

Lista de secuencias

1	Información sobre la lista de secuencias	
1-1	Nombre del fichero	724133-listing.xml
1-2	Versión de la DTD	V1_3
1-3	Nombre del software	WIPO Sequence
1-4	Versión del software	2.3.0
1-5	Fecha de producción	2024-11-11
1-6	Código de idioma de texto libre original	zh
1-7	Código de idioma de texto libre diferente del inglés	zh

2	Información general	
2-1	Solicitud actual: Oficina de PI	WO
2-2	Solicitud actual: Número de solicitud	
2-3	Solicitud actual: Fecha de presentación	
2-4	Solicitud actual: Referencia al expediente del solicitante	724133
2-5	Solicitud de prioridad más antigua: Oficina de PI	CN
2-6	Solicitud de prioridad más antigua: Número de solicitud	2023115182478

2-7	Solicitud de prioridad más antigua: Fecha de presentación	2023-11-15
2-8	Nombre del solicitante: Nombre en caracteres latinos	SHANGHAI SHENGDI PHARMACEUTICAL CO., LTD.
2-8zh	Nombre del solicitante	上海盛迪医药有限公司
2-9	Nombre del inventor: Nombre en caracteres latinos	HU, Yali
2-9zh	Nombre del inventor	胡雅丽
2-10zh	Título de la invención	PROTEÍNAS DE UNIÓN A TRGV9, Y SU USO MÉDICO
2-11	Número total de secuencias	73

3-1	Secuencias	
3-1-1	Identificador de la secuencia	1
3-1-2	Tipo de molécula	AA
3-1-3	Extensión	298
3-1-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..298 mol_type = protein note = null note(zh) = 重组人 γ 9 链 organism = synthetic construct

Residuos

AGHLEQPQIS STKTLSKTAR LECVVSGITI SATSVYWYRE RPGEVIQFLV SISYDGTVRK60

ESGIPSGKFE VDRIPETSTS TLTIHNVEKQ DIATYYCALW EAQQELGKKI KVFGPGTKLI120

ITDKQLDADV SPKPTIFLPS IAETKLQKAG TYLCLLEKFF PDVIKHWEE KKSNTILGSC180

EGNTMKTNDT YMKFSWLTVP EKSLDKEHRC IVRHENNKNG VDQEIIFPPI KTDVITMDPK240

DNGSGLEVLFGPGSGAQLKELQALEKENAQLEWELQALEKLAQKSGDYKDDDDK298

Secuencias

Identificador de la secuencia

2

Tipo de molécula

AA

Extensión

285

Características Localización/Calificadores

source 1..285

```
mol_type = protein
```

```
note = null
```

note(zh) = 重组人 $\delta 2$ 链

organism = synthetic construct

Residuos

AIELVPEHQT VPVSIGVPAT LRCSMKGEAI GNYIINWYRK TQGNTMTFIY REKDIYGPGF60

KDNFQGDIDI AKNLAVLKIL APSEERDEGSY YCACDTLGMG GEYTDKLIFG KGTRVTVEPR120
SQPHTKPSVF VMKNGTNVAC LVKEFYPKDI RINLVSSKKI TEFDPAICIS PSGKYNAVKL180
GKYEDSNSVT CSVQHDNKT V HSTDFEVKTD STDHVKPKET ENTKQPSKSG SGLEVLFGQP240
GSGAQLKKKL QALKKKNAQL KWKQLALKKK LAQKSGSGHH HHHHH285

3-3	Secuencias	
3-3-1	Identificador de la secuencia	3
3-3-2	Tipo de molécula	AA
3-3-3	Extensión	297
3-3-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..297 mol_type = protein note = null note(zh) = 重组猴 γ 9 链 organism = synthetic construct
3-3-5	Residuos	
		AGHLEQPQIS STKMLSKTAR LECVVSGVTI SETSIYWYRE RPGEVIQFLV CIFYDGTVKK60 ESSIPSGKFE VDRIPKTSTS TLTIHNVEKQ DIATYYCALW EVQQFGRKVK LFGPGTKLII120 TDKHLADAVS PKPTIFLPSI AETNLHKAGT YLCLENFFP DVIKHWQEK KSNTILGSCE180

GNTVKTNDTY MKFSWLTVP E KSLDKEHRCI VRHENNKNGV DQEIFPPIK TDVTTMDPKD240

NGSGLEVL FQ GPGSGA QLEK ELQALEKENA QLEWELQALE KELA QKGS GD YKDDDDK297

3-4 Secuencias

3-4-1 Identificador de la secuencia

4

3-4-2 Tipo de molécula

AA

3-4-3 Extensión

285

3-4-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..285

mol_type = protein

note = null

note(zh) = 重组猴 δ2 链

organism = synthetic construct

3-4-5 Residuos

AVELVPEHQT VIVSVGDPAT LKCSMKGEAI SNYYINWYRK TQGNTMTFIY REKGIYGP GF60

KDNFQGDIDT EENQAVLKIL APSE RDEGSY YCASDILSWV DSYTDKLIFG KGTRVTVEPK120

RQPHTKPSVF VMKNGTNVAC LVKDFY GKDI RINLESSKKI TEFDPAICVS PSGKYNAVKL180

GQYADSNSVT CSVQHNKEVV YSTDFEVKTN STDHLKPTET ENTKQPSKSG SGLEVL FQGP240

GSGAQLKKKL QALKKKNAQL KWKLQALKKK LAQKGS GHHH HHHHH285

3-5	Secuencias	
3-5-1	Identificador de la secuencia	5
3-5-2	Tipo de molécula	AA
3-5-3	Extensión	125
3-5-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..125 mol_type = protein note = SDP01346 VH organism = synthetic construct
3-5-5	Residuos	
	QVQLVESGGG LVQAGGSLRL SCTVSGSTFS DFAMGWLRQA PGKEREFVAA ISWTGGRTYY60	
	ADSVKGRFAI SRDNGENTVY LQMNSLKSED TAIYYCAASR DCSGPGCRVH EYDYWGQGTQ120	
	VTVSS125	

3-6	Secuencias	
3-6-1	Identificador de la secuencia	6
3-6-2	Tipo de molécula	AA
3-6-3	Extensión	5

3-6-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..5 mol_type = protein note = CDR organism = synthetic construct
3-6-5	Residuos DFAMG5	
3-7	Secuencias	
3-7-1	Identificador de la secuencia	7
3-7-2	Tipo de molécula	AA
3-7-3	Extensión	17
3-7-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..17 mol_type = protein note = CDR organism = synthetic construct
3-7-5	Residuos AISWTGGRTY YADSVKG17	

3-8	Secuencias	
3-8-1	Identificador de la secuencia	8
3-8-2	Tipo de molécula	AA
3-8-3	Extensión	16
3-8-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..16 mol_type = protein note = CDR organism = synthetic construct
3-8-5	Residuos	
	SRDCSGPGCR VHEYDY16	

3-9	Secuencias	
3-9-1	Identificador de la secuencia	9
3-9-2	Tipo de molécula	AA
3-9-3	Extensión	116
3-9-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..116 mol_type = protein note = SDP01315 VH

organism = synthetic construct

3-9-5 Residuos

EVKLVESGGG LVKPGGSLKL SCAASGFTFS SYAMSWVRQT PEKRLEWVAS ISSGGSTYYP60

DSVKGRFTIS RDNARNILYL QMSSLRSEDY AMYYCARDGY PPFDYWGQGT TLTVSS116

3-10 Secuencias

3-10-1 Identificador de la secuencia

10

3-10-2 Tipo de molécula

AA

3-10-3 Extensión

107

3-10-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..107

mol_type = protein

note = SDP01315 VL

organism = synthetic construct

3-10-5 Residuos

DIVMTQSQKF MSTSVGDRVS VTCKASQNVG TNVAWYQQKP GQSPKALIYS ASYRYSGLVPD60

RFTGSGSGTD FTLTISNVQS EDLAIEYFCQQ YNSFPLTFGS GTKLEIK107

3-11 Secuencias

3-11-1	Identificador de la secuencia	11
3-11-2	Tipo de molécula	AA
3-11-3	Extensión	5
3-11-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..5 mol_type = protein note = HCDR1 organism = synthetic construct
3-11-5	Residuos SYAMS5	
3-12	Secuencias	
3-12-1	Identificador de la secuencia	12
3-12-2	Tipo de molécula	AA
3-12-3	Extensión	16
3-12-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..16 mol_type = protein note = HCDR2 organism = synthetic construct

3-12-5 Residuos

 SSSGGSTYY PDSVKG16

3-13 Secuencias

3-13-1	Identificador de la secuencia	13
--------	-------------------------------	----

3-13-2	Tipo de molécula	AA
--------	------------------	----

3-13-3	Extensión	8
--------	-----------	---

3-13-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..8 mol_type = protein note = HCDR3 organism = synthetic construct
----------	--	---

3-13-5 Residuos
DGYPFFDY8

3-14 Secuencias

3-14-1	Identificador de la secuencia	14
--------	-------------------------------	----

3-14-2	Tipo de molécula	AA
--------	------------------	----

3-14-3	Extensión	11
--------	-----------	----

3-14-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..11

mol_type = protein

note = LCDR1

organism = synthetic construct

3-14-5 Residuos

KASQNVGTNV A11

3-15 Secuencias

3-15-1 Identificador de la secuencia

15

3-15-2 Tipo de molécula

AA

3-15-3 Extensión

7

3-15-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..7

mol_type = protein

note = LCDR2

organism = synthetic construct

3-15-5 Residuos

SASYRYS7

3-16	Secuencias	
3-16-1	Identificador de la secuencia	16
3-16-2	Tipo de molécula	AA
3-16-3	Extensión	9
3-16-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..9 mol_type = protein note = LCDR3 organism = synthetic construct
3-16-5	Residuos QQYNSFPLT9	
3-17	Secuencias	
3-17-1	Identificador de la secuencia	17
3-17-2	Tipo de molécula	AA
3-17-3	Extensión	136
3-17-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..136 mol_type = protein note = SDP01346

organism = synthetic construct

3-17-5 Residuos

QVQLVESGGG LVQAGGSLRL SCTVSGSTFS DFAMGWLRLQA PGKEREFVAA ISWTGGRTYY60
ADSVKGRFAI SRDNGENTVY LQMNSLKSED TAIYYCAASR DCSGPGCRVH EYDYWGQGTQ120
VTVSSGGGGS HHHHHH136

3-18 Secuencias

3-18-1 Identificador de la secuencia

18

3-18-2 Tipo de molécula

AA

3-18-3 Extensión

446

3-18-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..446

mol_type = protein

note = SDP01315 HC

organism = synthetic construct

3-18-5 Residuos

EVKLVESGGG LVKPGGSLKL SCAASGFTFS SYAMSWVRQT PEKRLEWVAS ISSGGSTYYP60
DSVKGRFTIS RDNARNILYL QMSSLRSEDY AMYYCARDGY PPFDYWGQGT TLTVSSASTK120
GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS180

LSSVVTVPSS SLGTQTYICN VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KTHTCPPCPA PEFEGGPSVF240
 LFPPKPKDTL MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR300
 VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNNALPAP IEKTISKAKG QPREPQVYTL PPSREEMTKN360
 QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNGQPENNY KTTTPVLDSG GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN420
 VFSCSVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK446

3-19	Secuencias	
3-19-1	Identificador de la secuencia	19
3-19-2	Tipo de molécula	AA
3-19-3	Extensión	214
3-19-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..214 mol_type = protein note = SDP01315 LC organism = synthetic construct
3-19-5	Residuos	
		DIVMTQSQKF MSTSVGDRVS VTCKASQNVG TNVAWYQQKP GQSPKALIYS ASYRYSQVDP60 RFTGSGSGTD FTLTISNVQS EDLAEYFCQQ YNSFPLTFGS GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP120 SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT180

LSKADYEKHK VYACEVTHQG LSSPVTKSFN RGEC214

3-20	Secuencias	
3-20-1	Identificador de la secuencia	20
3-20-2	Tipo de molécula	AA
3-20-3	Extensión	285
3-20-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..285 mol_type = protein note = null note(zh) = 重组人 δ 1 链 organism = synthetic construct
3-20-5	Residuos	
	AQKVTQAQSS VSMPVRKAVT LNCLYETSWW SYIIFWYKQL PSKEMIFLIR QGSDEQNAKS60	
	GRYSVNFKKA AKSVALTISA LQLEDSAKYF CALGVRAFLR DWGIRVLIFG KGTRVTVEPR120	
	SQPHTKPSVF VMKNGTNVAC LVKEFYPKDI RINLVSSKKI TEFDPAICIS PSGKYNAVKL180	
	GKYEDSNSVT CSVQHDNKT V HSTDFEVKTD STDHVKPKET ENTKQPSKSG SGLEVLFGQP240	
	GSGAQLKKKL QALKKKNAQL KWKLQALKKK LAQKGS GHHH HHHHH285	

3-21	Secuencias	
3-21-1	Identificador de la secuencia	21
3-21-2	Tipo de molécula	AA
3-21-3	Extensión	313
3-21-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..313 mol_type = protein note = null note(zh) = 重组人 γ 8 链 organism = synthetic construct
3-21-5	Residuos	ADLSSNLEGR TKSVTRPTGS SAVITCDLPV ENAVYTHWYL HQEGKAPQRL LYYDSYNSRV60 VLESGISREK YHTYASTGKS LKFILENLIE RDSGVYYCAT WASSDWIKTF AKGTRLIVTS120 PDKQLDADVS PKPTIFLPSI AETKLQKAGT YLCLLEKFFP DIIKIHWQEK KSNTILGSCE180 GNTMKTNDTY MKFSWLTVPE ESLDKEHRCI VRHENNKNGI DQEIIFPIK TDVTTVDPKY240 NYSKDANDVI TMDPKDNGSG LEVLFQGP GS GAQLEKELQA LEKENAQLEW ELQALEKELA300 QKGSGDYKDD DDK313

3-22 Secuencias

3-22-1	Identificador de la secuencia	22
3-22-2	Tipo de molécula	AA
3-22-3	Extensión	308
3-22-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..308 mol_type = protein note = null note(zh) = 重组人 V γ 9C β 链 organism = synthetic construct
3-22-5	Residuos	
	AGHLEQPQIS STKTLSTAR LECVVSGITI SATSVYWYRE RPGEVIQFLV SISYDGTVRK60	
	ESGIPSGKFE VDRIPETSTS TLTIHNVEKQ DIATYYCALW EVHELGKKIK VFGPGTKLII120	
	TEDLKNVFPP EVAVFEPSEA EISHTQKATL VCLATGFYPD HVELSWWWNG KEVHSGVCTD180	
	PQPLKEQPAL NDSRYSLSSR LRVSATFWQN PRNHFRCQVQ FYGLSENDEW TQDRAKPVTQ240	
	IVSAEAWGRA DSGSGLEVLF QGPGSGAQLK KELQALEKEN AQLEWELQAL EKELAQKSGSG300	
	DYKDDDDK308	

3-23 Secuencias

3-23-1	Identificador de la secuencia	23
--------	-------------------------------	----

3-23-2	Tipo de molécula	AA
3-23-3	Extensión	271
3-23-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..271 mol_type = protein note = null note(zh) = 重组人 Vδ2Cα 链 organism = synthetic construct
3-23-5	Residuos	
	AIELVPEHQT VPVSIGVPAT LRCSMKGEAI GNYINWYRK TQGNTMTFIY REKDIYGPGE60	
	KDNFQGDIDI AKNLAVLKIL APSEDEGSY YCACDPVQVT GGYKVDKLIF GKGTRVTVEP120	
	NIQNPDPVY QLRDSKSSDK SVCLFTDFDS QTNVSQSKDS DVYITDKCVL DMRSMDFKSN180	
	SAVAWSNKSD FACANAFNNS IIPEDTFFPS PESSSGSGLE VLFQGP GSGA QLKKKLQALK240	
	KKNAQLKWKL QALKKKLAQK GSGHHHHHHH H271	
3-24	Secuencias	
3-24-1	Identificador de la secuencia	24
3-24-2	Tipo de molécula	AA
3-24-3	Extensión	286

3-24-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..286 mol_type = protein note = null note(zh) = 重组人 Vβ7Cγ 链 organism = synthetic construct
----------	--	--

3-24-5	Residuos
	GVSQTPSNKV TEKGYVELR CDPISGHTAL YWYRQSLGQG PEFLIYFQGT GAADDSGLPN60 DRFFAVRPEG SVSTLKIQRT ERGDSAVYLC ATSALGDTQY FGPGTRLTVL DKQLDADVSP120 KPTIFLPSIA ETKLQKAGTY LCLLEKFFPD VIKIHWEEKK SNTILGSCEG NTMKTNDTYM180 KFSWLTVPEK SLDKEHRCIV RHENNKNGVD QEIIFPIKT DVITMDPKDN GSGLEVLFGG240 PGSGAQLEKE LQALEKENAQ LEWELQALEK ELAQKSGSDY KDDDDK286

3-25	Secuencias	
3-25-1	Identificador de la secuencia	25
3-25-2	Tipo de molécula	AA
3-25-3	Extensión	276
3-25-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..276 mol_type = protein

note = null
note(zh) = 重组人 V α 13C δ 链
organism = synthetic construct

3-25-5 Residuos

ENVEQHPSTL SVQEGDSAVI KCTYSDSASN YFPWYKQELG KRPQLIIDIR SNVGEKKDQR60

IAVTLNKTAK HFSLHITETQ PEDSAVYFCA ASSFGNEKLT FGTGTRLTII PSQPHTKPSV120

FVMKNGTNVA CLVKEFYPKD IRINLVSSKK ITEFDPAICI SPSGKYNAVK LGKYEDSNSV180

TCSVQHDNKT VHSTDFEVKT DSTDHVKPKE TENTKQPSKS GSGLEVLFGQ PGSGAQLKKK240

LQALKKKNAQ LKWKLQALKK KLAQKSGSHH HHHHHH276

3-26	Secuencias	
3-26-1	Identificador de la secuencia	26
3-26-2	Tipo de molécula	AA
3-26-3	Extensión	125
3-26-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..125 mol_type = protein note = SDP01346 VH1 organism = synthetic construct

3-26-5 Residuos

EVQLVESGGG VVQPGGSLRL SCAASGSTFS DFAMGWLRQA PGKGREFVAA ISWTGGRTYY60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTVY LQMNSLRAED TAVYYCAASR DCSGPGCRVH EYDYWGQGTLL120

VTVSS125

3-27 Secuencias

3-27-1	Identificador de la secuencia	27
3-27-2	Tipo de molécula	AA
3-27-3	Extensión	125
3-27-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..125 mol_type = protein note = SDP01346 VH2 organism = synthetic construct

3-27-5 Residuos

EVQLVESGGG VVQPGGSLRL SCAVSGSTFS DFAMGWLRQA PGKEREFVAA ISWTGGRTYY60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTVY LQMNSLRAED TAVYYCAASR DCSGPGCRVH EYDYWGQGTLL120

VTVSS125

3-28	Secuencias	
3-28-1	Identificador de la secuencia	28
3-28-2	Tipo de molécula	AA
3-28-3	Extensión	125
3-28-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..125 mol_type = protein note = SDP01346 VH3 organism = synthetic construct
3-28-5	Residuos	EVQLVESGGG VVQPGGSLRL SCAVSGSTFS DFAMGWLRQA PGKEREFVAA ISWTGGRTYY60 ADSVKGRFTI SRDNGKNTVY LQMNSLKSED TAVYYCAASR DCSGPGCRVH EYDYWGQGTLL120 VTVSS125
3-29	Secuencias	
3-29-1	Identificador de la secuencia	29
3-29-2	Tipo de molécula	AA
3-29-3	Extensión	125
3-29-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..125

mol_type = protein
note = SDP01346 VH4
organism = synthetic construct

3-29-5 Residuos

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCSVSGSTFS DFAMGWL RQA PGKERE FVAA ISWTGGRTYY60
ADSVKGRFTI SRDNSKNTVY LQMNSLRAED TAVYYCAASR DCSGPGCRVH EYDYWGQGT L120
VTVSS125

3-30 Secuencias

3-30-1 Identificador de la secuencia

30

3-30-2 Tipo de molécula

AA

3-30-3 Extensión

116

3-30-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..116

mol_type = protein

note = SDP01315 VH1

organism = synthetic construct

3-30-5 Residuos

EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKRLEWVSS ISSGGSTYYP60

DSVKGRFTIS RDNAKNSLYL QMNSLRAEDT AVYYCARDGY PPFDYWGQGT TVTVSS116

3-31 Secuencias

3-31-1 Identificador de la secuencia 31

3-31-2 Tipo de molécula AA

3-31-3 Extensión 116

3-31-4-1 Características Localización/Calificadores source 1..116
mol_type = protein
note = SDP01315 VH2
organism = synthetic construct

3-31-5 Residuos

EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKRLEWVAS ISSGGSTYYP60

DSVKGRFTIS RDNAKNSLYL QMNSLRAEDT AVYYCARDGY PPFDYWGQGT TVTVSS116

3-32 Secuencias

3-32-1 Identificador de la secuencia 32

3-32-2 Tipo de molécula AA

3-32-3 Extensión 116

3-32-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..116 mol_type = protein note = SDP01315 VH3 organism = synthetic construct
----------	--	--

3-32-5	Residuos
	EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKRLEWVAS ISSGGSTYYP60
	DSVKGRFTIS RDNAKNTLYL QMNSLRAEDT AVYYCARDGY PPFDYWGQGT LVTVSS116

3-33	Secuencias
------	------------

3-33-1	Identificador de la secuencia	33
--------	-------------------------------	----

3-33-2	Tipo de molécula	AA
--------	------------------	----

3-33-3	Extensión	107
--------	-----------	-----

3-33-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..107 mol_type = protein note = SDP01315 VL1 organism = synthetic construct
----------	--	--

3-33-5	Residuos
	DIQMTQSPSS VSASVGDRVT ITCKASQNVG TNVAWYQQKPK GKAPKLLIYS ASYRYSQGVPS60

RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YNSFPLTFGQ GTKLEIK107

3-34 Secuencias

3-34-1 Identificador de la secuencia 34

3-34-2 Tipo de molécula AA

3-34-3 Extensión 107

3-34-4-1 Características Localización/Calificadores source 1..107
mol_type = protein
note = SDP01315 VL2
organism = synthetic construct

3-34-5 Residuos

DIQMTQSPSS VSASVGDRVT ITCKASQNVG TNVAWYQQKPK GKAPKALIYS ASYRYSQVPS60

RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YNSFPLTFGQ GTKLEIK107

3-35 Secuencias

3-35-1 Identificador de la secuencia 35

3-35-2 Tipo de molécula AA

3-35-3 Extensión 107

3-35-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..107 mol_type = protein note = SDP01315 VL3 organism = synthetic construct
3-35-5	Residuos DIQMTQSPSS VSASVGDRVT VTCKASQNVG TNVAWYQQKP GKSPKALIYS ASYRYSKVPS60 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYFCQQ YNSFPLTFGQ GTKLEIK107	
3-36	Secuencias	
3-36-1	Identificador de la secuencia	36
3-36-2	Tipo de molécula	AA
3-36-3	Extensión	136
3-36-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..136 mol_type = protein note = SDP01378 organism = synthetic construct
3-36-5	Residuos EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCSVSGSTFS DFAMGWLRLA PGKEREFVAA ISWTGGRTYY60	

ADSVKGRFTI SRDNSKNTVY LQMNSLRAED TAVYYCAASR DCSGPGCRVH EYDYWGQGT¹²⁰

VTVSSGGGGS HHHHHH¹³⁶

3-37 Secuencias

3-37-1 Identificador de la secuencia 37

3-37-2 Tipo de molécula AA

3-37-3 Extensión 446

3-37-4-1 Características Localización/Calificadores source 1..446
mol_type = protein
note = SDP01369 HC
organism = synthetic construct

3-37-5 Residuos

EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKRLEWVAS ISSGGSTYYP⁶⁰

DSVKGRFTIS RDNAKNSLYL QMNSLRAEDT AVYYCARDGY PPFDYWGQGT TVTVSSASTK¹²⁰

GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS¹⁸⁰

LSSVVTVPSS SLGTQTYICN VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KTHTCPPCPA PEFEGGPSVF²⁴⁰

LFPPKPKDTL MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR³⁰⁰

VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNAKALPAP IEKTISKAKG QPREPQVYTL PPSREEMTKN³⁶⁰

QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQQPENNY KTTTPVLDSG GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN420

VFSCSVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK446

3-38 Secuencias

3-38-1 Identificador de la secuencia 38

3-38-2 Tipo de molécula AA

3-38-3 Extensión 214

3-38-4-1 Características Localización/Calificadores source 1..214

mol_type = protein

note = SDP01369 LC

organism = synthetic construct

3-38-5 Residuos

DIQMTQSPSS VSASVGDRVT ITCKASQNVG TNVAWYQQKPK GKAPKALIYS ASYRYSQVPS60

RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YNSFPLTFGQ GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP120

SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT180

LSKADYEKHK VYACEVTHQG LSSPVTKSFN RGECC214

3-39 Secuencias

3-39-1	Identificador de la secuencia	39
3-39-2	Tipo de molécula	AA
3-39-3	Extensión	115
3-39-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..115 mol_type = protein note = GPC3 VH organism = synthetic construct
3-39-5	Residuos	
	QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT DYEMHWVRQA PGQGLEWMGA LDPKTGDTAY60	
	SQKFKGRVTL TADKSTSTAY MELSSLTSED TAVYYCTRFY SYTYWGQGTL VTVSS115	
3-40	Secuencias	
3-40-1	Identificador de la secuencia	40
3-40-2	Tipo de molécula	AA
3-40-3	Extensión	112
3-40-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..112 mol_type = protein note = GPC3 VL

organism = synthetic construct

3-40-5 Residuos
DVVMTQSPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQSLV HSNRNTYLHW YLQKPGQSPQ LLIYKVSNRF60
SGVPDRFSGS GSGDFTLKI SRVEAEDVGV YYCSQNTHVP PTFGQGTKLE IK112

3-41 Secuencias

3-41-1 Identificador de la secuencia 41

3-41-2 Tipo de molécula AA

3-41-3 Extensión 5

3-41-4-1 Características Localización/Calificadores source 1..5
mol_type = protein
note = HCDR1
organism = synthetic construct

3-41-5 Residuos
DYEMH5

3-42 Secuencias

3-42-1 Identificador de la secuencia 42

3-42-2	Tipo de molécula	AA
3-42-3	Extensión	17
3-42-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..17 mol_type = protein note = HCDR2 organism = synthetic construct
3-42-5	Residuos ALDPKTGDTA YSQKFKG17	
3-43	Secuencias	
3-43-1	Identificador de la secuencia	43
3-43-2	Tipo de molécula	AA
3-43-3	Extensión	6
3-43-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..6 mol_type = protein note = HCDR3 organism = synthetic construct
3-43-5	Residuos	

FYSYTY6

3-44 Secuencias

3-44-1 Identificador de la secuencia

44

3-44-2 Tipo de molécula

AA

3-44-3 Extensión

16

3-44-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..16

mol_type = protein

note = LCDR1

organism = synthetic construct

3-44-5 Residuos

RSSQSLVHSN RNTYLH16

3-45 Secuencias

3-45-1 Identificador de la secuencia

45

3-45-2 Tipo de molécula

AA

3-45-3 Extensión

7

3-45-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..7

			mol_type = protein
			note = LCDR2
			organism = synthetic construct
3-45-5	Residuos		
	KVSNRFS7		
3-46	Secuencias		
3-46-1	Identificador de la secuencia	46	
3-46-2	Tipo de molécula	AA	
3-46-3	Extensión	9	
3-46-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..9	
		mol_type = protein	
		note = LCDR3	
		organism = synthetic construct	
3-46-5	Residuos		
	SQNTHPPT9		
3-47	Secuencias		

3-47-1	Identificador de la secuencia	47
3-47-2	Tipo de molécula	AA
3-47-3	Extensión	97
3-47-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..97 mol_type = protein note = Obscurin-O organism = synthetic construct
3-47-5	Residuos	
	SGAPRFLTRP KASVSVSGKD ATLSCQIVGN PFPQVSWEKD KQPVTAGVRF RLAQDGDLYR60	
	LKILDLQLSD SGQYVCRARN AHGEAFACLG LQVDAEA97	
3-48	Secuencias	
3-48-1	Identificador de la secuencia	48
3-48-2	Tipo de molécula	AA
3-48-3	Extensión	98
3-48-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..98 mol_type = protein note = Titin-T

organism = synthetic construct

3-48-5 Residuos

GIPPKIECLP IDISIDEGKV LTVASAFTGE PTPEVTWSTG GRKIHSQEQG RFHIENTDDS60

TTLTIKDVQK QDGGLYTLTL RNEFGSDSAT VNIHIRSI98

3-49 Secuencias

3-49-1 Identificador de la secuencia 49

3-49-2 Tipo de molécula AA

3-49-3 Extensión 103

3-49-4-1 Características Localización/Calificadores source 1..103
mol_type = protein
note = CH1
organism = synthetic construct

3-49-5 Residuos

ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS60

GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSC103

3-50 Secuencias

3-50-1	Identificador de la secuencia	50
3-50-2	Tipo de molécula	AA
3-50-3	Extensión	107
3-50-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..107 mol_type = protein note = Ck organism = synthetic construct
3-50-5	Residuos	
	RTVAAPSVFI FPPSDEQLKS GTASVVCLLN NFYPREAKVQ WKVDNALQSG NSQESVTEQD60	
	SKDSTYSLSS TLTLKADYE KHKVYACEVT HQGLSPVTK SFNRGEC107	

3-51	Secuencias	
3-51-1	Identificador de la secuencia	51
3-51-2	Tipo de molécula	AA
3-51-3	Extensión	227
3-51-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..227 mol_type = protein note = IgG1 Fc

organism = synthetic construct

3-51-5 Residuos

DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD60
GVEVHNAKTK PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK120
GQPREPQVYT LPPSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTPPVLDS180
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGK227

3-52 Secuencias

3-52-1 Identificador de la secuencia

52

3-52-2 Tipo de molécula

AA

3-52-3 Extensión

227

3-52-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..227

mol_type = protein

note = IgG1 Fc1

organism = synthetic construct

3-52-5 Residuos

DKTHTCPPCP APEFEGGPSV FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD60
GVEVHNAKTK PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK120

GQPREPQVYT LPPCREEMTK NQVSLWCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTPPVLDS180

DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGK227

3-53 Secuencias

3-53-1 Identificador de la secuencia 53

3-53-2 Tipo de molécula AA

3-53-3 Extensión 227

3-53-4-1 Características Localización/Calificadores source 1..227
mol_type = protein
note = IgG1 Fc2
organism = synthetic construct

3-53-5 Residuos

DKTHTCPPCP APEFEGGPSV FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD60

GVEVHNAKTK PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK120

GQPREPQVCT LPPSREEMTK NQVSLSCAVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTPPVLDS180

DGSFFLVSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGK227

3-54 Secuencias

3-54-1	Identificador de la secuencia	54
3-54-2	Tipo de molécula	AA
3-54-3	Extensión	356
3-54-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..356 mol_type = protein note = SDP01716 H1 organism = synthetic construct
3-54-5	Residuos	EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCSVSGSTFS DFAMGWLRLQA PGKEREVAA ISWTGGRTYY60 ADSVKGRFTI SRDNSKNTVY LQMNSLRAED TAVYYCAASR DCSGPGCRVH EYDYWGQGT120 VTVSSAAASD KTHTCPPCPA PEFEGGPSVF LFPPKPKDTL MISRTPEVTC VVVDVSHEDP180 EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNAKALPAP240 IEKTISKAKG QPREPQVYTL PPCREEMTKN QVSLWCLVKG FYPSDIAVEW ESNGQPENNY300 KTTTPVLDSD GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK356
3-55	Secuencias	
3-55-1	Identificador de la secuencia	55
3-55-2	Tipo de molécula	AA

3-55-3	Extensión	411
3-55-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..411 mol_type = protein note = SDP01716 H2 organism = synthetic construct
3-55-5	Residuos	
	QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT DYEMHWVRQA PGQGLEWMGA LDPKTGDTAY60 SQKFKGRTVL TADKSTSTAY MELSSLTSED TAVYYCTRFY SYTYWGQGT L VTVSSASTKG120 PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL180 SSVVTVPSSS LGTQTYICNV NHKPSNTKVD KKVEPKSCDK THTCPPCPAP EFEGGPSVFL240 FPPKPKDTLM ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV300 VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVCTLP PSREEMTKNQ360 VSLSCAVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG SFFLVSKLTV D411	
3-56	Secuencias	
3-56-1	Identificador de la secuencia	56
3-56-2	Tipo de molécula	AA
3-56-3	Extensión	219

3-56-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..219 mol_type = protein note = SDP01716 L organism = synthetic construct
----------	--	--

3-56-5	Residuos
	DVVMTQSPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQSLV HSNRNTYLHW YLQKPGQSPQ LLIYKVSNRF60 SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCSQNTHVP PTFGQGTKLE IKRTVAAPSV120 FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSTYSL180 SSTLTLSKAD YEKHKVYACE VTHQGLSSPV TKSFNRGEC219

3-57	Secuencias	
3-57-1	Identificador de la secuencia	57
3-57-2	Tipo de molécula	AA
3-57-3	Extensión	445
3-57-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..445 mol_type = protein note = SDP01696 H1 organism = synthetic construct

3-57-5 Residuos

EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKRLEWVAS ISSGGSTYYP60
DSVKGRFTIS RDNAKNSLYL QMNSLRAEDT AVYYCARDGY PPFDYWGQGT TVTVSSGGGG120
SSGAPRFLTR PKASVSVGK DATLSCQIVG NPFQVSWEK DKQPVTAGVR FRLAQDGDLY180
RLKILDQLS DSGQYVCRAR NAHGEAFACL GLQVDAEADK THTCPAP EFEGGPSVFL240
FPPKPKDTLM ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV300
VSVLTVLHQD WLNKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTL PCREMTKNQ360
VSLWCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPVLDSDG SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV420
FSCVMHEAL HNHYTQKSLS LSPGK445

3-58 Secuencias

3-58-1	Identificador de la secuencia	58
3-58-2	Tipo de molécula	AA
3-58-3	Extensión	210
3-58-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..210 mol_type = protein note = SDP01696 L1 organism = synthetic construct

3-58-5 Residuos

DIQMTQSPSS VSASVGDRVT ITCKASQNVG TNVAWYQQKP GKAPKALIYS ASYRYSGVPS60

RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YNSFPLTFGQ GTKLEIKGGG GSGIPPKIEC120

LPIDISIDEG KVLTVASAFT GEPTPEVTWS TGGRKHSQE QGRFHIENTD DSTTLTIKDV180

QKQDGGLYTL TLRNEFGSDS ATVNIHIRSI210

3-59 Secuencias

3-59-1 Identificador de la secuencia 59

3-59-2 Tipo de molécula AA

3-59-3 Extensión 445

3-59-4-1 Características Localización/Calificadores source 1..445

mol_type = protein

note = SDP01696 H2

organism = synthetic construct

3-59-5 Residuos

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT DYEMHWVRQA PGQGLEWMGA LDPKTGDTAY60

SQKFKGRVTL TADKSTSTAY MELSSLTSED TAVYYCTRFY SYTYWGQGTL VTVSSASTKG120

PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL180

SSVVTVPSSS LGTQTYICNV NHKPSNTKVD KKVEPKSCDK THTCPPCPAP EFEGGPSVFL240

FPPKPKDTLM ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV300

VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVCTLP PSREEMTKNQ360

VSLSCAVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG SFFLVSKLTV DKSRWQQGNV420

FSCSVMHEAL HNHYTQKSLS LSPGK445

3-60	Secuencias	
3-60-1	Identificador de la secuencia	60
3-60-2	Tipo de molécula	AA
3-60-3	Extensión	674
3-60-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..674 mol_type = protein note = SDP01704 H2 organism = synthetic construct
3-60-5	Residuos	
		QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT DYEMHWVRQA PGQGLEWMGA LDPKTGDTAY60
		SQKFKGRVTL TADKSTSTAY MELSSLTSED TAVYYCTRFY SYTYWGQGTL VTVSSASTKG120
		PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL180

SSVVTVPSSS LGTQTYICNV NHKPSNTKVD KKVEPKSCDG GGGSGGGGSQ VQLVQSGAEV240
 KKPGASVKVS CKASGYTFTD YEMHWVRQAP GQGLEWMGAL DPKTGDTAYS QKFKGRVTLT300
 ADKSTSTAYM ELSSLTSEDV AVYYCTRFYS YTYWGQGLV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK360
 STSGGTAALG CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SSVVTVPSSSL420
 GTQTYICNVN HKPSNTKVDK KVEPKSCDKT HTPPCPAPE FEGGPSVFLF PPKPKDTLMI480
 SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW540
 LNGKEYKCKV SNKALPAIE KTISKAKGQP REPQVCTLPP SREEMTKNQV SLSCAVKGFY600
 PSDIAVEWES NGQPENNYKT TPPVLDSGGS FFLVSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH660
 NHYTQKSLSL SPGK674

3-61	Secuencias	
3-61-1	Identificador de la secuencia	61
3-61-2	Tipo de molécula	AA
3-61-3	Extensión	219
3-61-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..219 mol_type = protein note = SDP01704 L2 organism = synthetic construct

3-61-5 Residuos

DVVMTQSPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQSLV HSNRNTYLHW YLQKPGQSPQ LLIYKVSNRF60

SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCSQNTHVP PTFGQGTKLE IKRTVAAPSV120

FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSTYSL180

SSTLTLSKAD YEKHKVYACE VTHQGLSSPV TKSFNRGEC219

3-62 Secuencias

3-62-1	Identificador de la secuencia	62
3-62-2	Tipo de molécula	AA
3-62-3	Extensión	5
3-62-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..5 mol_type = protein note = linker organism = synthetic construct

3-62-5 Residuos

GGNGT5

3-63 Secuencias

3-63-1	Identificador de la secuencia	63
3-63-2	Tipo de molécula	AA
3-63-3	Extensión	5
3-63-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..5 mol_type = protein note = linker organism = synthetic construct
3-63-5	Residuos YNGGT5	
3-64	Secuencias	
3-64-1	Identificador de la secuencia	64
3-64-2	Tipo de molécula	AA
3-64-3	Extensión	5
3-64-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..5 mol_type = protein note = linker organism = synthetic construct

3-64-5 Residuos

EPKSS5

3-65 Secuencias

3-65-1 Identificador de la secuencia

65

3-65-2 Tipo de molécula

AA

3-65-3 Extensión

5

3-65-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..5

mol_type = protein

note = linker

organism = synthetic construct

3-65-5 Residuos

GGGGS5

3-66 Secuencias

3-66-1 Identificador de la secuencia

66

3-66-2 Tipo de molécula

AA

3-66-3 Extensión

10

3-66-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..10

mol_type = protein

note = linker

organism = synthetic construct

3-66-5 Residuos

GGGSGGGGS10

3-67 Secuencias

3-67-1 Identificador de la secuencia

67

3-67-2 Tipo de molécula

AA

3-67-3 Extensión

15

3-67-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..15

mol_type = protein

note = linker

organism = synthetic construct

3-67-5 Residuos

GGGSGGGGS GGGGS15

3-68	Secuencias	
3-68-1	Identificador de la secuencia	68
3-68-2	Tipo de molécula	AA
3-68-3	Extensión	20
3-68-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..20 mol_type = protein note = linker organism = synthetic construct
3-68-5	Residuos	
	GGGSGGGGS GGGSGGGGS20	

3-69	Secuencias	
3-69-1	Identificador de la secuencia	69
3-69-2	Tipo de molécula	AA
3-69-3	Extensión	25
3-69-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..25 mol_type = protein note = linker

organism = synthetic construct

3-69-5 Residuos
GGGGSGGGGS GGGGSGGGGS GGGGS25

3-70 Secuencias

3-70-1 Identificador de la secuencia 70

3-70-2 Tipo de molécula AA

3-70-3 Extensión 4

3-70-4-1 Características Localización/Calificadores source 1..4
mol_type = protein
note = linker
organism = synthetic construct

3-70-5 Residuos
ASGS4

3-71 Secuencias

3-71-1 Identificador de la secuencia 71

3-71-2 Tipo de molécula AA

3-71-3	Extensión	4
3-71-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..4 mol_type = protein note = linker organism = synthetic construct
3-71-5	Residuos AAAS4	
3-72	Secuencias	
3-72-1	Identificador de la secuencia	72
3-72-2	Tipo de molécula	AA
3-72-3	Extensión	11
3-72-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..11 mol_type = protein note = null note(zh) = VHH 后的序列 organism = synthetic construct
3-72-5	Residuos	

GGGGSHHHHH H11

3-73 Secuencias

3-73-1 Identificador de la secuencia 73

3-73-2 Tipo de molécula AA

3-73-3 Extensión 356

3-73-4-1 Características Localización/Calificadores source 1..356
mol_type = protein
note = SDP05576
organism = synthetic construct

3-73-5 Residuos

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCSVSGSTFS DFAMGWL RQA PGKERE FVAA ISWTGGRTYY60

ADSVKGRFTI SRDNSKNTVY LQMNSLRAED TAVYYCAASR DCSGPGCRVH EYDYWGQGTL120

VTVSSAAASD KTHTCPPCPA PELLGGPSVF LFPPKPKDTL MISRTPEVTC VVVDVSHEDP180

EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVS NKALPAP240

IEKTISKAKG QPREPQVYTL PPSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNGQPENNY300

KTTTPVLDSG GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK356
