

Lista de secuencias

1 Información sobre la lista de secuencias

1-1	Nombre del fichero	DF233611.xml
1-2	Versión de la DTD	V1_3
1-3	Nombre del software	WIPO Sequence
1-4	Versión del software	2.3.0
1-5	Fecha de producción	2023-10-11

2 Información general

2-4	Solicitud actual: Referencia al expediente del solicitante	DF233611
2-8en	Nombre del solicitante	Suntory Holdings Limited
2-10en	Título de la invención	A transformed plant with modified flower color and a new compound contained therein
2-10ja	Título de la invención	PLANTA TRANSGÉNICA CON COLORACIÓN FLORAL MODIFICADA Y NUEVO COMPUESTO CONTENIDO EN LA MISMA
2-11	Número total de secuencias	12

3-1 Secuencias

3-1-1	Identificador de la secuencia	1
3-1-2	Tipo de molécula	DNA

3-1-3 Extensión

1257

3-1-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..1257

mol_type = other DNA

organism = synthetic construct

3-1-5 Residuos

atgaagcaca gttcggatat ctgcatagtt ggggccggta taccaggact tacatgtgcc60
tcgcatctct tggacagtcc agcatgtagg ggtctttctc tccgcatctt tgacatgcaa120
caagaagccg gaggccgaat taggtccaag atgcttgacg gaaaagcctc gattgagttg180
ggtgctggta ggtatagccc tcagttgcat cctcacttcc aatctgccat gcagcactac240
agtcagaaga gtgagggtcta cccgtttacg caactcaagt tcaagagcca cgttaacag300
aagctcaaac gcgctatgaa cgagttgagt cccagattga aggagcatgg gaaagagtcc360
ttcttgacgt tcgtgtcccg ataccaaggg catgatagcg cagtaggcat gattcgctca420
atgggctatg atgccctttt tctcccgac attccgccg agatggcata tgacatagtg480
ggcaaacacc ccgaaatcca gtctgttacc gacaatgacg caaaccagtg gtttcagca540
gagactggct ttgcaggact gattcagggg attaaggcaa aggttaaggc tgctggagcc600
cgtttctcgc tgggttatcg gcttcttca gttcgcacag atggggatgg ctactgtta660
caattagcag gtgatgatgg ttggaaactc gagcacagaa ctaggcactt gatactcgcc720
attccaccgt ctgctatggc tggcctgaat gtcgacttc ctgaggcttg gtctggggct780
agatacggga gttgcctct ctcaaggga ttctgacct acggtgaacc atggtggctc840
gactacaaac ttgacgatca agtcttgatc gtggacaatc cgcttaggaa gatctacttc900

aagggggata agtacctctt cttctacacc gactccgaaa tggccaacta ctggagaggt960
tgcgtagctg aggggtgagga cgggtacttg gaacagatcc gtacacatct cgcttctgcg1020
ctaggggatcg tgcgtgagcg tattcctcaa ccgtagctc acgtgcacaa atactgggca1080
catggtgtcg agttttgtcg ggattctgac attgaccacc cttctgccct ctcacatcgg1140
gattcaggaa ttatcgcctg tagcgatgca tacactgagc attgtggttg gatggaagga1200
gggttactaa gtgctcgga agcttcacgt ttgtactgc aacgaattgc agcctaa1257

3-2 Secuencias

3-2-1	Identificador de la secuencia	2
3-2-2	Tipo de molécula	AA
3-2-3	Extensión	418
3-2-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..418 mol_type = protein organism = Chromobacterium violaceum
3-2-5	Residuos	MKHSSDICIV GAGISGLTCA SHLLDSPACR GLSLRIFDMQ QEAGGRIRSK MLDGKASIEL60 GAGRYSPQLH PHFQSAMQHY SQKSEVYPFT QLKFKSHVQQ KLKRAMNELS PRLKEHGKES120 FLQFVSRYQG HDSAVGMIRS MGYDALFLPD ISAEMAYDIV GKHPEIQSVT DNDANQWFAA180 ETGFAGLIQG IKAKVKAAGA RFSLGYRLLS VRTDGDGYLL QLAGDDGWKL EHRTRHLILA240 IPPSAMAGLN VDFPEAWSGA RYGSLPLFKG FLTYGEPWWL DYKLDDQVLI VDNPLRKIYF300

KGDKYLFFYT DSEMANYWRG CVAEGEDGYL EQIRTHLASA LGIVRERIPQ PLAHVHKYWA360
HGVEFCRDS DHP SALS HR DSGIIACSDA YTEHCGWMEG GLLSAREASR LLLQRIAA418

3-3 Secuencias

3-3-1	Identificador de la secuencia	3
3-3-2	Tipo de molécula	DNA
3-3-3	Extensión	2997
3-3-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..2997 mol_type = other DNA organism = synthetic construct

3-3-5 Residuos

atgtc gatct tggactttc tcgatccac ttcaggggtt gggctcgggt caatgtccg60
actgccaatc gcgatccgca tggacacatt gatatggcgt ctaatacagt tgcaatggca120
ggggagccgt ttgattggc cagacatcca actgagtttc acagacattt gcgttctctt180
ggtccccgct ttggcctcga tggccgagcc gatcccgaag gaccgttag tctggcagaa240
ggctacaacg ctgccggtaa caaccacttc tcttgggaga gtgccacggt gtctcacgtt300
cagtgggacg ggggtgaggc agaccgcgga gatggactgg tcggtgctag actcgctctt360
tggggtcatt acaatgatta ccttcgcaca acgtttaatc gggctagggt ggtggatagc420
gatccaacca gaagagacgc tgcacagatc tatgtggcc aattcaccat ctgcctgca480
ggtgctggac ctggaacgcc gtggctcttc acagctgaca tcgacgacag tcatggtgct540

cgatggacca gaggtgggca tattgccgag cgtggtggac atttcttga cgaggagtt600
ggcttggctc gcttgttca attctccgtg ccaaaggacc atcctcactt cttgtttcac660
cctggtccct ttgactcaga agcctggcgg aggtccagc ttgctctga ggatgacgac720
gttctcgggt tgactgttca gtacgcattg ttcaacatgt ctactcctcc gcaaccaat780
tccccggtt tccatgatat ggtgggggta gtcggacttt ggcgtagggg cgaactgcc840
agttatcctg cagggcggtt acttcgcct aggcaaccg gttgggtga cttgacctg900
cgtgtgaatg gcggtagagt cgctctgaac cttgcctgtg caattccatt ctctactga960
gccgctcagc cgtcggcacc ggaccgcctc acaccggact taggggcaaa gctgcctctt1020
ggggacttac ttctcagga cgaggatggt gccttgctgg caagggtccc acaggccctt1080
taccaggact actggacgaa tcatgggata gttgactgc cttgcttag agaaccacgc1140
ggctctctaa ccttaagtag cgagctagcc gaatggcggg agcaggattg ggtcactcag1200
tcagatgcc a gtaacctta cctcaggct cctgatcgaa gacacggaag atttttccc1260
gagtcgattg cccttcgctc atactccgt ggggaggcaa gagccagacc tgacattccc1320
caccgtatcg aaggcatggg cctcgttgg gtggaatcac gtcaagacgg ggatgccgca1380
gagtggcgggt tgacaggggt aaggcctggt cctgctcgta tcgtgctaga tgatggggcc1440
gaggccatac ccctgagggt actcccggac gattgggcat tagacgatgc cacagtcgag1500
gaggtagact acgcttttt gtaccgtcat gttatggcgt attacgaact cgtgtaccg1560
ttcatgagcg acaaagtgt cagcctagcc gacaggtgca agtgcgaaac ttacgcccgc1620
cttatgtggc agatgtgtga tccgaaaac cgcaacaagt cctactacat gccctctacc1680
cgagagttgt ctgctccgaa agctcgactg ttcctcaagt acctcgctca cgtggagggc1740

caagctagac tccaagcacc tccacccgca ggaccggctc ggatagagag taaggcacia1800
ctcgacgtg aactagaaa ggctgtggat ttgaattaa gcgtgatgct tcagtacttg1860
tatgccgtt actccattcc caactatgca cagggtcagc aacgtgtcag ggacggggct1920
tggaccgccg agcaactgca acttgctgtt gggctgtgtg atagacgacg tgacggaggt1980
atcagggccg cttactaga gatagcccac gaggagatga tccactactt ggtcgtaac2040
aactgttga tggcccttg cgaaccctt tacgccggag taccgttgat gggcgaagca2100
gcacgtcaag cattcggatt ggatacagag ttcgcgttag agccttcag tgagtcaact2160
ctgcacgtt tcgtccgact tgaatggcct cactcattc ctgctccggg gaagtcaatt2220
gctgactgct acgccgctat tcggcaagcc ttcttgatt taccggacct ctttggtga2280
gaagctggta aacgcggcgg agagcaccac ctatttctca atgagctgac aaacctgca2340
catcctgggt atcagttgga ggtgttgac agggactccg ctctctcgg tattgcctt2400
gttaccgatc aaggggaagg ggtgcctta gactcacctc actatgagca ttccattc2460
cagaggctcc gtgagatgtc cgcacgcac atggccaat ctgctcatt cgaacctgcc2520
ctacctgac tccgtaacct cgtttggat ggtcaccag ggtgtcaaag ggtgccgac2580
ggaagagcca gggcactcat ggctctgtac caaggcgtt atgagcttat gttcgcaatg2640
atggccaac acttgacgt gaaaccactc ggtagtctc gaaggcacg tctatgaat2700
gcagccattg acctcatgac tgggctttg cggcctctca gctgtgcat gatgaattg2760
cctctggga ttgcaggacg aactgccgt ccaccattgc cgggccagtg tacacccgt2820
tcgtacgatg actacgcctt ggggtgtcgt atgctcgtc gccgtgcga gcggctcctg2880
gaacaggcaa gcatgttga gcctgggtg ctgccagatg cacagatgga gctgctggat2940

ttctaccgaa ggcagatgct cgatctagct tgtggaaagt tatcccgga ggcctaa2997

3-4 Secuencias

3-4-1	Identificador de la secuencia	4
3-4-2	Tipo de molécula	AA
3-4-3	Extensión	998
3-4-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..998 mol_type = protein organism = Chromobacterium violaceum

3-4-5 Residuos

MSILDFPRIH FRGWARVNAP TANRDPHGI DMASNTVAMA GEPFDLARHP TEFHRHLRSL60
GPRFGLDGRA DPEGPFSLAE GYNAAGNNHF SWESATVSHV QWDGGEADRG DGLVGARLAL120
WGHYNDYLRT TFNRARWVDS DPTRRDAAQI YAGQFTISPA GAGPGTPWLF TADIDDSHGA180
RWTRGGHIAE RGGHFLDEEF GLARLFQFSV PKDHPHFLFH GPFDFSEAWR RLQLALEDDE240
VLGLTVQYAL FNMSTPPQPN SPVFHDMVG VGLWRRGELA SYPAGRLLRP RQPGLGDLTL300
RVNGGRVALN LACAIPFSTR AAQPSAPDRL TPDLGAKLPL GDLLRDEDG ALLARVPQAL360
YQDYWTNHGI VDLPLLREPR GSLTLSSELA EWREQDWVTQ SDASNLYLEA PDRRHGRFFP420
ESIALRSYFR GEARARPDIP HRIEGMGLVG VESRQGDAA EWRLTGLRPG PARIVLDDGA480
EAIPLRVLPD DWALDDATVE EVDYAFLYRH VMAYYELVYP FMSDKVFLA DRCKCETYAR540
LMWQMCDPQN RNKSYMPST RELSAPKARL FLKYLAHVEG QARLQAPPPA GPARIESKAQ600

LAAELRKA VD LELSVMLQYL YAAYSIPNYA QGQQRVRDGA WTAEQLQLAC GSGDRRRDGG660
IRAALLEIAH EEMIHVLVN NLLMALGEPF YAGVPLMGEA ARQAFGLDTE FALEPFSEST720
LARFVRLEWP HFIPAPGKSI ADCYAAIRQA FLDLPDLFGG EAGKRGGEHH LFLNELTNRA780
HPGYQLEVPD RDSALFGIAF VTDQGEAGAL DSPHYEHSF QRLREMSARI MAQSAPFEP840
LPALRNPVLD ESPGCQRVAD GRARALMALY QGVYELMFAM MAQHFAVKPL GSLRRSRLMN900
AAIDLMTGLL RPLSCALMNL PSGIAGRTAG PPLPGPVDTR SYDDYALGCR MLARRCERLL960
EQASMLEPGW LPDAQMELLD FYRRQMLDLA CGKLSREA998

3-5 **Secuencias**

3-5-1	Identificador de la secuencia	5
3-5-2	Tipo de molécula	DNA
3-5-3	Extensión	1290
3-5-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..1290 mol_type = other DNA organism = synthetic construct

3-5-5 Residuos

atgaagcgtg caatcattgt gggaggagga cttgcagggg gcttgacagc tatctatcta60
gccaaacgcg gttatgaggt ccatgtggtt gagaaacgtg gtgaccctct acgtgacttg120
agcagttacg tggatgtcgt ttcttctaga gctatcgggtg tgtccatgac agttcgtggg180
atcaaatcag tcctcgctgc tgggattcct cgtgctgaac tcgatgcattg tgggaaccg240

atagtcgcta tggcattcag tgtgggaggg cagtatcgga tgagggagtt gaagccctta300
gaggactttc gccactgag cttgaatcga gctgccttc aaaagctgtt gaacaagtac360
gccaacttag ctggagtacg ctactacttc gagcacaaat gcctcgatgt ggatcttgat420
ggaaagtccg ttctattca gggcaaagat gggcaacctc aaaggctgca aggtgacatg480
atcatcgggtg ccgatggtgc acactctgcc gtgcgccagg ctatgcaatc cggcttgaga540
cgtttcgagt tccaacagac cttcttcgc catgggtaca agaccttgtt tctccagac600
gctcaagcac taggttacag gaaggatacg ctgtactttt tcggcatgga tagtggggga660
cttttgccg gtagagctgc aaccataccg gatgggtccg taagcattgc cgttgtctc720
ccatactcgg gctcaccttc actgactact actgacgagc ctactatgcg agccttttc780
gaccgttact ttggcgggtt acctagagac gcacgagacg aaatgcttcg tcagttcct840
gcaaaccgt ctaatgacct cattaacgtt cggcttcga cttccacta caagggtaac900
gtgctcctct tgggagatgc agcacatgcc acagcaccct tttggggca agggatgaat960
atggccttag aagacgcgag aacgttcgtt gagctcttg accgacatca aggggatcag1020
gacaaagcct tccccgagt taccgagtg aggaagggtcc aagctgacgc aatgcaagac1080
atggctaggg ccaactatga cgtgcttca tgtcgaacc ccattttct catgagggca1140
cggtagacac ggtacatgca ctctaagtt ccgggcttgt atccgcctga tatggccgag1200
aagctctact tcaccagtga accatacgat agacttcagc agatacagcg gaagcagaat1260
gtgtggtaca agattggtag ggtcaattaa1290

3-6-1	Identificador de la secuencia	6
3-6-2	Tipo de molécula	AA
3-6-3	Extensión	429
3-6-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..429 mol_type = protein organism = Chromobacterium violaceum
3-6-5	Residuos	MKRAIIVGGG LAGGLTAIYL AKRGYEVHVV EKRGDPLRDL SSYVDVVSSR AIGVSMTVRG60 IKSVLAAGIP RAELDACGEP IVAMAFSVGG QYRMRELKPL EDFRPLSLNR AAFQKLLNKY120 ANLAGVRYFF EHKCLDVDLD GKSVDLIQGD GQPQRLQGDM IIGADGAHSA VRQAMQSGLR180 RFEFQQTFFR HGKCTLVLPD AQALGYRKDT LYFFGMDSGG LFAGRAATIP DGSVSIIVCL240 PYSGSPSLTT TDEPTMRAFF DRYFGGLPRD ARDEMLRQFL AKPSNDLINV RSSTFHYKGN300 VLLLGDAAHA TAPFLGQGMN MALEDARTFV ELLDRHQGDQ DKAFPEFTEL RKVQADAMQD360 MARANYDVLS CSNPIFFMRA RYTRYMHSKF PGLYPPDMAE KLYFTSEPYD RLQQIQRKQN420 VWYKIGRVN429

3-7 **Secuencias**

3-7-1	Identificador de la secuencia	7
3-7-2	Tipo de molécula	DNA
3-7-3	Extensión	576

3-7-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..576

mol_type = other DNA

organism = synthetic construct

3-7-5 Residuos

atggagaatc gcgaaccacc gttgttgccg gctagatggc ccagtgcata cgtgtcgtac60
tggtcaccta tgctacctga cgaccaactt acctctgggt actgttggtt cgactacgaa120
cgggacatct gcaggataga cggcctgttt aaccctgga gtagcgcgga tacaggctat180
cgctctgga tgtccgaggt agggaatgct gcatctggaa ggacctggaa gcagaaggtt240
gcctatggga gagaacggac tgcatgggt gagcagcttt gtagcgctcc actggacgat300
gagacaggtc ctttgccga gctttcctt cctcgagacg tcttgcaag actcgggtgct360
cgtcacattg ggcgtagggt tgtcttaggt cgtgaagccg atggatggcg ctaccaacgt420
cctggcaaag gtcctagcac tctctacct gatgcagcct ctgggactcc gttacggatg480
gttacgggag atgaggctag cagggcatcg ttgcgagact tccaaacgt gtcagaagcc540
gagattcccg atgctgtgtt tgctgccaag agataa576

3-8 Secuencias

3-8-1 Identificador de la secuencia

8

3-8-2 Tipo de molécula

AA

3-8-3 Extensión

191

3-8-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..191

mol_type = protein

organism = Chromobacterium violaceum

3-8-5 Residuos

MENREPPLLP ARWSSAYVSY WSPMLPDDQL TSGYCWFDYE RDICRIDGLF NPWSERDTGY60
RLWMSEVGNA ASGRTWKQKV AYGRERTALG EQLCERPLDD ETGPFAELFL PRDVLRRRLGA120
RHIGRRVVLG READGWRYQR PGKGPSTLYL DAASGTPLRM VTGDEASRAS LRDFPNVSEA180
EIPDAVFAAK R191

3-9 Secuencias

3-9-1 Identificador de la secuencia

9

3-9-2 Tipo de molécula

DNA

3-9-3 Extensión

1028

3-9-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..1028

mol_type = other DNA

organism = Eustoma grandiflorum

3-9-5 Residuos

caattagttt ttttccttc ttcttttat tcgactcaat actcaattag gttaaatcca60
ttgcccatca aaaagttgtc ttgatggata aacttttcag cacttaatac taatccaaaa120
tatcatttaa gcatcacatg ccgtgacact ccagatggtt aaaaatgaac gtacttgaac180
tcaattgtaa tgatcaatta ctcttagaag tcaaaataat gtcaattaca acacaacaac240

aaccagtctt agaggctccc gcctatggcg aagtataggg agggtcggat gtacgtaact300
agggctgttc aacgaaccaa acagtttacg aactgttcga gtttggttcg tgttcggtt360
gtatttgttc gttaatggtt gataaacgat ccgaattga acagctattt gggttcgttt420
actaaaatga gccgaactat tcacgaacta ttcggctcgt ttaaacagtt aaagggttat480
caagccgaat tcgaaccaat tttaaattc gtttagctaa aagaaccgag ccaaacattt540
catttagcca aacgaatccg aattcgaaaa cgtagtttc gttctgctc tattagttaa600
cagccctata cgtaatcata ctcataagtt gtgagaaaca cacagatgtt ttttccga660
tgacccataa tgaaaattgc atcaaaactgt gccgatcaac tgttacttta ctatataaaa720
aacacggtaa gtcattttgt ttttttcat tatattcaa atacaaggaa gaatgcgtca780
agtaagactt ctaaaatttg tgtactagta gaagaagttt gttgggttta tagttgtt840
gctaagtta gttggagact ttctgattc agaccacgtg gttgtccaag atacacaaag900
gtcatgcaat aaaattatat gtccacaagg tctatatata acgtgaaaaa ttgaaacaca960
gcatagggct tgataattc attcatcaaa agtaaagatc aaagcacttc atttagcaat1020
caggaatc1028

3-10 Secuencias

3-10-1	Identificador de la secuencia	10
3-10-2	Tipo de molécula	DNA
3-10-3	Extensión	1003
3-10-4	Características Localización/Calificadores	source 1..1003

mol_type = other DNA

organism = Ipomoea nil

3-10-5 Residuos

tgtaatttt ccatcaataa atgataaggg aaaatgtcac tttttcctt taaattgcat60
ggcatgctta tagcactttt ttccttaat tatttatcta tatgattatt ttgaatgcgg120
tgtttctcca tcttctatgt taaatggctg ttgaattgt taaaatatga ttatttgaa180
agcgggtgtt ctccctcttc tatgttaa atgtcgtttga attgttaaaa ataagggcaa240
aatatgtatt tcaagttatt tctttctcc aacttatatg tagaaattag aataaatctg300
aaaaaaatag gcaacaaatt atgcacact ttggtgttg tttttttt tttttttt360
ttttttaat tctcacatat aagcaataat ttgtgggga agaaaaatga ctgaaatgc420
ttatttgcg cttatttta atcggtcaaa cgctcattta attaacatga ggggattgca480
tgtcacttc aaaataacta agataatgtg aatccatgaa taatttagga gaaaaaagt540
ccataagtat aaaatcatag acaaatatga ttaataatta ataataagaa aaaagtgta600
aattggccca taagtcttct agctcaaaaa cgctccaatg aagtactcta aattaaagca660
gtaaaatagt gcaattagtt atattattac ccattaagca ttgaagtgct gtagccatg720
ctaacatgtg gtgtttta atttattatt attattattg ttggaataat aatatatag780
atataagggt acgttgtgtt gttgggtcac caaacggggg gttgatatcg agtatgaagc840
acgcacgtgc atcgacgagc ggaccaaaca gtcatagct taactaataa cgtgtataaa900
actttagatc ttctataagg cttttcact gcagcagatt aattagatcc acaatatact960
ttaatttctt ggctagaagc ttagcttatt gatccgagga aaa1003

3-11 Secuencias

3-11-1	Identificador de la secuencia	11
3-11-2	Tipo de molécula	DNA
3-11-3	Extensión	2908
3-11-4	Características Localización/Calificadores	source 1..2908
1		mol_type = other DNA
		organism = Rosa hybrida

3-11-5 Residuos

cagcaagagt tgaagaaata gggacagagc catccatgtg cttgatgaa tctgatggga60
tacaaaatgt gaaagattca cttgctgatt tatccagaat ttctcatat agtgaggaga120
atgttgaaag atctaagat gagcactctg ttaaactaga cggaattcat gtgcagcacg180
agtgtcatga gggcagtgaa gaagacaaac ctgatggtaa gagcggtgag aatgcagttg240
atctggctaa tcatggcatg gctcgaactg attttgtca gataacagaa gagattgaga300
atggagtagt catcactgag atgagcaaca ttgccaaccc tgataaaact gatattccaa360
acggggtgcc tcaaaatgag actgatgatg gatttaataa cactcaggat gatgctaata420
caaaggaagt gacagaagag aattctgaca gacgtgcgaa ggaagtgaca gaagagaatt480
ctgacaaaga tgtttgaag aatatccttg aattctcacg tgcttctct gtggtggatt540
ttgaaattcc agtgttggat gtgaaattta ctctcttga aagttgcagt gccactgtt600
ctcttcagc cctttgtct gaatcgccgg aatcaatgac tgaagcacct tgtgtgaggc660

aaattgatga tgtgccccg gttggtgagg agtctagctt gattttggtg gaagatcggg720
agccggttgg tcctactcct gatggaatt ttctgtgga tatggattac tatagtgtag780
cagaaccttt gagcacatgg gatgcgaatc tgcagtgtga aacatcaaata agccatgaga840
ctttgctgc aagtctcatt tgaatagctt tgtgtaata actttgttag tctgtacata900
aatttgtcta gacaagaatt ggtcgtgtac tatcgtgtgt tttgccgtg cttagtact960
catgaaccaa ttcagagaaa actggtgca tatttgagg agtctctgaa ttctcaatg1020
ctcaactggt atgcatgtag gtggcatac acttcaggga ttctctatt cttaacttt1080
acgcatctg acattttgta tataacaaaa tcaggtctat tgggtgaaag taattggcta1140
gaatgaaag ctctacggtt ttaccgcagg tcaatttca tagctccaca agtgaattga1200
aaatgctcat aggcttatg ttgtctcc acctctggcg acgatgttg tgggggagt1260
aactcaaacc taccacaaa ctgaacca tctccataa ttataatac aaattgcga1320
tcattgttc atccaattat tgtgacactc ggctaccacc caaaatatcg gtcacagacc1380
caaacgtatt gtcacaaca atcgtgtctc tcgcattaaa cacagctaga aagaagagt1440
gaaccacaa ttcgagcacc cactacctat gtacgaagtc atgagttcga gtcaccatag1500
gggtagaagt gaaatcatt gatcatctt aaagaaataa aaggaagagt tgaaccaca1560
attggctctt gtccaaaaa gaactaatag ttcagtgcac cgacgtgtat ttgcaccgac1620
ataaatggat tgtagatta tattaatac actcttaggt tattaataa aatattaatt1680
ataaatatca aaagtgaga tcatctata aatgtgggt cagttacacc gtcggtgcat1740
agaataatt ccaactata taatagcctt cattttctga tttagctcat gggacatgat1800
tgctataaat aattgtactc gtagaggcat acttgtgtct ttataacag ttgtactgaa1860

gctcagaaaa gtttatgaag gtgagaactg agaagggcaa ggcatttggg agttgaggta1920
tatgagagca tgaaccccat gcattgcagc taccacctct ctttttcct tcttccata1980
caaataaaac caactctct cacctaagtc tatcatcttt atttatggca gctcttgctt2040
aattagctca tctatattat attattatc tataatatgt gtcactctgt tacctaccag2100
cccaaaataa aactgataat agtcaatttg atgatatttt ttgtttttg tttgttttg2160
tctttttgt attgatttt ttaaaattaa aatgacttca tttttgtt ttgttttt2220
ttctatttt tttatagaa aaattggcaa actttcatta tctgtattg atgacaatta2280
agccattaaa acctataatt aattatctt caattcgagt aaatttaaaa cgggtgaaaa2340
ttaaataatg atcgtattct taaatgaata aaactcactt aataatagta atacttgaat2400
cacatctacg aacatagatt ctttcatcc agtctaacca tgttgaata tatagagtt2460
gattatggtt atgtctttgt ccacatttg gtttgtaaat aaatgtgcaa cggagggtatg2520
gtactgttg tctatcaaat tcaagttga attaaaagaa aaaaaaaaag acgatattt2580
gtgcgcttg ttggtaggt aaaacgagag aacaaacgca ttccaaatca tgcggattt2640
gatcggcaac acacaccaca aaaaaccgta cacgatgcac gtgccatttg ccgggggtt2700
ctaacaaggt aattgggcag gcacgtgat cccagctac ccacctctg cttccctt2760
caaactcctt ttcatgtat atatacaacc ctttttca gaccattata tttaacatt2820
ttgctttgc tattgtaacg caacaaaaac tgctcattcc atcctgttc ctccccatt2880
tgatcttctc tcgacccttc tccgagat2908

3-12-1	Identificador de la secuencia	12
3-12-2	Tipo de molécula	DNA
3-12-3	Extensión	58
3-12-4	Características Localización/Calificadores	source 1..58
1		mol_type = other DNA
		organism = Arabidopsis thaliana
3-12-5	Residuos	
	tacatcaciaa tcacacaaaa ctaacaaaag atcaaaagca agttcttcac tgttgata58	