

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2517

EXTENSIÓN: 330

75

TIPO DE MOLÉCULA: AA

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..330
- > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

80

RESIDUOS:

85

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYA	180
STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2518

EXTENSIÓN: 330

	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
5	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
10	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330
15	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2519						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
20	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
25	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330
30	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2520						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
35	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
40	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2521						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
50	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
55	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330
60	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2522						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
65	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
70	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYKCKVSNKA	LGAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHSHYT	QKSLSLSPGK				330
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2523						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
80	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
85	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VDHHDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2524						

EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYA	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2525
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2526
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2527
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2528
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2529
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LGAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	LHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2530
EXTENSIÓN: 330
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..330
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHKPS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2531
EXTENSIÓN: 330
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..330
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHKPS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2532
EXTENSIÓN: 330
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..330
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHKPS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2533
EXTENSIÓN: 330
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..330
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHKPS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2534
EXTENSIÓN: 330
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..330
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHKPS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2535
EXTENSIÓN: 330
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..330
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHKPS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2536
EXTENSIÓN: 330
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..330
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LGAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHAHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2537
EXTENSIÓN: 330
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..330
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2538
EXTENSIÓN: 330
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..330
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2539
EXTENSIÓN: 330
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..330
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2540
EXTENSIÓN: 330
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..330
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPGK				330

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2541
EXTENSIÓN: 330
TIPO DE MOLÉCULA: AA
CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
- FUENTE, 1..330
> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300

	QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2542						
	EXTENSIÓN: 330						
5	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
10	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
15	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2543						
	EXTENSIÓN: 330						
20	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
25	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
30	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2544						
	EXTENSIÓN: 330						
35	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
40	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLQ	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
45	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2545						
	EXTENSIÓN: 330						
50	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
55	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLQ	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
60	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2546						
	EXTENSIÓN: 330						
65	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
70	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLQ	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
75	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHWHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2547						
	EXTENSIÓN: 330						
80	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
85	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHNKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLQ	VLHQDWLNGK	EYCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240

	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2548						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
10	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
15	STYRVVSVLQ	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2549						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
25	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
30	STYRVVSVLQ	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2550						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
40	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
45	STYRVVSVLQ	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2551						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
55	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
60	STYRVVSVLW	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2552						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
70	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
75	STYRVVSVLW	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2553						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
85	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVAVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180

	STYRVSVLW	VLHQDWLNGK	EYCKKVSNA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
5	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2554						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
10	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
15	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVSVLW	VLHQDWLNGK	EYCKKVSNA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2555						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
25	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
30	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVSVLW	VLHQDWLNGK	EYCKKVSNA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2556						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
40	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
45	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVSVLW	VLHQDWLNGK	EYCKKVSNA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2557						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
55	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
60	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVSVLW	VLHQDWLNGK	EYCKKVSNA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2558						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
70	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
75	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYISRDP	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVSVLT	VLHQDWLNGK	EYCKKVSNA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	LSDGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2559						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
85	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120

5	PSVFLFPPKP	KDTLYISRDP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYA	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2560						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
10	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
15	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYISRDP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2561						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
25	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
30	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYISRDP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2562						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
40	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
45	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYISRDP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
50	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2563						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
55	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
60	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYISRDP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2564						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
70	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
75	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHHKPS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLYISRDP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LGAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
80	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2565						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
85	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60

5
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPT EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVSVLQ VLHVDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI VVEWESNGQP ENNYKTTTPPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

10
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2566
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

15
 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPT EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVSVLQ VLHVDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI VVEWESNGQP ENNYKTTTPPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

20
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2567
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

30
 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPT EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVSVLQ VLHVDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI VVEWESNGQP ENNYKTTTPPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

35
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2568
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

40
 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPEAAGG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPT EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVSVLQ VLHVDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI VVEWESNGQP ENNYKTTTPPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

45
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2569
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

60
 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLAG 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPT EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVSVLQ VLHVDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI VVEWESNGQP ENNYKTTTPPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

65
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2570
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

70
 RESIDUOS:
 ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFPAVLQSS 60
 GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPEAAGA 120
 PSVFLFPPKP KDTLMISRTPT EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 180
 STYRVSVLQ VLHVDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE 240
 LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI VVEWESNGQP ENNYKTTTPPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 300
 QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 330

75
 IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2571
 EXTENSIÓN: 330
 TIPO DE MOLÉCULA: AA
 CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:
 - FUENTE, 1..330
 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA
 > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

80
 RESIDUOS:

5	ASTKGPSVFP GLYSLSSVVT PSVFLFPPKP STYRVVSVLQ LTKNQVSLTC QQGNVFSCSV	LAPSSKSTSG VPSSSLGTQT KDTLMISRTP VLHVDWLNGK LVKGFYPSDI MHEALHNHYT	GTAALGCLVK YICNVNHPKS EVTCTVVDVS EYKCKVSNKA VVEWESNGQP QKSLSLSPGK	DYFPEPVTVS NTKVDKKVEP HEDPEVKFNW LGAPIEKTIS ENNYKTTPPV	WNSGALTSGV KSCDKTHTCP YVDGVEVHNA KAKGQPREPQ LSDSGSFFLY	HTFPAVLQSS PCPAPEAAGG KTKPREEQYN VYTLPPSRDE SKLTVDKSRW	60 120 180 240 300 330
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2572 EXTENSIÓN: 330 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..330 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
15	RESIDUOS: ASTKGPSVFP GLYSLSSVVT PSVFLFPPKP STYRVVSVLR LTKNQVSLTC QQGNVFSCSV	LAPSSKSTSG VPSSSLGTQT KDTLMISRDP VLHVDWLNGK LVKGFYPSDI MHEALHNHYT	GTAALGCLVK YICNVNHPKS EVTCTVVDVS EYKCKVSNKA VVEWESNGQP QKSLSLSPGK	DYFPEPVTVS NTKVDKKVEP HEDPEVKFNW LPAPIEKTIS ENNYKTTPPV	WNSGALTSGV KSCDKTHTCP YVDGVEVADN KAKGQPREPQ LSDSGSFFLY	HTFPAVLQSS PCPAPELLGG KTKPREEQYN VYTLPPSRDE SKLTVDKSRW	60 120 180 240 300 330
20	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2573 EXTENSIÓN: 330 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..330 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
30	RESIDUOS: ASTKGPSVFP GLYSLSSVVT PSVFLFPPKP STYRVVSVLR LTKNQVSLTC QQGNVFSCSV	LAPSSKSTSG VPSSSLGTQT KDTLMISRDP VLHVDWLNGK LVKGFYPSDI MHEALHNHYT	GTAALGCLVK YICNVNHPKS EVTCTVVDVS EYKCKVSNKA VVEWESNGQP QKSLSLSPGK	DYFPEPVTVS NTKVDKKVEP HEDPEVKFNW LPAPIEKTIS ENNYKTTPPV	WNSGALTSGV KSCDKTHTCP YVDGVEVADN KAKGQPREPQ LSDSGSFFLY	HTFPAVLQSS PCPAPELLGG KTKPREEQYN VYTLPPSRDE SKLTVDKSRW	60 120 180 240 300 330
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2574 EXTENSIÓN: 330 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..330 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
40	RESIDUOS: ASTKGPSVFP GLYSLSSVVT PSVFLFPPKP STYRVVSVLR LTKNQVSLTC QQGNVFSCSV	LAPSSKSTSG VPSSSLGTQT KDTLMISRDP VLHVDWLNGK LVKGFYPSDI MHEALHNHYT	GTAALGCLVK YICNVNHPKS EVTCTVVDVS EYKCKVSNKA VVEWESNGQP QKSLSLSPGK	DYFPEPVTVS NTKVDKKVEP HEDPEVKFNW LPAPIEKTIS ENNYKTTPPV	WNSGALTSGV KSCDKTHTCP YVDGVEVADN KAKGQPREPQ LSDSGSFFLY	HTFPAVLQSS PCPAPELLGG KTKPREEQYN VYTLPPSRDE SKLTVDKSRW	60 120 180 240 300 330
45	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2575 EXTENSIÓN: 330 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..330 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
50	RESIDUOS: ASTKGPSVFP GLYSLSSVVT PSVFLFPPKP STYRVVSVLR LTKNQVSLTC QQGNVFSCSV	LAPSSKSTSG VPSSSLGTQT KDTLMISRDP VLHVDWLNGK LVKGFYPSDI MHEALHNHYT	GTAALGCLVK YICNVNHPKS EVTCTVVDVS EYKCKVSNKA VVEWESNGQP QKSLSLSPGK	DYFPEPVTVS NTKVDKKVEP HEDPEVKFNW LPAPIEKTIS ENNYKTTPPV	WNSGALTSGV KSCDKTHTCP YVDGVEVADN KAKGQPREPQ LSDSGSFFLY	HTFPAVLQSS PCPAPELLGG KTKPREEQYN VYTLPPSRDE SKLTVDKSRW	60 120 180 240 300 330
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2576 EXTENSIÓN: 330 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..330 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
60	RESIDUOS: ASTKGPSVFP GLYSLSSVVT PSVFLFPPKP STYRVVSVLR LTKNQVSLTC QQGNVFSCSV	LAPSSKSTSG VPSSSLGTQT KDTLMISRDP VLHVDWLNGK LVKGFYPSDI MHEALHNHYT	GTAALGCLVK YICNVNHPKS EVTCTVVDVS EYKCKVSNKA VVEWESNGQP QKSLSLSPGK	DYFPEPVTVS NTKVDKKVEP HEDPEVKFNW LPAPIEKTIS ENNYKTTPPV	WNSGALTSGV KSCDKTHTCP YVDGVEVADN KAKGQPREPQ LSDSGSFFLY	HTFPAVLQSS PCPAPELLGG KTKPREEQYN VYTLPPSRDE SKLTVDKSRW	60 120 180 240 300 330
65	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2577 EXTENSIÓN: 330 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..330 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
70	RESIDUOS: ASTKGPSVFP GLYSLSSVVT PSVFLFPPKP STYRVVSVLR LTKNQVSLTC QQGNVFSCSV	LAPSSKSTSG VPSSSLGTQT KDTLMISRDP VLHVDWLNGK LVKGFYPSDI MHEALHNHYT	GTAALGCLVK YICNVNHPKS EVTCTVVDVS EYKCKVSNKA VVEWESNGQP QKSLSLSPGK	DYFPEPVTVS NTKVDKKVEP HEDPEVKFNW LPAPIEKTIS ENNYKTTPPV	WNSGALTSGV KSCDKTHTCP YVDGVEVADN KAKGQPREPQ LSDSGSFFLY	HTFPAVLQSS PCPAPELLGG KTKPREEQYN VYTLPPSRDE SKLTVDKSRW	60 120 180 240 300 330
75	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2577 EXTENSIÓN: 330 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..330 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
80	RESIDUOS: ASTKGPSVFP GLYSLSSVVT PSVFLFPPKP STYRVVSVLR LTKNQVSLTC QQGNVFSCSV	LAPSSKSTSG VPSSSLGTQT KDTLMISRDP VLHVDWLNGK LVKGFYPSDI MHEALHNHYT	GTAALGCLVK YICNVNHPKS EVTCTVVDVS EYKCKVSNKA VVEWESNGQP QKSLSLSPGK	DYFPEPVTVS NTKVDKKVEP HEDPEVKFNW LPAPIEKTIS ENNYKTTPPV	WNSGALTSGV KSCDKTHTCP YVDGVEVADN KAKGQPREPQ LSDSGSFFLY	HTFPAVLQSS PCPAPELLGG KTKPREEQYN VYTLPPSRDE SKLTVDKSRW	60 120 180 240 300 330
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2577 EXTENSIÓN: 330 TIPO DE MOLÉCULA: AA CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES: - FUENTE, 1..330 > TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						

5	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAAG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVADN	CTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLR	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
10	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2578						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
15	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
20	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAAG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRDP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVADN	CTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLR	VLHVDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	VVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
25	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2579						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
30	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
35	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	CTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHRDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2580						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
45	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
50	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	CTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHRDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2581						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
60	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	120
65	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	CTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHRDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
70	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2582						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
75	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHPKS	NTKVDDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAAG	120
80	PSVFLFPPKP	KDTLMISRTP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	CTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHRDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LDSGGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFSCSV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
85	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2583						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						

	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
5	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHRDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFCSCV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
10	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2584						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
15	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
20	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGA	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHRDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFCSCV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
25	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2585						
	EXTENSIÓN: 330						
	TIPO DE MOLÉCULA: AA						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..330						
30	> TIPO DE MOLÉCULA, PROTEÍNA						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
35	RESIDUOS:						
	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	60
	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTQT	YICNVNHKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPEAAGG	120
	PSVFLFPPKP	KDTLMISRT	EVTCTVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	180
	STYRVVSVLT	VLHRDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	VYTLPPSRDE	240
	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP	ENNYKTTPPV	LSDSGSFFLY	SKLTVDKSRW	300
	QQGNVFCSCV	LHEALHNHYT	QKSLSLSPGK				330
40	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2586						
	EXTENSIÓN: 1353						
	TIPO DE MOLÉCULA: ADN						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..1353						
45	> TIPO DE MOLÉCULA, OTRO ADN						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
50	RESIDUOS:						
	GAAGTGACG	TGGTCGAATC	TGGCGGAGGA	CTCGTCAAGC	CAGGAGGATC	CTTGAGGCTC	60
	TCCTGTGCGC	CCAGCGGATT	CACCTTTTATC	AATGCCTGGA	TGACCTGGGT	GCGACAGGCT	120
	CCCGGGAAGG	GGCTCGAGTG	GGTCGGCCGC	ATCAAGTCCA	AGATCGATGC	CGGAAGTACT	180
	GACTATGCTG	CACCTGTGAA	AGGTAGGTTT	ACTATTCTC	GGGACGATAG	TAAGAACACA	240
	TTGTACCTGC	AGATGAATC	TCTGAAGACC	GAGGACACAG	CTGTATACTA	TTGCACTACA	300
	GACCTCGGTT	GGGGCGAAAA	CTATTGGGGA	CAGGGCACAC	TCGTACTGT	TAGTTCACTG	360
55	AGCACCAAGG	GCCCATCGGT	CTTCCCCCTG	GCACCCTCCT	CCAAGAGCAC	CTCTGGGGGC	420
	ACAGCGGCCC	TGGGCTGCCT	GGTCAAGGAC	TACTTCCCCG	AACCGGTGAC	GGTGTCTGTG	480
	AACTCAGGCG	CCTTGACCAG	CGGCGTGAC	ACCTTCCCGG	CCGTCTTACA	GTCCTCAGGA	540
	CTCTACTCCC	TACGACGCGT	GGTGACCGTG	CCCTCCAGCA	GCTTGGGCAC	CCAGACCTAC	600
	ATCTGCAACG	TGAATCACAA	GCCCAAGCA	ACCAAGGTGG	ACAAGAAGGT	TGAGCCCAAA	660
60	TCTTGTGACA	AAACTCACAC	ATGCCACCG	TGCCCAGCAC	CTGAAGCCGC	TGGGGGACCG	720
	TCAGTCTTCC	TCTTCCCCC	AAAACCAAG	GACACCTCT	ACATCACCCTG	GGAGCCTGAG	780
	GTACATGCG	TGGTGGTGGA	CGTGAGCCAC	GAAGACCCTG	AGGTCAAGTT	CAACTGGTAC	840
	GTGGACGGCG	TGGAGGTGCA	TAATGCCAAG	ACAAAGCCGC	GGGAGGAGCA	GTACAACAGC	900
	ACGTACCGTG	TGGTCAGCGT	CCTCACCGTC	CTGCACCAGG	ACTGGCTGAA	TGGCAAGGAG	960
65	TACAAAGTGA	AGGTCTCCAA	CAAAGCCCTC	CCAGCCCCCA	TCGAGAAAAC	CATCTCCAAA	1020
	GCCAAAGGGG	AGCCCCGAGA	ACCACAGGTG	TACACCTCTG	CCCCATCCCG	GGACGAGCTG	1080
	ACCAAGAACC	AGGTGACGCT	GACCTGCCTG	GTCAAAGGCT	TCTATCCAG	CGACATCGCC	1140
	GTGGAGTGGG	AGAGCAATGG	GCAGCCGGAG	AACAACCTACA	AGACCACGCC	TCCCGTCTGT	1200
	GACTCCGACG	GCTCTCTCTT	CCTCTACAGC	AAGCTCACCG	TGGACAAGAG	CAGGTGGCAG	1260
70	CAGGGGAACG	TCTTCTCATG	CTCCGTGATG	CATGAGGCTC	TGCACAACCA	CTACACGCAG	1320
	AAGAGCCTCT	CCCTGTCTCC	GGGCAATAAA	TAG			1353
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2587						
	EXTENSIÓN: 651						
	TIPO DE MOLÉCULA: ADN						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..651						
75	> TIPO DE MOLÉCULA, OTRO ADN						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
80	RESIDUOS:						
	GAGAACGTGC	TTACACAGTC	TCCAGGCACA	TTGAGCCTCT	CACCTGGGGA	GCGGGCCACC	60
	CTCTCATGCC	GGGCCAGCCA	GCGCGTCTCT	TCCAGTATCT	TGGTGTGGTA	CCAGCAGAACT	120
	CCAGGACAGG	CTCCAGACT	GCTGATCTAT	GGCGCTCTCT	CCAGGGCTAC	TGGATTCTG	180
	GACCGATTCA	GCGGCTCTGG	GAGTGGAAAC	GATTTTACCC	TTACTATCTC	CCGTCTCGAA	240
	CCCGAAGATT	TGCGAGTGTA	CTACTGTGAC	CAATACGGCT	CTAGTCCCTA	TACATTGCGA	300
85	CAAGGGACTA	AACTGGAGAT	CAACGTACG	GTGGCTGAC	CATCTGTCTT	CATCTTCCCG	360
	CCATCTGATG	AGCAGTTGAA	ATCTGGAAT	GCCTCTGTTG	TGTGCTGCT	GAATAACTTC	420
	TATCCAGAG	AGGCCAAAGT	ACAGTGGAA	GTGGATAACG	CCCTCCAATC	GGGTAACCTC	480
	CAGGAGAGTG	TCACAGAGCA	GGACAGCAAG	GACAGACCT	ACAGCCTCAG	CAGCACCTCT	540
	ACGCTGAGCA	AAGCAGACTA	CGAGAAACAC	AAAGTCTACG	CCTGCGAAGT	CACCCATCAG	600

	GGCCTGAGCT	CGCCCGTCAC	AAAGAGCTTC	AACAGGGGAG	AGTGTTAATA	G	651
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2588						
	EXTENSIÓN: 1350						
5	TIPO DE MOLÉCULA: ADN						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..1350						
	> TIPO DE MOLÉCULA, OTRO ADN						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
10	RESIDUOS:						
	CAAGTGCAGC	TAGTGAATC	AGGTGCCGAA	GTAAAGAAC	CTGGAGCCTC	AGTCAAGGTT	60
	TCTTGCAAGG	CTAGCGGCTA	CACCTTCACT	GCTTATTACA	TGCACTGGGT	CAGACAGGCC	120
	CCAGGTCAAG	GACTGGAGTG	GATGGGCTGG	ATCAACCCAA	AGTCTGGAGG	CACTAATTAC	180
	GCAGCAACAA	TTCAGGGGCG	GGTGACCATG	ACCCGCGACA	CCTCCATCTC	CACCGCCTAC	240
15	ATGGAGCTGA	GCGGCTGAC	CAGTGACGAT	ACAGCCGTGT	ACTACTGTGC	TGTCGGTGGC	300
	TCTTATGATG	CTTTGACAT	CTGGGGCCAG	GGGACTATGG	TAAAGTCAG	TTCCGCTAGC	360
	ACCAAGGGCC	CATCGGTCTT	CCCCCTGGCA	CCCTCCTCCA	AGAGCACCTC	TGGGGGCACA	420
	GCGGCCCTGG	GCTGCCTGGT	CAAGGACTAC	TTCCCGGAAC	CGGTGACGGT	GTCGTGGAAC	480
20	TCAGGCGCCC	TGACCAGCGG	CGTGACACCC	TTCCCGGCGG	TCCTACAGTC	CTCAGGACTC	540
	TACTCCCTCA	GCAGCGTGGT	GACCGTGCCC	TCCAGCAGCT	TGGGCACCCA	GACCTACATC	600
	TGCAACGTGA	ATCACAAGCC	CAGCAACACC	AAGGTGGACA	AGAAGGTTGA	GCCCAATCT	660
	TGTGACAAAA	CTCACACATG	CCCACCGTGC	CCAGCACCTG	AAGCCGCTGG	GGGACCGTCA	720
	GTCTTCTCT	TCCCCCAAAA	ACCCAAGGAC	ACCCTCTACA	TCACCCGGGA	GCCTGAGGTC	780
25	ACATGCGTGG	TGGTGGACGT	GAGCCACGAA	GACCCTGAGG	TCAGGTTCAA	CTGGTACGTG	840
	GACGGCGTGG	AGGTGCATAA	TGCCAAGACA	AAGCCGCGGG	AGGAGCAGTA	CAACAGCACG	900
	TACCGTGTGG	TCAGCGTCTT	CACCGTCTG	CACCAAGGAC	GGCTGAATGG	CAAGGAGTAC	960
	AAGTGCAAGG	TCTCCAACAA	AGCCCTCCCA	GCCCCATCG	AGAAAACCAT	CTCCAAAGCC	1020
	AAAGGGCAGC	CCCGAGAACC	ACAGGTGTAC	ACCCTGCCCC	CATCCCGGGA	CGAGCTGACC	1080
	AAGAACCAGG	TCAGCCTGAC	CTGCCTGGTC	AAAGGCTTCT	ATCCCAAGCA	CATCGCCGTG	1140
30	GAGTGGGAGA	GCAATGGGCA	GCCGGAGAAC	AACTACAAGA	CCACGCCTCC	CGTGCTGGAC	1200
	TCCGACGGCT	CCTTCTTCCT	CTACAGCAAG	CTCACCCTGG	ACAAGAGCAG	GTGGCAGCAG	1260
	TGGAACTGCT	TCTCATGCTC	CGTGATGCAT	GAGGCTCTGC	ACAACCACTA	CACGCAGAAG	1320
	AGCCTCTCCC	TGTCTCCGGG	CAATAATAG				1350
35	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2589						
	EXTENSIÓN: 648						
	TIPO DE MOLÉCULA: ADN						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..648						
	> TIPO DE MOLÉCULA, OTRO ADN						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
40	RESIDUOS:						
	GACATTCAGA	TGACCCAGTC	ACCCTCCAGC	TTGTCAGCTA	GTGTCGGTGA	CCGAGTGACC	60
	ATAACCTGTC	GGGCTAGCCA	ATCAATTAGT	AGCTACCTCA	ATTGGTAGCA	GCAAAAGCCC	120
45	GGCAAAAGCAC	CAAAATTCCT	CATCTATGGA	GCAAGCAGGC	TACAGTCAGG	CGTGCCTTCA	180
	CGCTTTAGTG	GCAGCGGGAG	CGGCACAGAC	TTACCCCTGT	CTATCTCGTC	ACTACAACCT	240
	GAAAGACTTCG	CCACCTATTA	TTGTCAACAA	GGCACTCCA	CACCAATCAC	TTTCGGGCCA	300
	GGCAACCAAG	TCGAGATCAA	CGGTACGGTG	GCTGCACCAT	CTGTCTTCAT	CTTCCCGCCA	360
50	TCTGATGAGC	AGTTGAAATC	TGGAAGTGGC	TCTGTTGTGT	GCCTGCTGAA	TAACCTTCTAT	420
	CCCAGAGAGG	CCAAAGTACA	GTGAAGGTG	GATAACGCC	TCCAATCGGG	TAACCTCCAG	480
	GAGAGTGTCA	CAGAGCAGGA	CAGCAAGGAC	AGCACCTACA	GCCTCAGCAG	CACCTGACG	540
	CTGAGCAAGG	GAGACTACGA	GAAACACAAA	GTCTACGCCT	GCGAAGTCAC	CCATCAGGGC	600
	CTGAGCTCGC	CCGTCAACAA	GAGCTTCAAC	AGGGGAGAGT	GTAAATAG		648
55	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2590						
	EXTENSIÓN: 1350						
	TIPO DE MOLÉCULA: ADN						
	CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:						
	- FUENTE, 1..1350						
	> TIPO DE MOLÉCULA, OTRO ADN						
	> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA						
60	RESIDUOS:						
	GAGTCCAGC	TCGTTCAATC	GGGCGCCGAA	GTAAAGAAAC	CCGGAGCTTC	TGTGAAAGTG	60
	TCTTGCAAAG	CTAGTGGTTA	TACATTCACC	GCCTACTACA	TTCCTGCGGT	TAGGCAGGCC	120
65	CCAGGGCCAG	GGCTGGAGTG	GATGGGATGG	GTCAACCCTA	AGTCTGGTGG	TACAAATTAC	180
	GCCCAATCCT	TCCAAGGGAG	AGTGACCATG	ACCGGCATA	CTTCCATCAC	CACGGCATAC	240
	ATGGACTTGA	GCGAGCTCAG	GAGCGACGAC	ACTGCTGTGT	ACTACTGCGC	CGTTGGCGGA	300
	TCCTTCGACG	CTTTTGATAT	CTGGGGCCAG	GGCACCATGG	TGACGGTCTC	TTCTGCTAGC	360
	ACCAAGGGCC	CATCGGTCTT	CCCCCTGGCA	CCCTCCTCCA	AGAGCACCTC	TGGGGGCACA	420
70	GCGGCCCTGG	GCTGCCTGGT	CAAGGACTAC	TTCCCGGAAC	CGGTGACGGT	GTCGTGGAAC	480
	TCAGGCGCCC	TGACCAGCGG	CGTGACACCC	TTCCCGGCGG	TCCTACAGTC	CTCAGGACTC	540
	TACTCCCTCA	GCAGCGTGGT	GACCGTGCCC	TCCAGCAGCT	TGGGCACCCA	GACCTACATC	600
	TGCAACGTGA	ATCACAAGCC	CAGCAACACC	AAGGTGGACA	AGAAGGTTGA	GCCCAATCT	660
	TGTGACAAAA	CTCACACATG	CCCACCGTGC	CCAGCACCTG	AAGCCGCTGG	GGGACCGTCA	720
75	GTCTTCTCT	TCCCCCAAAA	ACCCAAGGAC	ACCCTCTACA	TCACCCGGGA	GCCTGAGGTC	780
	ACATGCGTGG	TGGTGGACGT	GAGCCACGAA	GACCTGAGG	TCAAGTTCAA	CTGGTACGTG	840
	GACGGCGTGG	AGGTGCATAA	TGCCAAGACA	AAGCCGCGGG	AGGAGCAGTA	CAACAGCACG	900
	TACCGTGTGG	TCAGCGTCTT	CACCGTCTG	CACCAAGGAC	GGCTGAATGG	CAAGGAGTAC	960
	AAGTGCAAGG	TCTCCAACAA	AGCCCTCCCA	GCCCCATCG	AGAAAACCAT	CTCCAAAGCC	1020
	AAAGGGCAGC	CCGAGAACC	ACAGGTGTAC	ACCCTGCCCC	CATCCCGGGA	CGAGCTGACC	1080
	AAGAACCAGG	TCAGCCTGAC	CTGCCTGGTC	AAAGGCTTCT	ATCCCAAGCA	CATCGCCGTG	1140
	GAGTGGGAGA	GCAATGGGCA	GCCGGAGAAC	AACTACAAGA	CCACGCCTCC	CGTGCTGGAC	1200
80	TCCGACGGCT	CCTTCTTCCT	CTACAGCAAG	CTCACCCTGG	ACAAGAGCAG	GTGGCAGCAG	1260
	GGGAACGTCT	TCTCATGCTC	CGTGATGCAT	GAGGCTCTGC	ACAACCACTA	CACGCAGAAG	1320
85	AGCCTCTCCC	TGTCTCCGGG	CAATAATAG				1350
	IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2591						
	EXTENSIÓN: 648						
	TIPO DE MOLÉCULA: ADN						

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..648
- > TIPO DE MOLÉCULA, OTRO ADN
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

GATATTGTCA	TGACCCAGTC	TCCATCATCA	CTGAGTGTCT	CTGTGCGGAGA	TAGAGTCACA	60
ATCACATGTC	GTGCAAGCCA	ATCTATCTCT	TCATACCTGA	ACTGGTACCA	ACAAAAACCT	120
GGGAAGGCTC	CAAAGTTCCT	CATTTATGGC	GCCAGCTCCC	TCCAAAGCGG	GGTACCTTCG	180
AGGTTACAGCG	GCAGTGGCTC	TGGCACCAGAC	TTTACACTCA	CCATTAGTTC	CTTGCAACCG	240
GAGGATTTTG	CAACCTACTA	TTGTCAACAA	GGCCATAGTA	CTCCCTTTAC	ATTTGGCCCC	300
GGAAACAAAG	TAGACATTAA	GCGTACGGTG	GCTGCACCAT	CTGTCTTCAT	CTTCCCGCCA	360
TCTGATGAGC	AGTTGAAATC	TGGAACTGCC	TCTGTTGTGT	GCCTGCTGAA	TAACCTCTAT	420
CCCAGAGAGG	CCAAAGTACA	GTGGAAGGTG	GATAACGCCC	TCCAATCGGG	TAACCTCCAG	480
GAGAGTGTCA	CAGAGCAGGA	CAGCAAGGAC	AGCACCTACA	GCCTCAGCAG	CACCTGACG	540
CTGAGCAAAG	CAGACTACGA	GAAACACAAA	GTCTACGCCT	GCGAAGTCAC	CCATCAGGGC	600
CTGAGCTCGC	CCGTACACAA	GAGCTTCAAC	AGGGGAGAGT	GTTAATAG		648

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2592

EXTENSIÓN: 1350

TIPO DE MOLÉCULA: ADN

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..1350
- > TIPO DE MOLÉCULA, OTRO ADN
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

GAAGTGCAGT	TGGTACAAAG	TGGCGCCGAG	GTAAAGAAGC	CTGGGGCCTC	CGTGAAGGTG	60
TCTTGTAAG	CCTCTGGATA	CACCTTCACT	GGTTACTATA	TGCACTGGGT	CCGGCAAGCT	120
CCGGGACAGG	GTCTGGAGTG	GATGGGCTGG	ATCAATCCAA	AATCAGGAGG	AACCAACTAT	180
GCACAAAAAT	TCCAGGGCAG	AGTCACCATG	ACCCGGGATA	CAAGTATTTT	AACCGCGTAC	240
ATGGAGCTGA	GCAGGCTAAT	ATCGGACGAC	ACCCTGTCT	ACTACTGCGC	CACTGGGGGC	300
AGCTTCGATG	CTTTCGATGT	CTGGGGACAG	GGCACTATGG	TGACAGTGTC	TAGCGTAGC	360
ACCAAGGGCC	CATCGGTCTT	CCCTCTGGCA	CCCTCTCCCA	AGAGCACCTC	TGGGGGCACA	420
GGGGCCCTGG	GCTGCCTGGT	CAAGGACTAC	TTCCCCGAAC	CGGTGACGGT	GTCGTGGAAC	480
TCAGGCGCCC	TGACCAGCGG	CGTGACACCC	TTCCCGGCCG	TCCTACAGTC	CTCAGGACTC	540
TACTCCCTCA	GCAGCGTGGT	GACCGTGCCC	TCCAGCAGCT	TGGGCACCCA	GACCTACATC	600
TGCAACGTGA	ATCACAAAGC	CAGCAACACC	AAGGTGGACA	AGAAGGTTGA	GCCCAAACTC	660
TGTGACAAAA	CTCACACATG	CCACCGTGCC	CCAGCACCTG	AAGCCGCTGG	GGGACCGTCA	720
GTCTTCTCT	TCCCCCAAAA	ACCAAGGAC	ACCCTCTACA	TCACCCGGGA	GCCTGAGGTC	780
ACATGCGTGG	TGGTGGACGT	GAGCCACGAA	GACCCTGAGG	TCAAGTTCAA	CTGGTACGTG	840
GACGGCGTGG	AGGTGCATAA	TGCCAAGACA	AAGCCGCGGG	AGGAGCAGTA	CAACAGCACG	900
TACCGTGTGG	TCAGCGTCTT	CACCGTCTTG	CACCAGGACT	GGCTGAATGG	CAAGGAGTAC	960
AAGTGCAAGG	TCTCCAACAA	AGCCCTCCCA	GCCCCCATCG	AGAAAAACCAT	CTCCAAAGCC	1020
AAAGGGCAGC	CCCAGAAACC	ACAGGTGTAC	ACCCTGCCCC	CATCCCGGGA	CGAGCTGACC	1080
AAGAACCAGG	TCAGCCTGAC	CTGCCTGGTC	AAAGGCTTCT	ATCCCAAGCA	CATCGCGGTG	1140
GAGTGGGAGA	GCAATGGGCA	CCCGGAGAAC	AACATAAAGA	CCACGCCTCC	CGTCTGGGAC	1200
TCCGACGGCT	CCTTCTTCTT	CTACAGCAAG	CTCACCCTGG	ACAAGAGCAG	GTGGCAGCAG	1260
GGGAACGTCT	TCTCATGCTC	CGTGATGCAT	GAGGCTCTGC	ACAACCACTA	CACGCAGAAG	1320
AGCCTCTCCC	TGCTCCGGG	CAATAATAG				1350

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2593

EXTENSIÓN: 648

TIPO DE MOLÉCULA: ADN

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..648
- > TIPO DE MOLÉCULA, OTRO ADN
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

GACATCGTGA	TGACACAAAG	CCCTTCTTCT	CTGAGTGCAT	CCGTTGGAGA	CCGCGTGACT	60
ATCACCTGCC	GGGCCAGCCA	GAGCATCTCT	TCATATTTGA	ACTGGTACCA	ACAATCTCCT	120
GGCAAGGCAC	CAAAGATCCT	CATATATGGA	GCAAGTAGAC	TGCAATCAGG	CGTTCCTAGC	180
CGATTTTCCG	GAAGCGGATC	AGGGACCGAC	TTTACATTGG	CTATTTCAAG	CCTGCAACCC	240
GAAGATTTCG	CTACCTATTA	TTGTCAACAA	GGCGACAACA	CTCCCTTTAC	CTTCGGACCA	300
GGGACCAAGT	TGGAGATCAA	GCGTACGGTG	GCTGCACCAT	CTGTCTTCAT	CTTCCCGCCA	360
TCTGATGAGC	AGTTGAAATC	TGGAACCTGCC	TCTGTTGTGT	GCCTGCTGAA	TAACCTCTAT	420
CCCAGAGAGG	CCAAAGTACA	GTGGAAGGTG	GATAACGCCC	TCCAATCGGG	TAACCTCCAG	480
GAGAGTGTCA	CAGAGCAGGA	CAGCAAGGAC	AGCACCTACA	GCCTCAGCAG	CACCTGACG	540
CTGAGCAAAG	CAGACTACGA	GAAACACAAA	GTCTACGCCT	GCGAAGTCAC	CCATCAGGGC	600
CTGAGCTCGC	CCGTACACAA	GAGCTTCAAC	AGGGGAGAGT	GTTAATAG		648

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2594

EXTENSIÓN: 1350

TIPO DE MOLÉCULA: ADN

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..1350
- > TIPO DE MOLÉCULA, OTRO ADN
- > ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

RESIDUOS:

CAGGTGCAGC	TCGTTCAATC	TGGAGCAGAA	GTAAAGCGGC	CAGGCGCCTC	TGTAAGGTG	60
TCTTGCAAGG	CCAGCGGATA	CACCTTTACC	GCTTACTACT	TGCACTGGGT	CAGGCAGGCA	120
CCGGGCCAGG	GCTTGGGAATG	GATGGGATGG	ATCAACCCTA	AGAGTGGTGG	CACCAATTAT	180
GCCCCAAAAAT	TTCAGGATCG	AGTCACATAG	ACCGGGGACA	CTTCTATTAG	CACTGCATAT	240
ATGGAGCTCA	GCCGCTGAG	ATCCGATGAC	ACAGCCGTGT	ACTACTGTGC	TGTTGGCGGT	300
AGTTATGACG	CTTTCGACAT	CTGGGGCCAG	GGCACCATGG	TGACTGTGTC	ATCAGCTAGC	360
ACCAAGGGCC	CATCGGTCTT	CCCTCTGGCA	CCCTCTCTCA	AGAGCACCTC	TGGGGGCACA	420
GCGGCGCTGG	GCTGCCTGGT	CAAGGACTAC	TTCCCCGAAC	CGGTGACGGT	GTCGTGGAAC	480
TCAGGCGCCC	TGACCAGCGG	CGTGACACCC	TTCCCGGCCG	TCCTACAGTC	CTCAGGACTC	540
TACTCCCTCA	GCAGCGTGGT	GACCGTGCCC	TCCAGCAGCT	TGGGCACCCA	GACCTACATC	600
TGCAACGTGA	ATCACAAAGC	CAGCAACACC	AAGGTGGACA	AGAAGGTTGA	GCCCAAACTC	660
TGTGACAAAA	CTCACACATG	CCACCGTGCC	CCAGCACCTG	AAGCCGCTGG	GGGACCGTCA	720

5	GTCTTCCTCT	TCCCCCAAA	ACCCAAGGAC	ACCCTCTACA	TCACCCGGGA	GCCTGAGGTC	780
	ACATGCGTGG	TGGTGGACGT	GAGCCACGAA	GACCCTGAGG	TCAAGTTCAA	CTGGTACGTG	840
	GACGGCGTGG	AGGTGCATAA	TGCCAAGACA	AAGCCGCGGG	AGGAGCAGTA	CAACAGCACG	900
	TACCGTGTGG	TCAGCGTCCT	CACCGTCCTG	CACCAGGACT	GGCTGAATGG	CAAGGAGTAC	960
	AAGTGCAAGG	TCTCCAACAA	AGCCCTCCCA	GCCCCATCG	AGAAAAACCAT	CTCCAAAGCC	1020
	AAAGGGCAGC	CCCGAGAACC	ACAGGTGTAC	ACCCTGCCCC	CATCCCGGGA	CGAGCTGACC	1080
	AAGAACCAGG	TCAGCCTGAC	CTGCCTGGTC	AAAGGCTTCT	ATCCCAGCGA	CATCGCCGTG	1140
	GAGTGGGAGA	GCAATGGGCA	GCCGGAGAAC	AACTACAAGA	CCACGCCTCC	CGTGCTGGAC	1200
10	TCCGACGGCT	CCTTCTTCCT	CTACAGCAAG	CTCACCCTGG	ACAAGAGCAG	GTGGCAGCAG	1260
	GGGAACGTCT	TCTCATGCTC	CGTGATGCAT	GAGGCTCTGC	ACAACCACTA	CACGCAGAAG	1320
	AGCCTCTCCC	TGTCTCCGGG	CAAATAATAG				1350

IDENTIFICADOR DE LA SECUENCIA: 2595

EXTENSIÓN: 648

TIPO DE MOLÉCULA: ADN

CARACTERÍSTICAS LOCALIZACIÓN/CALIFICADORES:

- FUENTE, 1..648

> TIPO DE MOLÉCULA, OTRO ADN

> ORGANISMO, CONSTRUCCIÓN SINTÉTICA

20	RESIDUOS:						
	GACATCCAGA	TGACCCAGAG	CCCATCAAGT	CTCAGCGCCA	GTGTCGGGGA	CAGAGTGACT	60
	ATAACTTGTC	GCGCTAGTCA	GTCCATTCAA	TCCTATCTGA	ACTGGTACCA	GCAAAAGCCC	120
	GGCAAGGCAC	CAAAATTCCT	CATTTATGGT	GCTAGTTCTC	TACAATCTGG	CGTCCCGTCC	180
25	CGTTTCTCCG	GAAGCGGCAG	CGGCACCGAT	TTTACTCTGA	CCATCTCTTC	TCTGCAACCA	240
	GAAGACTTCG	CTACTTATTA	CTGCCAACAA	GGCTACTCTA	CACCTTTTAC	TTTTGGACCA	300
	GGCACCAAGG	TTGAGATTAA	ACGTACGGTG	GCTGCACCAT	CTGTCTTCAT	CTTCCCGCCA	360
	TCTGATGAGC	AGTTGAAATC	TGGAAGTACC	TCTGTTGTGT	GCCTGCTGAA	TAACCTCTAT	420
	CCCAGAGAGG	CCAAAGTACA	GTGGAAGGTG	GATAACGCCC	TCCAATCGGG	TAACCTCCAG	480
	GAGAGTGTCA	CAGAGCAGGA	CAGCAAGGAC	AGCACCTACA	GCCTCAGCAG	CACCCTGACG	540
30	CTGAGCAAAG	CAGACTACGA	GAAACACAAA	GTCTACGCCT	GCGAAGTCAC	CCATCAGGGC	600
	CTGAGCTCGC	CCGTCACAAA	GAGCTTCAAC	AGGGGAGAGT	GTTAATAG		648

FIN